

NF VALIDATION
Validation of alternative analytical methods
Application in food microbiology

Summary report

Validation study according to the EN ISO 16140-2:2016

GeneDisc® Plate STEC method

for detection of shiga-toxin-producing *Escherichia coli* (STEC) from O26, O103, O111, O145 and O157 serogroups in raw beef meat (25 g test portion), raw dairy products (25 g test portion) and vegetables (25 g test portion)

Qualitative method

> Expert Laboratory:	ADRIA Développement ZA Creac'h Gwen 29196 Quimper Cedex (France)
> For:	Pall Genedisc Technologies Centre d'affaires CICEA 4 rue du Courtil F-35170 BRUZ (France)

This report consists of 186 pages, including 7 appendices.

Only copies including the totality of this report are authorised.

Competencies of the laboratory are certified by COFRAC accreditation for the analyses marked with the symbol♦.

Version 0
March 23, 2023



1	AIM OF THE STUDY	5
2	METHOD PROTOCOLS	5
2.1	Alternative method	5
2.1.1	<i>Principle</i>	5
2.1.2	<i>Protocols</i>	7
2.1.3	<i>Restrictions</i>	7
2.2	Reference method	7
2.3	Study design	8
3	METHOD COMPARISON STUDY	8
3.1	Sensitivity study	9
3.1.1	<i>Number and nature of samples</i>	9
3.1.2	<i>Artificial contamination of samples</i>	12
3.1.3	<i>Protocols applied during the validation study</i>	12
3.1.4	<i>Test results</i>	14
3.1.5	<i>Calculation of relative trueness (RT), sensitivity (SE) and false positive ratio (FPR)</i>	14
3.1.6	<i>Analysis of discordant results</i>	18
3.1.7	<i>Confirmation</i>	28
3.1.8	<i>PCR inhibition</i>	31
3.2	Relative level of detection	31
3.2.1	<i>Experimental design</i>	31
3.2.2	<i>Calculation and interpretation of the RLOD</i>	33
3.2.3	<i>Conclusion</i>	33
3.3	Inclusivity / exclusivity	34
3.3.1	<i>Test protocols</i>	34
3.3.2	<i>Results</i>	34
3.4	Practicability	35

4	INTER-LABORATORY STUDY	36
4.1	Study organisation	36
4.2	Experimental parameters controls	38
4.2.1	Strain stability and background microflora stability	38
4.2.2	Contamination levels	38
4.2.3	Logistic conditions	39
4.3	Results analysis	40
4.3.1	Expert laboratory results	40
4.3.2	Results observed by the collaborative laboratories	40
4.3.3	Results of the collaborators retained for interpretation	43
4.4	Calculation and interpretation	44
4.4.1	Calculation of the specificity percentage (SP)	44
4.4.2	Calculation of the sensitivity (SE_{alt}), the sensitivity for the reference method (SE_{ref}), the relative trueness (RT) and the false positive ratio for the alternative method (FPR)	44
4.4.3	Interpretation of data	45
4.4.4	Evaluation of the LOD _{50%} , LOD _{95%} and RLOD between laboratories	48
5	CONCLUSION	48
>	Appendix 1 – Flow diagram of the alternative method: GeneDisc® Plate STEC for detection of shiga-toxin-producing <i>Escherichia coli</i> (STEC) from O26, O103, O111, O145 and O157 serogroups	50
>	Appendix 2 – Flow diagram of the reference method Internal method from ADRIA Développement based on ISO/TS 13136	52
>	Appendix 3 – Artificial contamination of samples	53
>	Appendix 4 – Sensitivity study: raw data	62
>	Appendix 5 – Relative level of detection study: raw data	101
>	Appendix 6 – Inclusivity and exclusivity study: raw data	107
>	Appendix 7 - Results obtained by the collaborative laboratories and the expert laboratory	111

Quality Assurance documents related to this study can be consulted upon request from **Pall Genedisc Technologies**.

The technical protocol and the result interpretation were carried out according to the EN ISO 16140-2:2016 and the AFNOR technical rules (PR Revision 7).

Validation protocols	<ul style="list-style-type: none"> ▪ EN ISO 16140-1 (June 2016) : Microbiology of the food chain - Method validation - <i>Part 1: Vocabulary</i> ▪ EN ISO 16140-2 (June 2016) : Microbiology of the food chain - Method validation - <i>Part 2: Protocol for the validation of alternative (proprietary) methods against a reference method</i> ▪ AFNOR Technical Rules (PR Revision n° 7)
Reference method[♦]	Internal method based on ISO/TS 13136 (November 2012): Microbiology of food and animal feed - Real-Time Polymerase Chain Reaction (PCR) based method for the detection of food-borne pathogens. Horizontal method for the detection of shiga-toxin producing (STEC) and the determination of O157, O111; O26, O103 and O145 serogroups
Alternative method	GeneDisc® Plate STEC method for detection of shiga-toxin-producing <i>Escherichia coli</i> (STEC) from O26, O103, O111, O145 and O157 serogroups
Scope	<ul style="list-style-type: none"> <input checked="" type="checkbox"/> Raw beef meat (25 g test portion) <input checked="" type="checkbox"/> Raw dairy products (25 g test portion) <input checked="" type="checkbox"/> Vegetables (25 g test portion)
Certification organism	AFNOR Certification (http://nf-validation.afnor.org/)

[♦] Analyses performed according to the COFRAC accreditation

1 AIM OF THE STUDY

The **GeneDisc® Plate STEC method** for detection of shiga-toxin-producing *Escherichia coli* (STEC) from O157, O111, O26, O103 and O145 groups in raw ground beef (25 g test portion), raw dairy products (25 g test portion) and vegetables (25 g test portion) was validated on the 21st of March 2019 (certificate number: GEN 25/09-03/19). The method was renewed in February 2023.

The following GeneDisc® Plates are in the scope of validation (See Table 1).

Table 1

Designation	Part number	IFU index
GeneDisc Plate STEC	GSTEHEC106006 GSTEHEC112006	FBIFUGDSTECENd
GeneDisc Plate STEC & <i>Salmonella</i> spp.	GSTECSL106006 GSTECSL112006	FBIFUGDSTECSSPPENd
GeneDisc Plate pathogenic <i>E. coli</i> O157	GECO157106006 GECO157112006	FBIFUGDECO157ENd
GeneDisc Plate pathogenic <i>E. coli</i> O157 & <i>Salmonella</i> spp.	GECOSLM206006 GECOSLM212006	FBIFUGDECO157SSPPENd
GeneDisc Plate EHEC5 ID	GEHECID106006	FBIFUGDEHECENd
GeneDisc Plate STEC Top 7	GTOP7EC106006	FBIFUGDSTEC7ENd

For the STEC detection, the GeneDisc format 1 - 2 - 3 and 4 need to be associated with the GeneDisc Plate EHEC5 ID.

2 METHOD PROTOCOLS

2.1 Alternative method

The flow diagram of the alternative method is provided in **Appendix 1**.

2.1.1 Principle

The principles of the different GeneDisc formats included in the scope of the validation study are described in Table 2.

Table 2 – Principle and configuration of Genedisc® Plates

Name of the method	Principle	Configuration GeneDisc® 6 sectors			Configuration GeneDisc® 12 sectors		
		Well	FAM	ROX	Well	FAM	ROX
GeneDisc® Plate STEC ⁽¹⁾ and GeneDisc® Plate Pathogenic <i>E. coli</i> O157	The GeneDisc® Plate STEC and Pathogenic <i>E. coli</i> O157 methods enable the detection of DNA from shiga-toxin <i>Escherichia coli</i> (STEC) in food samples using the real-time polymerase chain reaction.	1	-	Inhibition control	1	-	Inhibition control
		2	-	-	2	<i>stx2</i>	<i>stx1</i>
		3	<i>stx2</i>	<i>stx1</i>	3	O157	<i>eae</i>
		4	<i>stx2</i>	<i>stx1</i>			
		5	O157	<i>eae</i>			
		6	O157	<i>eae</i>			
GeneDisc® Plate EHEC 5 ID ⁽¹⁾	The GeneDisc® Plate EHEC 5 ID method enables the detection of DNA from shiga-toxin <i>Escherichia coli</i> (STEC) belonging to serogroups O26, O103, O111, O145 and the flagellar H7 in raw beef meats, dairy products and vegetables using the real-time polymerase chain reaction.	1		Inhibition control			
		2	O145				
		3	H7	O111			
		4	H7	O111			
		5	O26	O103			
		6	O26	O103			
GeneDisc® Plate STEC & <i>Salmonella</i> spp ⁽¹⁾ and GeneDisc® Plate Pathogenic <i>E. coli</i> O157 & <i>Salmonella</i> spp.	The GeneDisc® Plate STEC & <i>Salmonella</i> spp and Pathogenic <i>E. coli</i> O157 & <i>Salmonella</i> spp. method enables the detection of DNA from shiga-toxin <i>Escherichia coli</i> (STEC) belonging to serogroup O157 in food samples using the real-time polymerase chain reaction.	1		Inhibition control	1	-	Inhibition control
		2	-	-	2	<i>Salmonella</i> spp.	<i>stx1-2</i>
		3	<i>Salmonella</i> spp.	<i>stx1-2</i>	3	O157	<i>eae</i>
		4	<i>Salmonella</i> spp.	<i>stx1-2</i>			
		5	O157	<i>eae</i>			
		6	O157	<i>eae</i>			
GeneDisc® Plate STEC TOP7 ⁽¹⁾	The GeneDisc® Plate STEC TOP 7 method enables the detection of DNA from shiga-toxin <i>Escherichia coli</i> (STEC) belonging to serogroups, O26, O45, O103, O111, O121, O145 and O157 in food matrices using the real-time polymerase chain reaction.	1	O145	Inhibition control			
		2	<i>eae</i> epsilon	<i>stx1-2</i>			
		3	<i>eae</i> beta	<i>eae</i> gamma			
		4	<i>eae</i> theta	O111			
		5	O157	O26			
		6	O103	O45-O121			

⁽¹⁾: GeneDisc tested for the validation study

2.1.2 Protocols

Several protocols are available depending on the food matrices tested; they are described in Table 3.

Table 3 - Protocols

Protocol steps	Raw beef meat	Raw dairy products	Vegetables
Test portion	Protocol ① 25 g (Unpaired study)	Protocol ② 25 g (Unpaired study)	Protocol ③ 25 g (Paired study)
Enrichment broth	BPW pre-warmed at 41.5°C ± 1°C	BPW + acriflavin (10 mg/l)	BPW
Volume of enrichment broth	225 ml	225 ml	225 ml
Enrichment condition	8 h - 20 h at 41.5°C ± 1°C	18 h ± 2 h at 37°C ± 1°C	18 h ± 2 h at 37°C ± 1°C
Sample volume for DNA extraction	50 µl		
Extraction PackFood	Pack Food 1 or 2		
PCR screening	GeneDisc Plate STEC Top7 <u>or</u> GeneDisc Plate STEC + GeneDisc Plate EHEC 5 ID <u>or</u> GeneDisc Plate STEC & <i>Salmonella</i> spp. + GeneDisc Plate EHEC 5ID <u>or</u> GeneDisc Plate Pathogenic <i>E. coli</i> O157 & <i>Salmonella</i> spp. + GeneDisc Plate EHEC 5ID <u>or</u> GeneDisc Plate Pathogenic <i>E. coli</i> O157 + GeneDisc Plate EHEC 5ID		
Confirmation	Direct streaking or immunocapture + PCR Streaking onto selective agar plates PCR on typical colonies using GeneDisc Plate TOP 7 after lysis step		

2.1.3 Restrictions

There is no restriction for use.

2.2 Reference method♦

The **reference method is the internal method from ADRIA Développement, based on ISO/TS 13136 (November 2012)**: Microbiology of food and animal feed - Real-Time Polymerase Chain Reaction (PCR) based method for the detection of food-borne pathogens. Horizontal method for the detection of shiga-toxin-producing (STEC) and the determination of O157, O111; O26, O103 and O145 serogroups. The protocol is described in **Appendix 2**.

Table 4 describes the different possibilities of conclusions according to the ISO/TS 13136 method. As the target of the alternative method concerns only the positive *stx* 1 or/and *stx* 2 and *eae* and serogroup, only the last two lines were concerned by this validation study.

Table 4 – Interpretation of results obtained for the reference method

PCR <i>stx</i>	PCR <i>eae</i>	PCR Serogroup	Confirmation on colony	Conclusion	Final result in the report
-	/	/	/	STEC not detected	-
+	-	/	-	Presumptive detection of STEC	-
	-	/	+	STEC detected	-
+	+	-	-	Presumptive detection of STEC associated with attaching-effacing activity	-
			+	Detection of STEC associated with attaching-effacing activity	-
		+	-	Presumptive detection of STEC from serogroup XXX	-
			+	STEC from serogroup XXX detected	+

Not concerned for this validation study

2.3 Study design

The study was **an unpaired study design** as the reference and the alternative methods have different enrichment procedures, except for Protocol ③.

For the inter-laboratory study, it was an unpaired study design as Protocol ① was applied.

3 METHOD COMPARISON STUDY

The method comparison study is a study performed by the expert laboratory to compare the alternative method with the reference method.

The study was carried out on a diversity of samples and strains representative of agri-food products. This does not constitute an exhaustive list of the different matrices included in the scope.

For any comment on the alternative method, please contact AFNOR Certification at <http://nf-validation.afnor.org/contact-2/>.

3.1 Sensitivity study

The sensitivity (SE) is the ability of the method to detect the analyte by either the reference or alternative method.

3.1.1 Number and nature of samples

231 samples were analysed providing 109 (STEC + EHEC), 105 (STEC & *Salmonella* + EHEC), 108 (TOP7) positive results and 122 (STEC + EHEC), 126 (STEC & *Salmonella* + EHEC), 123 (TOP7) negative results.

The distribution per tested category, type and GeneDisc Plate is given in Table 5.

The distribution of positive samples per serogroup detected is given in Table 6 per category, type and GeneDisc format.

As described in the AFNOR technical rules (PR REV 7), the meat products were mainly contaminated with O145 (11 samples) and O157 (14 samples), the dairy products with O26 (8 samples) and O103 (10 samples), the vegetables products with O111 (11 samples).

Table 5 – Distribution per tested category, type and GeneDisc Plate

Category		Type		GeneDisc® Plate STEC + EHEC			GeneDisc® Plate STEC & <i>Salmonella</i> + EHEC			GeneDisc® Plate STEC TOP7		
				Positive samples	Negative samples	Total	Positive samples	Negative samples	Total	Positive samples	Negative samples	Total
1	Raw beef meat 8h	a	Raw	12	10	22	12	10	22	12	10	22
		b	Frozen	15	10	25	15	10	25	15	10	25
		c	Seasoned and marinated	12	10	22	12	10	22	12	10	22
		Total		39	30	69	39	30	69	39	30	69
	Raw beef meat 20h	a	Raw	12	10	22	12	10	22	12	10	22
		b	Frozen	15	10	25	15	10	25	15	10	25
		c	Seasoned and marinated	12	10	22	12	10	22	12	10	22
		Total		39	30	69	39	30	69	39	30	69
2	Raw dairy products	a	Raw milk	18	15	33	18	15	33	18	15	33
		b	Raw milk cheeses	16	26	42	16	26	42	16	26	42
		Total		34	41	75	34	41	75	34	41	75
3	Vegetables	a	Sprouts	12	31	43	8	35	43	11	32	43
		b	Baby leaves	11	9	20	11	9	20	11	9	20
		c	Fresh, frozen, non seasoned	13	11	24	13	11	24	13	11	24
		Total		36	51	87	32	55	87	35	52	87
Total 8h				109	122	231	105	126	231	108	123	231
Total 20h				109	122	231	105	126	231	108	123	231

Table 6 – Distribution of positive samples per serogroup detected per category, type and GeneDisc Plate

Category	Type	GeneDisc® Plate STEC + EHEC							GeneDisc® Plate STEC & Salmonella + EHEC							GeneDisc® Plate STEC TOP7							
		O26	O103	O111	O145	O157	MIX	Total	O26	O103	O111	O145	O157	MIX	Total	O26	O103	O111	O145	O157	MIX	Total	
1	Raw beef meat 8h	a Raw	2	2	0	4	4	0	12	2	2	0	4	4	0	12	2	2	0	4	4	0	12
		b Frozen	4	0	3	5	3	0	15	4	0	3	5	3	0	15	4	0	3	5	3	0	15
		c Seasoned and marinated	1	1	1	2	7	0	12	1	1	1	2	7	0	12	1	1	1	2	7	0	12
		Total	7	3	4	11	14	0	39	7	3	4	11	14	0	39	7	3	4	11	14	0	39
	Raw beef meat 20h	a Raw	2	2	0	4	4	0	12	2	2	0	4	4	0	12	2	2	0	4	4	0	12
		b Frozen	4	0	3	5	3	0	15	4	0	3	5	3	0	15	4	0	3	5	3	0	15
		c Seasoned and marinated	1	1	1	2	7	0	12	1	1	1	2	7	0	12	1	1	1	2	7	0	12
		Total	7	3	4	11	14	0	39	7	3	4	11	14	0	39	7	3	4	11	14	0	39
2	Raw dairy products	a Raw milk	5	5	1	1	4	2	18	5	5	1	1	4	2	18	9	4	1	1	3	0	18
		b Raw milk cheeses	3	5	2	3	3	0	16	3	5	2	3	3	0	16	2	6	2	3	3	0	16
	Total	8	10	3	4	7	2	34	8	10	3	4	7	2	34	11	10	3	4	6	0	34	
3	Vegetables	a Sprouts	5	0	3	2	2	0	12	2	0	2	2	2	0	8	4	0	3	2	2	0	11
		b Baby leaves	1	1	4	2	2	1	11	0	1	4	2	2	2	11	1	0	4	2	2	2	11
		c Fresh, frozen, non seasoned	2	4	4	1	2	0	13	2	4	4	1	2	0	13	2	4	4	1	2	0	13
		Total	8	5	11	5	6	1	36	4	5	10	5	6	2	32	7	4	11	5	6	2	35
Total 8h		23	18	18	20	27	3	109	19	18	17	20	27	4	105	25	17	18	20	26	2	108	
Total 20h		23	18	18	20	27	3	109	19	18	17	20	27	4	105	25	17	18	20	26	2	108	

3.1.2 Artificial contamination of samples

Artificial contaminations were done by seeding or spiking protocol. The artificial contaminations are presented in **Appendix 3**.

160 samples were artificially contaminated, using 38 different strains. 104 gave a positive result. 56 samples gave a negative result:

- 33 inoculated at a level ≤ 3 CFU,
- 20 inoculated between 3 and 10 CFU,
- 3 inoculated between 10 and 20.6 CFU.

The repartition of the positive samples per inoculation protocol and inoculation level, as well as the number of inoculated samples giving negative results is given in Table 7.

Table 7 - Repartition of the positive samples per inoculation protocol and inoculation level as well as the number of inoculated samples giving negative results

		Naturally contaminated	Inoculation protocol			Total
			Seeding (CFU/sample)			
			≤ 3 CFU	$3 < x \leq 10,0$	$10 < x \leq 30$	
Number of inoculated samples		/	95	60	5	160
Negative results	Number of samples	/	33	20	3	56
	% of inoculated samples	/	20,6%	12,5%	1,9%	35,0%
Positive results	Number of samples	7	66	34	2	109
	% of total positive samples	6,4%	60,6%	31,2%	1,8%	100,0%

6.4 % of the samples were naturally contaminated. These samples were contaminated with O103 (2 samples), O157 (4 samples), O26 and O103 (1 sample). Note that 2 samples were contaminated with the inoculated strain and a strain present naturally in the product (sample 2497: O26/O157, sample 5578: O26/O103).

3.1.3 Protocols applied during the validation study

> Incubation times

The following protocols were applied (See Table 8):

Table 8 - Protocols

	Protocol ①	Protocols ② and ③
Enrichment step	8 h and 20 h	16 h
Selective agar plates	22 h	

> **GeneDisc® Plate tested**

In order to test the different available GeneDisc® configurations, the following GeneDisc® were tested for sensitivity study and inclusivity/exclusivity study:

- STEC (= Pathogenic *E. coli* O157) + EHEC 5 ID;
- STEC & *Salmonella* spp. (= Pathogenic *E. coli* O157 & *Salmonella* spp.) + EHEC 5 ID);
- TOP7.

For the relative level of detection, only the GeneDisc® Plate TOP 7 was tested.

> **Confirmation protocols**

- For positive PCR screening samples (STEC + EHEC 5 ID and/or STEC & *Salmonella* + EHEC 5 ID and/or TOP 7), confirmation by:
 - * Direct streaking onto selective agar plates (CHROMagar STEC for all the serogroups, CT-SMAC for O157 positive PCR result and CT-RMAC for O26 positive PCR result)
 - * Immunocapture of the detected serogroup (the Captivate immunobeads were used during the validation study), PCR using the GeneDisc® Plate TOP 7 and streaking of 10 µl of immunoconcentrate onto selective agar plates (CHROMagar STEC, CT-SMAC, CT-RMAC) even if this second PCR is negative.
- For negative PCR samples (STEC + EHEC 5 ID and/or STEC & *Salmonella* + EHEC 5 ID and/or TOP 7), confirmation by direct streaking onto selective agar plates (CHROMagar STEC and CT-SMAC and CT-RMAC)
- In case of discordant results (positive PCR for screening step), and negative with the confirmation method, confirmation using the alternative protocol was carried out.
- In case of these three protocols did not allow to confirm the presence of STEC in the enrichment broth, the alternative protocols developed at ADRIA for the Internal method based on the ISO/TS 13136 was applied.

The colonies were confirmed using the GeneDisc Plate TOP7.

3.1.4 Test results

Raw data per category are given in **Appendix 4**. The results are given in Table 9.

Table 9 – Interpretation of sample results between the reference and alternative method (based on the confirmed alternative method results)

GeneDisc Plate STEC + EHEC								
Category		PA	NA	PD	ND	PPND	PPNA	Total
1	Raw beef meat - 8h	12	29	18	9	0	1	69
	Raw beef meat - 20h	13	29	18	8	0	1	69
2	Raw dairy products	16	39	12	5	1	2	75
3	Vegetables	27	48	7	2	0	3	87
Total 8h		55	116	37	16	1	6	231
Total 20h		56	116	37	15	1	6	231

GeneDisc Plate STEC & Salmonella + EHEC								
Category		PA	NA	PD	ND	PPND	PPNA	Total
1	Raw beef meat - 8h	12	29	18	9	0	1	69
	Raw beef meat - 20h	13	29	18	8	0	1	69
2	Raw dairy products	16	40	12	5	1	1	75
3	Vegetables	27	52	3	2	0	3	87
Total 8h		55	121	33	16	1	5	231
Total 20h		56	121	33	15	1	5	231

GeneDisc® Plate STEC TOP7								
Category		PA	NA	PD	ND	PPND	PPNA	Total
1	Raw beef meat - 8h	13	30	18	8	0	0	69
	Raw beef meat - 20h	13	30	18	8	0	0	69
2	Raw dairy products	14	39	12	7	1	2	75
3	Vegetables	27	49	6	2	0	3	87
Total 8h		54	118	36	17	1	5	231
Total 20h		54	118	36	17	1	5	231

3.1.5 Calculation of relative trueness (RT), sensitivity (SE) and false positive ratio (FPR)

The calculations are presented in Table 10.

Table 10 – Calculation of the relative trueness (RT), the sensitivity (SE) and the false positive ratio (FPR)

GeneDisc Plate STEC + EHEC												
Category	Type	PA	NA*	PD	ND**	PPND	PPNA	SE _{alt} %	SE _{ref} %	RT %	FPR %	
1	Raw beef meat 8h	a Raw	1	10	9	2	0	0	83,3	25,0	50,0	0
		b Frozen	6	9	3	6	0	1	60,0	80,0	64,0	10
		c Seasoned and marinated	5	10	6	1	0	0	91,7	50,0	68,2	0,0
		Total	12	29	18	9	0	1	76,9	53,8	60,9	3,3
	Raw beef meat 20h	a Raw	1	10	9	2	0	0	83,3	25,0	50,0	0
		b Frozen	7	9	3	5	0	1	66,7	80,0	68,0	10
		c Seasoned and marinated	5	10	6	1	0	0	91,7	50,0	68,2	0,0
Total		13	29	18	8	0	1	79,5	53,8	62,3	3,3	
2	Raw dairy products	a Raw milk	11	14	7	0	0	1	100,0	61,1	78,8	6,7
		b Raw milk cheeses	5	25	5	5	1	1	62,5	68,8	73,8	7,7
		Total	16	39	12	5	1	2	82,4	64,7	76,0	7,3
3	Vegetables	a Sprouts	5	28	7	0	0	3	100,0	41,7	83,7	9,7
		b Baby leaves	10	9	0	1	0	0	90,9	100,0	95,0	0
		c Fresh, frozen, non-seasoned	12	11	0	1	0	0	92,3	100,0	95,8	0,0
		Total	27	48	7	2	0	3	94,4	80,6	89,7	5,9
Total 8h		55	116	37	16	1	6	84,4	66,1	76,6	5,7	
Total 20h		56	116	37	15	1	6	85,3	66,1	77,1	5,7	

* PPNA not included

** PPND not included

GeneDisc Plate STEC & Salmonella + EHEC												
Category		Type	PA	NA*	PD	ND**	PPND	PPNA	SE _{alt} %	SE _{ref} %	RT %	FPR %
1	Raw beef meat 8h	a Raw	1	10	9	2	0	0	83,3	25,0	50,0	0
		b Frozen	6	9	3	6	0	1	60,0	80,0	64,0	10
		c Seasoned and marinated	5	10	6	1	0	0	91,7	50,0	68,2	0,0
		Total	12	29	18	9	0	1	76,9	53,8	60,9	3,3
	Raw beef meat 20h	a Raw	1	10	9	2	0	0	83,3	25,0	50,0	0
		b Frozen	7	9	3	5	0	1	66,7	80,0	68,0	10
		c Seasoned and marinated	5	10	6	1	0	0	91,7	50,0	68,2	0,0
		Total	13	29	18	8	0	1	79,5	53,8	62,3	3,3
2	Raw dairy products	a Raw milk	10	15	7	1	0	0	94,4	61,1	75,8	0,0
		b Raw milk cheeses	6	25	5	4	1	1	68,8	68,8	76,2	7,7
		Total	16	40	12	5	1	1	82,4	64,7	76,0	4,9
3	Vegetables	a Sprouts	5	32	3	0	0	3	100,0	62,5	93,0	8,6
		b Baby leaves	10	9	0	1	0	0	90,9	100,0	95,0	0
		c Fresh, frozen, non-seasoned	12	11	0	1	0	0	92,3	100,0	95,8	0,0
		Total	27	52	3	2	0	3	93,8	90,6	94,3	5,5
Total 8h			55	121	33	16	1	5	83,8	68,6	78,4	4,8
Total 20h			56	121	33	15	1	5	84,8	68,6	78,8	4,8

* PPNA not included

** PPND not included

GeneDisc® Plate STEC TOP7												
Category		Type	PA	NA*	PD	ND**	PPND	PPNA	SE _{alt} %	SE _{ref} %	RT %	FPR %
1	Raw beef meat 8h	a <i>Raw</i>	1	10	9	2	0	0	83,3	25,0	50,0	0
		b <i>Frozen</i>	7	10	3	5	0	0	66,7	80,0	68,0	0
		c <i>Seasoned and marinated</i>	5	10	6	1	0	0	91,7	50,0	68,2	0,0
		Total	13	30	18	8	0	0	79,5	53,8	62,3	0,0
	Raw beef meat 20h	a <i>Raw</i>	1	10	9	2	0	0	83,3	25,0	50,0	0
		b <i>Frozen</i>	7	10	3	5	0	0	66,7	80,0	68,0	0
		c <i>Seasoned and marinated</i>	5	10	6	1	0	0	91,7	50,0	68,2	0,0
		Total	13	30	18	8	0	0	79,5	53,8	62,3	0,0
2	Raw dairy products	a <i>Raw milk</i>	9	15	7	1	0	0	94,4	61,1	75,8	0,0
		b <i>Raw milk cheeses</i>	5	24	5	5	1	2	62,5	68,8	73,8	11,5
		Total	14	39	12	6	1	2	79,4	64,7	74,7	7,3
3	Vegetables	a <i>Sprouts</i>	4	29	6	1	0	3	90,9	45,5	83,7	9,4
		b <i>Baby leaves</i>	10	9	0	1	0	0	90,9	100,0	95,0	0
		c <i>Fresh, frozen, non-seasoned</i>	13	11	0	0	0	0	100	100,0	100,0	0,0
		Total	27	49	6	2	0	3	94,3	82,9	90,8	5,8
Total 8h			54	118	36	16	1	5	84,3	66,7	77,1	4,9
Total 20h			54	118	36	16	1	5	84,3	66,7	77,1	4,9

* PPNA not included

** PPND not included

A summary of the results is given in Table 11.

Table 11 - Summary of results

		GeneDisc Plate STEC + EHEC		GeneDisc Plate STEC & Salmonella + EHEC		GeneDisc® Plate STEC TOP7	
		8 h	20 h	8 h	20 h	8 h	20 h
Sensitivity for the alternative method	$SE_{alt} = \frac{(PA + PD)}{(PA + ND + PD)} \times 100\%$	84.4	85.3	83.8	84.8	84.3	84.3
Sensitivity for the reference method	$SE_{ref} = \frac{(PA + ND)}{(PA + ND + PD)} \times 100\%$	66.1	66.1	68.6	68.6	66.7	66.7
Relative trueness	$RT = \frac{(PA + NA)}{N} \times 100\%$	76.6	77.1	78.4	78.8	77.1	77.1
False positive ratio for the alternative method* FP = PPNA + PPND	$FPR = \frac{(FP)}{NA} \times 100\%$	5.7	5.7	4.8	4.8	4.9	4.9

With $ND = ND + PPND$
 $NA = NA + PPNA$

3.1.6 Analysis of discordant results

The negative deviations are given in Table 12 and the positive deviations in Table 13.

Table 12 - Negative deviations

Sample N°	Product	ISO/TS 13136♦		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method- Raw beef meat-8h incubation time												Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method- Raw beef meat-20h incubation time												Category	Type		
				PCR STEC + EHEC	PCR STEC & Salmonella + EHEC	PCR TOP 7	Confir-mation	STEC + EHEC			STEC & Salmonella + EHEC			TOP 7			PCR STEC	PCR STEC & Salmonella	PCR TOP 7	Confir-mation	STEC + EHEC			STEC & Salmonella + EHEC			TOP 7				
								Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result	Sero-group	Agree-ment					Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result			Sero-group	Agree-ment
5132	Ground beef	+	O157	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	a
3937	Raw beef trim	+	O145	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	a
3948	Frozen ground beef	+	O157	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	b
3949	Frozen ground beef	+	O157	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	b
3950	Frozen ground beef	+	O145	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	b
5141	Frozen ground beef	+	O145	-	-	STEC O145	STEC O145	-	/	ND	-	/	ND	+	O145	PA	+	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PA	+	O145	PA	+	O145	PA	1	b
5145	Frozen beef trim	+	O26	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	b
5773	Frozen beef trim	+	O145	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	b
3941	Marinated beef	+	O157	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	1	c

Sample N°	Product	ISO/TS 13136♦		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method - Raw dairy products and Vegetables – 16 h enrichment time													Category	Type
				PCR STEC + EHEC	PCR STEC & Salmonella + EHEC	PCR TOP 7	Confirmation	STEC + EHEC			STEC & Salmonella + EHEC			TOP 7				
								Global result	Serogroup	Agreement	Global result	Serogroup	Agreement	Global result	Serogroup	Agreement		
4829	Raw goat milk	+	O157	STEC O157 STEC O103 STEC O145	STEC O157 STEC O103 STEC O145	-	STEC O157	+	O157	PA	+	O157	PA	-	/	ND	2	a
5417	Raw goat milk cheese	+	O26	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	2	b
5420	Raw goat milk cheese	+	O103	STEC O26 STEC O103 STEC O145	STEC O26 STEC O103 STEC O145	STEC O26	-	-	/	PPND	-	/	PPND	-	/	PPND	2	b
5423	Raw goat milk cheese	+	O103	-	STEC O103	STEC O103	STEC O103	-	/	ND	+	O103	PA	+	O103	PA	2	b
5425	Raw goat milk cheese	+	O103	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PA	+	O103	PA	-	/	ND	2	b
5426	Raw ewe milk cheese	+	O103	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	2	b
5577	Raw cow milk	+	O26	STEC O26 STEC O103 STEC O145	-	STEC O26	STEC O26	+	O26	PA	-	/	ND	+	O26	PA	2	a
5856	Raw cow milk cheese	+	O145	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	2	b
5859	Raw ewe milk cheese	+	O145	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	2	b
3738	Baby leaves	+	O157	-	-	-	-	-	/	ND	-	/	ND	-	/	ND	3	b
5667	Sprouts (Lentils)	+	O157	STEC O157 STEC O111	STEC O157 STEC O111	-	STEC O157(AP ISO)	-	/	PA	-	/	PA	-	/	ND	3	a
6231	Vegetable mix	+	O103	-	-	STEC O103	STEC O103	-	/	ND	-	/	ND	+	O103	PA	3	c

Bold typing: artificial contaminated samples

Table 13 - Positive deviations

Sample N°	Product	ISO/TS 13136♦	Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method Raw beef meat-8h incubation time												Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method Raw beef meat-20h incubation time												Category	Type								
			PCR STEC + EHEC	PCR STEC & Salmonella + EHEC	PCR TOP 7	Confirmation	STEC + EHEC			STEC & Salmonella + EHEC			TOP 7			PCR STEC	PCR STEC & Salmonella	PCR TOP 7	Confirmation	STEC + EHEC			STEC & Salmonella + EHEC			TOP 7										
							Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result	Sero-group	Agree-ment					Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result	Sero-group	Agree-ment	Global result			Sero-group	Agree-ment	Global result	Sero-group	Agree-ment			
3934	Raw beef trim	-	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	1	a
3938	Raw beef trim	-	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	1	a			
5129	Ground beef	-	STEC O157:H7 STEC O103 STEC O145	STEC O145 STEC O157 STEC O103	STEC O145 STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	STEC O157:H7 STEC O103 STEC O145	STEC O157:H7 STEC O103 STEC O145	STEC O157:H7 STEC O103 STEC O145	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	1	a			
5130	Ground beef	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	1	a			
5133	Ground beef	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	1	a			
5134	Ground beef	-	STEC O103	STEC O103	STEC O103	STEC O103	+	O103	PD	+	O103	PD	+	O103	PD	STEC O103	STEC O103	STEC O103	STEC O103	+	O103	PD	+	O103	PD	+	O103	PD	+	O103	PD	1	a			
5135	Ground beef	-	STEC O157:H7 STEC O145	STEC O145 STEC O157	STEC O145 STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	STEC O157:H7 STEC O145	STEC O157:H7 STEC O145	STEC O157:H7 STEC O145	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	1	a			
5777	Beef trim	-	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	1	a			
5780	Beef trim	-	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	1	a			
5144	Frozen beef trim	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	STEC O26 STEC O145	STEC O26 STEC O145	STEC O26 STEC O145	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	1	b			
5772	Frozen beef trim	-	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	1	b			
5774	Frozen beef trim	-	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	1	b			
5136	Seasoned ground beef	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	1	c			
5139	Seasoned ground beef	-	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	1	c			
3943	Marinated beef	-	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	1	c			
3944	Marinated beef	-	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157:H7	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	1	c			
5781	Marinated beef trim	-	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	1	c			
5782	Marinated beef trim	-	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	1	c			

♦ Analyses performed according to the COFRAC accreditation
ADRIA Développement
Summary report (Version 0)
GeneDisc STEC

Sample N°	Product	ISO/TS 13136* Global result	Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method - Raw dairy products and Vegetables – 16 h enrichment time													Category	Type
			PCR STEC + EHEC	PCR STEC & Salmonella + EHEC	PCR TOP 7	Confirmation	STEC + EHEC			STEC & Salmonella + EHEC			TOP 7				
							Global result	Serogroup	Agreement	Global result	Serogroup	Agreement	Global result	Serogroup	Agreement		
5110	Raw goat milk	-	STEC O103 STEC O111	STEC O103 STEC O111	STEC O103 STEC O111	STEC O103	+	O103	PD	+	O103	PD	+	O103	PD	2	a
5574	Raw goat milk	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	2	a
5579	Raw cow milk	-(O103)	STEC O103 STEC O145 STEC O157	STEC O103 STEC O145 STEC O157	STEC O103	STEC O103	+	O103	PD	+	O103	PD	+	O103	PD	2	a
5580	Raw cow milk	-(O103) -(O145)	STEC O103 STEC O145 STEC O157	STEC O103 STEC O145 STEC O157	STEC O103	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	2	a
5581	Raw ewe milk	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	2	a
5582	Raw ewe milk	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	2	a
5583	Raw ewe milk	-(O157)	STEC O103	STEC O103	STEC O103	STEC O103	+	O103	PD	+	O103	PD	+	O103	PD	2	a
5419	Raw cow milk cheese	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	2	b
5422	Raw cow milk cheese	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	+	O26	PD	+	O26	PD	2	b
5858	Raw ewe milk cheese	-	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	2	b
5860	Raw ewe milk cheese	-	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	2	b
5862	Raw ewe milk cheese	-	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	+	O145	PD	2	b
1734	Sprouts (Radish)	-	STEC O111	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	-	/	NA	+	O111	PD	3	a
1735	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	+	O111	PD	+	O111	PD	3	a
1942	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	STEC O26	-	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	-	/	NA	+	O26	PD	3	a
2494	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	-	-	STEC O145	STEC O145	-	/	NA	-	/	NA	+	O145	PD	3	a
2496	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	STEC O145	STEC O145	- / -	STEC O145	+	O145	PD	+	O145	PD	-	/	NA	3	a
4713	Sprouts	-	STEC O26	-	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	-	/	NA	+	O26	PD	3	a
4714	Sprouts	-	STEC O157	-	-	STEC O157 (AP ISO)	+	O157	PD	-	/	NA	-	/	NA	3	a
5666	Sprouts (Radish)	-	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157 (AP ISO)	+	O157	PD	+	O157	PD	+	O157	PD	3	a

> Negative deviations:

17 or 16 negative deviations were observed using the STEC + EHEC and STEC & *Salmonella* + EHEC GeneDisc depending on the incubation time applied for the meat products category.

18 negative deviations were observed for the GeneDisc Plate TOP7 whatever the incubation time applied.

For the meat category, for sample 5141, the PCR result was negative using the GeneDisc Plate TOP7; the presence of *Escherichia coli* O145 was confirmed in the enrichment broth. After 20 h incubation time of the BPW, the PCR result was positive.

For the dairy and the vegetables categories, the presence of STEC was confirmed in 6 samples among the 12 samples concerned by the negative deviations. Note that when all the formats of GeneDisc tested gave negative PCR results, the confirmatory tests gave also negative results (samples 5417, 5426, 5856, 5859 and 3738). This shows that the contamination level of the samples for which the confirmatory tests confirmed the presence of STEC in the enrichment broths, was just at the limit of detection giving either a positive or a negative PCR result.

Additionally, samples in negative agreement (NA) were confirmed positive using cultural methods. This concerns 1 sample when using the STEC+EHEC GeneDiscs, 5 samples when using the STEC & *Salmonella* + EHEC and 2 samples when using the TOP 7.

> Positive deviations:

37, 33 and 36 positive results were obtained respectively for GeneDisc Plate STEC + EHEC, STEC & *Salmonella* + EHEC and TOP7.

For the vegetables category for which the same enrichment step was applied (BPW for 16 h at 37°C for the alternative method and BPW for 18 h at 37°C for the reference method) (paired study design), discordant results were observed: 7 PD, 2 ND for STEC; 3 PD, 2 ND for STEC & *Salmonella*; 6 PD, 2 ND for TOP7.

For some samples in positive deviations, the DNA extracts prepared for the reference method were tested using the GeneDisc Plate TOP7 and the DNA extracts prepared with the extraction PackFood2 were tested with the reference method PCR. Tests were carried out in triplicate when enough DNA extract was available. The results are presented in Table 14.

Table 14 - Crossed tests on samples in positive deviation (lysis Alt/PCR Ref - lysis Ref/ PCR Alt)

Sample	Replicate	DNA extract reference method (DNeasy Blood and Tissue Kit Qiagen)															DNA extract Pack Food 2																											
		PCR reference				PCR Alternative method (TOP 7)											PCR Alternative method (TOP 7)											PCR alternative (STEC + EHEC)					PCR reference											
		stx1	stx2	eae	Final result	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC	Final result	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	Final result	eae	O157	stx 1	stx 2	H7	O103	O111	O145	O26	Final result	stx1	stx2	eae	Final result
1734	1	-	-	36,16	-	0.0	35.4	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.9	-	0	35,6	0	0	0	0	34,7	36,6	0	0	0	0	STEC O111	34,9	0.0	35,9	0.0	0.0	0.0	35,6	0.0	0.0	STEC O111	-	-	/	-
	2	/	/	/	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	38.6	0.0	0.0	0.0	31.1	-	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
	3	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
1735	1	-	-	34,2	-	0.0	35.5	35.7	0.0	0.0	33.4	36.2	35.6	0.0	0.0	31.5	STEC O111	0	37,9	39,5	0	0	35,4	33,9	36,2	0	0	0	STEC O111	35,4	0.0	38,1	0.0	31,3	0.0	34,5	37,8	0.0	STEC O111	-	-	/	-	
	2	/	/	/	/	0.0	37.8	0.0	0.0	0.0	0.0	34.6	0.0	0.0	0.0	30.9	-	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
	3	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
1942	1	-	-	/	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	33.7	0.0	0.0	37.4	0.0	31.4	-	0	0	0	0	35,5	0	36,3	0	0	36,3	0	STEC O26	34,4	0.0	36	0.0	29	0.0	0.0	0.0	36,6	STEC O26	-	-	/	-	
	2	/	/	/	/	0.0	0.0	0.0	0.0	34.8	0.0	35.3	0.0	0.0	31.1	STEC O26	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
	3	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
2496	1	-	-	/	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	34.3	0.0	34.6	0.0	0.0	31.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	34,7	36,6	0,0	35,9	0,0	0,0	-	42,5	0.0	0.0	37,6	30,8	0.0	0.0	37,2	0.0	STEC O145	-	-	/	-
	2	/	/	/	/	0.0	0.0	40.0	0.0	0.0	31.6	34.9	0.0	35.9	0.0	0.0	30.7	STEC O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	35,3	36,7	0,0	35,9	0,0	0,0	-	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
	3	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/
Total		0+ / 4 tests				3 + / 8 tests											3 + / 6 tests											4 + / 4 tests					0 + / 12 tests											

The results show that when the DNA extracts obtained for reference method were tested using the GeneDisc Plate TOP7, positive PCR results were obtained for one replicate on 2 tested for 3 samples (1735, 1942 and 2496). For one sample (1734), the 2 PCR tests gave negative results. For the DNA extracts prepared using the DNA extract PackFood2 using the reference method PCR, the 3 replicates gave negative results. The Cq values obtained with the GeneDisc were relatively high (Cq range 34.9 - 42.5); this could explain the negative result obtained for the reference PCR tests.

All the samples for which the presence of STEC was confirmed in the enrichment broth, gave positive PCR result with minimum one of the 3 tested GeneDisc Plate.

The detection limit of the GeneDisc PCR determined in matrices is for all the targets around 10 CFU/well except for O103 (83% of positive results at this level). The detection limit of the internal method based on the ISO/TS 13136 as determined in water is for stx1:19 CFU/well, stx2: 11 CFU/well, eae: 8 CFU/well, O26: 10 CFU/well, O103: 8CFU/well, O111: 9 CFU/well, O145: 6 CFU/well, O157: 16 CFU/well.

According to the ISO 20838 (2018) "Microbiology of food and animal feeding stuffs", the PCR method is supposed to detect 100 DNA copies in the well. The performances of the internal method based on the ISO /TS 13136 meet this criterion for all the targets.

The analyses of discordant results according to the EN ISO 16140-2:2016 is the following (See Table 15).

Table 15 - Analyses of discordant results

GeneDisc Plate STEC + EHEC															
Category	Type	Study design	N+	ND	PPND	PD	Paired				Unpaired		Combined		
							(ND+ PPND)-PD	AL	(ND+ PPND)+PD	AL	(ND+ PPND)-PD	AL	(ND+ PPND)-PD	AL	
1	Raw beef meat 8h	a Raw	unpaired	12	2	0	9					-7		-7	
		b Frozen	unpaired	15	6	0	3					3		3	
		c Seasoned and marinated	unpaired	12	1	0	6					-5		-5	
	Total			39	9	0	18					-9	3	-9	3
	Raw beef meat 20h	a Raw	unpaired	12	2	0	9					-7		-7	
		b Frozen	unpaired	15	5	0	3					2		2	
c Seasoned and marinated		unpaired	12	1	0	6	-5		-5						
Total			39	8	0	18	-10	3	-10	3					
2	Raw dairy products	a Raw milk	unpaired	18	0	0	7	-7		-7					
		b Raw milk cheeses	unpaired	16	5	1	5	1		1					
	Total			34	5	1	12	-6	3	-6	3				
3	Vegetables	a Sprouts	paired	12	0	0	7	-7		7		-7			
		b Baby leaves	paired	11	1	0	0	1		1		1			
		c Fresh, frozen, non seasoned	paired	13	1	0	0	1		1		1			
	Total			36	2	0	7	-5	3	9	6	-5	3		
Total 8h			109	16	1	37	-5	3	9	6	-15	4	-20	5	
Total 20h			109	15	1	37	-5	3	9	6	-16	4	-21	5	

GeneDisc Plate STEC & Salmonella + EHEC															
Category	Type	Study design	N+	ND	PPND	PD	Paired				Unpaired		Combined		
							(ND+ PPND)-PD	AL	(ND+ PPND)+PD	AL	(ND+ PPND)-PD	AL	(ND+ PPND)-PD	AL	
1	Raw beef meat 8h	a Raw	unpaired	12	2	0	9					-7		-7	
		b Frozen	unpaired	15	6	0	3					3		3	
		c Seasoned and marinated	unpaired	12	1	0	6					-5		-5	
		Total		39	9	0	18					-9	3	-9	3
	Raw beef meat 20h	a Raw	unpaired	12	2	0	9					-7		-7	
		b Frozen	unpaired	15	5	0	3					2		2	
		c Seasoned and marinated	unpaired	12	1	0	6					-5		-5	
		Total		39	8	0	18					-10	3	-10	3
2	Raw dairy products	a Raw milk	unpaired	18	1	0	7	-6		-6					
		b Raw milk cheeses	unpaired	16	4	1	5	0		0					
		Total		34	5	1	12	-6	3	-6	3				
3	Vegetables	a Sprouts	paired	8	0	0	3	-3		3		-3			
		b Baby leaves	paired	11	1	0	0	1		1		1			
		c Fresh, frozen, non seasoned	paired	13	1	0	0	1		1		1			
		Total		32	2	0	3	-1	3	5	6	-1	3		
Total 8h				105	16	1	33	-1	3	5	6	-15	4	-16	5
Total 20h				105	15	1	33	-1	3	5	6	-16	4	-17	5

GeneDisc® Plate STEC TOP7																			
Category	Type	Study design	N+	ND	PPND	PD	Paired				Unpaired		Combined						
							(ND+ PPND)-PD	AL	(ND+ PPND)+PD	AL	(ND+ PPND)-PD	AL	(ND+ PPND)-PD	AL					
1	Raw beef meat 8h	a Raw	unpaired	12	2	0	9												
		b Frozen	unpaired	15	5	0	3												
		c Seasoned and marinated	unpaired	12	1	0	6												
	Total			39	8	0	18									-7		-7	
	Raw beef meat 20h	a Raw	unpaired	12	2	0	9									-7		-7	
		b Frozen	unpaired	15	5	0	3									2		2	
c Seasoned and marinated		unpaired	12	1	0	6	-5		-5										
Total			39	8	0	18	-10	3	-10	3									
2	Raw dairy products	a Raw milk	unpaired	18	1	0	7	-6		-6									
		b Raw milk cheeses	unpaired	16	5	1	5	1		1									
	Total			34	6	1	12	-5	3	-5	3								
3	Vegetables	a Sprouts	paired	11	1	0	6	-5		7		-5							
		b Baby leaves	paired	11	1	0	0	1		1		1							
		c Fresh, frozen, non seasoned	paired	13	0	0	0	0		0		0							
	Total			35	2	0	6	-4	3	8	6	-4	3						
Total 8h			108	16	1	36	-4	3	8	6	-15	4	-19	5					
Total 20h			108	16	1	36	-4	3	8	6	-15	4	-19	5					

For the GeneDisc Plate STEC + EHEC, the observed values for $((ND + PPND) - PD)$ meet the acceptability limit for each individual category and for all the combined categories (calculated values $\leq AL$).

The observed value for $(ND + PPND + PD = 9)$ is above the acceptability limit ($AL = 6$) for vegetables (paired study design), but note that 7 positive deviations and 2 negative deviations were observed. This indicates higher performances of the GeneDisc Plate method.

For the GeneDisc Plate TOP7, the same situation is observed with $(ND + PPND + PD = 8)$ ($PD = 6, ND = 2$) for an $AL = 6$.

For the GeneDisc Plate STEC & *Salmonella* + EHEC, the calculated values $((ND + PPND) - PD)$ and $(ND + PPND + PD)$ meet the acceptability limit for each category and for all combined categories.

3.1.7 Confirmation

Three confirmation protocols were applied during the study:

- Direct streaking onto selective agar plate (CHROMagar STEC, CT-SMAC or CT-RMAC);
- IMS step before streaking;
- Alternative protocol only in case of 2 other protocols did not allow to confirm the PCR results.

If these three protocols did not give a positive confirmation result, the alternative protocol dedicated to the reference method was also performed.

The number of positive confirmatory tests obtained per protocol and per category is given in Table 16.

Table 16 - Number of positive confirmatory tests obtained per category and protocol applied

GeneDisc format	GeneDisc Plate STEC + EHEC			GeneDisc Plate STEC & <i>Salmonella</i> + EHEC			GeneDisc® Plate STEC TOP7		
	Category	1	2	3	1	2	3	1	2
Number of positive samples confirmed	31	28	34	31	28	30	31	27	33
Number of samples confirmed by direct streaking	30	22	20	30	22	20	30	22	20
Number of samples confirmed by IMS	31	25	22	31	25	21	31	25	22
Number of samples confirmed by GeneDisc alternative protocol	0	3	9	0	3	7	0	2	10
Number of samples confirmed by ISO alternative protocols	0	0	3	0	0	2	0	0	1
Number of samples not confirmed (PPN)	1	3	3	1	2	3	0	3	3

PPN: positive presumptive not confirmed

For the meat category, 30 positive PCR samples were confirmed by direct streaking procedure; one additional sample was confirmed by applying an IMS step prior streaking. For one sample (3953), it was not possible to confirm the presence of STEC in the enrichment broth whatever the protocol applied (See detailed results in Table 17). This sample gave positive PCR tests with STEC and STEC & *Salmonella* GeneDisc.

For the dairy products category, 22 samples were confirmed by direct streaking; 3 additional samples were confirmed by IMS. The alternative protocol of the GeneDisc Plate methods allowed to confirm 3 samples (4831, 5425, 5579). For 3 samples (4177, 4833 and 5420), the positive PCR results were not confirmed.

For the vegetables category, 20 samples were confirmed by direct streaking, 22 by IMS procedure. The alternative protocol of the GeneDisc Plate method allowed to confirm 9 additional positive PCR results. 3 samples (4714, 5666 and 5667) were confirmed by performing the alternative protocols dedicated to the reference method.

Note that when a positive PCR (TOP7) was obtained on the immuno-concentrate (IMS protocol), the presence of STEC colonies was confirmed on the selective agar plates and when a negative PCR was obtained, no STEC colony was isolated on the plates.

6 samples which gave positive PCR result with one the GeneDisc format, were not confirmed. Note that for one sample (3726), the presence of the following genes was detected in isolated colonies (stx1, stx2, vir O26, O103).

Table 17 - Unconfirmed positive presumptive samples by the protocols described for the alternative method

Sample n°	Product	ISO	STEC	STEC & Salmonella	TOP7	Alternative method confirmation procedures (DS/IMS/Alt)	Reference alternative confirmation protocol (AP)	Category	Type
3953	Frozen ground beef	-	+O103 (27,9/30,2/32,6)	+O103 (27,4/29,2/32,6)	-	-	-	1	b
4177	Raw cow milk	-(O26/O103/O145/O157)	STEC O157 STEC O26 STEC O145 STEC O103	-	-	-	-	2	a
4833	Raw goat milk cheese	-	STEC O103	STEC O103	STEC O103	-	-	2	b
5427	Raw cow milk cheese	-	-	-	STEC O103	-	-	2	b
5420	Raw goat milk cheese	O103	STEC O26 STEC O103 STEC O145	STEC O26 STEC O103 STEC O145	STEC O26	-	-	2	b
3726	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	STEC O103	-	-	-	-(stx1+, stx2+, vir O26+, O103)	3	
4714	Sprouts	-	STEC O111 STEC O26	-	-	-	+ O26	3	a
4717	Sprouts	-	STEC O103	STEC O103	STEC O103	-	-	3	a
5666	Sprouts (Radish)	-	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	+ O157	3	a
5667	Sprouts (Lentils)	O157	STEC O157 STEC O111	STEC O157 STEC O111	-	-	+ O157	3	a
5668	Sprouts (Mung beans, leek)	-	STEC O111	-	-	-	-	3	a
4719	Sprouts	-	-	STEC O103	STEC O103	-	-	3	a
5664	Sprouts (Alfalfa)	-	-	STEC O157	-	-	-	3	a
4718	Sprouts	-	-	-	STEC O103	-	-	3	a

For information, 7 positive screening PCR results obtained with the reference method were not confirmed. This concerns 5 dairy products and 2 vegetables products.

3.1.8 PCR inhibition

922 DNA extracts were prepared from enriched samples for the sensitivity study; only 3 inhibitions were observed (See Table 18).

Table 18 - Inhibitions observed for the sensitivity study

Sample N°	Product	PCR result			
		STEC	STEC & Salmonella	EHEC	TOP7
3939 (8 h)	Beef meat	-	-	i/-	-
6247 (20 h)	Carpaccio	-	-	i/-	-
3946 (8 h)	Frozen beef trim	-	-	i/-	-

The DNA extracts were tested again without applying any dilution, and a negative result was obtained.

3.2 Relative level of detection

The relative level of detection is the level of detection at $P = 0.50$ (LOD_{50}) of the alternative (proprietary) method divided by the level of detection at $P = 0.50$ (LOD_{50}) of the reference method.

The RLOD is defined as the ratio of the alternative and reference methods:

$$RLOD = \frac{LOD_{Alt.}}{LOD_{Ref.}}$$

3.2.1 Experimental design

Five (matrix/strain) pairs were analyzed by the reference method and by the alternative method (See Table 19).

Table 19 - Defined (matrix/strain) pairs for the RLOD determination

Category	Matrix	Strain	Origin	Storage conditions before analysis	Protocol	Study design
Raw beef meats	Raw ground beef	<i>E. coli</i> O157:H7 Ad683 (eae+, stx1+, stx2+)	Beef meat	48 h at 3°C ± 2°C	① 8 - 20 h at 41.5°C ¹	Unpaired
Raw dairy products	Raw milk	<i>E. coli</i> O26 Ad1741 (eae+, stx1+, stx2+)	Raw milk cheese	24 h at 3°C ± 2°C	② 18 ± 2 h at 37°C	Unpaired
	Raw milk cheese	<i>E. coli</i> O103 Ad982 (eae+, stx1+, stx2+)	Cheese	48 h at 3°C ± 2°C	② 18 ± 2 h at 37°C	Unpaired
Vegetables	Baby leaves	<i>E. coli</i> O111 Ad981 (eae+, stx1+, stx2+)	Clinic	48 h at 3°C ± 2°C	③ 18 ± 2 h at 37°C	Paired
	Sprouts	<i>E. coli</i> O145 Ad2310 (eae+, stx1-, stx2+)	Unknown	48 h at 3°C ± 2°C	③ 18 ± 2 h at 37°C	Paired

For raw milk, a storage period of 24 h was applied instead of 48 h as initially proposed. We encountered difficulties to find a non-contaminated (STEC) raw milk batch with low background microflora. When applying a 48h storage period, the mesophilic aerobic enumeration varied from 8.0×10^5 to 1.2×10^7 CFU/g and the inoculated *E. coli* was not able to grow. It was thus decided to reduce the storage time to 24 h. Note that 4 RLOD were run in order to have the right number of positive results per inoculation level.

A minimum of three inoculation levels were prepared per matrix consisting of:

- A negative control: 5 replicates;
- A low level: 20 replicates with fractional positive result;
- A high level: 5 replicates.

A total plate count determination on each matrix was performed to estimate the total microbial load on the day of analysis. The matrix should contain microbial competitors at a level at least 1 log higher than the target analyte.

¹ Both incubation times were tested during the validation study.

3.2.2 Calculation and interpretation of the RLOD

The raw data are given in **Appendix 5**. The RLOD calculations were performed using the Excel spreadsheet available at <http://standards.iso.org/iso/16140> - RLOD (clause 5-1-4-2 Calculation and interpretation of RLOD) version 06.07.2015. The RLOD are given Table 20.

Table 20 – Presentation of RLOD before and after confirmation of the alternative method results

Name	Study design	AL	RLOD	RLODL	RLODU	b=ln(RLOD)	sd(b)	z-Test statistic	p-value
Raw beef (8h and 20h) / E. coli O157:H7 Ad683	Unpaired	2,5	1,249	0,550	2,835	0,222	0,410	0,542	0,588
Raw milk / E. coli O26 Ad1741	Unpaired	2,5	0,761	0,334	1,735	-0,273	0,412	0,663	1,492
Raw milk cheese / E. coli O103 Ad982	Unpaired	2,5	0,308	0,103	0,925	-1,177	0,549	2,142	1,968
Baby Leaves / E. coli O111 Ad981	Paired	1,5	1,000	0,457	2,187	0,000	0,391	0,000	1,000
Sprouts / E. coli Ad 2310	Paired	1,5	0,930	0,321	2,691	-0,073	0,531	0,137	1,109
Combined	/		0,835	0,577	1,208	-0,180	0,185	0,977	1,672

The LOD_{50%} calculations according to Wilrich & Wilrich POD-LOD calculation program - version 11, 2022-10-12 test are given in Table 21.

Table 21 - LOD₅₀ results

Category	(Strain / matrix) pair	Level of detection at 50% (CFU/test portion) according to Wilrich & Wilrich ²	
		Reference method	Alternative method
Raw beef meats	Raw beef (8h and 20h) / E. coli O157:H7 Ad683	0.7 [0.4;1.3]	0.9 [0.5;4.0]
Raw dairy products	Raw milk / E. coli O26 Ad1741	1.0 [0.6;1.9]	0.8 [0.5;1.4]
	Raw milk cheese / E. coli O103 Ad982	6.1 [3.0;12.3]	2.4 [1.4;4.2]
Vegetables	Baby Leaves / E. coli O111 Ad981	1.0 [0.5;1.7]	1.0 [0.5;1.7]
	Sprouts / E. coli Ad 2310	4.0 [1.9;8.4]	3.5 [1.7;7.2]
	Combined results	2.0 [1.5 ;2.6]	1.5 [1.2;2.0]

3.2.3 Conclusion

The RLOD meet the AL for all the tested matrix/strain pairs.
The LOD₅₀ varies from 0.7 to 6.1 CFU/test portion for the reference method and from 0.8 to 3.5 CFU/ test portion for the alternative method.

² Wilrich, C., and P.-Th. Wilrich: Estimation of the POD function and the LOD of a qualitative microbiological measurement method. AOAC International **92** (2009) 1763 - 1772.

3.3 Inclusivity / exclusivity

The inclusivity is the ability of the alternative method to detect the target analyte from a wide range of strains. The exclusivity is the lack of interference from a relevant range of non-target strains of the alternative method.

3.3.1 Test protocols

50 positive strains and 30 negative strains were tested. At least, 10 strains were tested for the O26 (12), O103 (10) and O157 (14) serogroups and 5 strains for the O111 (7) and O145 (7) serogroups.

> Inclusivity

E. coli strain cultures were performed in BHI medium at 37°C. Dilutions were done in order to inoculate 10 - 100 cells/225 ml of BPW + acriflavin (10 mg/l) as it is the most challenging protocol. The broth was incubated for 16 h at 37°C. The alternative protocol was then performed including the confirmations.

> Exclusivity

The non-target strains were grown in BHI medium. Dilutions were done in order to inoculate 10⁵ cells/ml of BPW. The broths were incubated for 24 h at 37°C. The alternative protocol was then performed.

3.3.2 Results

Raw data are given in **Appendix 6**.

> Inclusivity

The 50 target strains tested gave positive PCR results with the three GeneDisc Plate tested.

46 strains gave typical colonies on CHROMagar STEC; 4 strains were not able to grow on this selective agar plate: *E. coli* O103 Ad1772, *E. coli* O103: M2 56-12, *E. coli* O103 M2 262-03-18-1 and *Escherichia coli* O157:H7 5233 n° 34.

The confirmation procedure was applied (GeneDisc TOP7) from colonies isolated on TBX for the 3 *E. coli* O103 and from CT-SMAC for the *E. coli* O157:H7.

One strain, *E. coli* O26:H11 1311-12 gave no typical pink colonies on CT-RMAC plate.

> Exclusivity

No cross reaction was observed with the 30 non-target strains.

The GeneDisc® Plate STEC method for detection of shiga-toxin-producing *Escherichia coli* (STEC) from O26, O103, O111, O145 and O157 serogroups is specific and selective.

3.4 Practicability

The alternative method practicability was evaluated according to the AFNOR criteria relative to method comparison study.

Storage conditions, shelf-life and modalities of utilization after first use	Store the extraction Pack Food 2 at room temperature (15 - 30°C) Store the GeneDisc plates. at 5°C ± 3°C Expiration date: the information is provided on the pack		
Time to result	Steps	Reference method	Alternative method
	Negative samples		
	Sampling	Day 0	Day 0
	Lysis and PCR	Day 1	Day 0 (protocol 8 h) or Day 1
	Final result	Day 1	Day 1
	Presumptive positive or positive results		
	Sampling	Day 0	Day 0
	Lysis and PCR	Day 1	Day 0 (protocol 8 h) or Day 1
	Direct streaking or IMS	Day 1	Day 0 or Day 1
	Reading plates	Day 2	Day 1 or Day 2
	PCR on colonies	Day 2	Day 1 or Day 2
	Final result	Day 2	Day 1 or Day 2
	Common step with the reference method	For vegetables category, the enrichment step is common with the reference method.	

The negative results are available the day of initiating the analyses for the raw beef meat category (8 h incubation time) and the positive result in one day.

The negative results are available in one day for the raw dairy products and vegetables and the positive results in 2 days.

The alternative method protocol is less time consuming and significantly easier to perform than the reference method.

4 INTER-LABORATORY STUDY

The inter-laboratory study is a study performed by multiple laboratories testing identical samples at the same time, the results of which are used to estimate alternative-method performance parameters.

4.1 Study organisation

> Collaborators number

Samples were sent to 9 laboratories; 2 collaborators were involved in the study for Lab A and Lab G and 3 collaborators for Lab B. Finally, 14 collaborators participated to the study.

> Matrix and strain used

Ground beef (15 % fat) was obtained from a local meat industry and was inoculated with *Escherichia coli* O26:H11 12-62 isolated from meat.

> Samples

Samples were prepared and inoculated on Monday 21st January 2019, as described below:

- 24 blind coded samples (25 g) for shiga-toxin-producing *Escherichia coli* (STEC) from O26, O103, O111, O145 and O157 detection by the GeneDisc® (TOP 7) (RED LABEL);
- 24 blind coded samples (25 g) for shiga-toxin-producing *Escherichia coli* (STEC) from O26, O103, O111, O145 and O157 detection by the internal ADRIA method based on ISO/TS 13136 reference method (BLUE LABEL);
- 1 sample (labelled “Sample for Total Count enumeration”) for Aerobic mesophilic flora enumeration by the ISO 4833-1 method
- 1 water flask labelled “Temperature Control” with a temperature probe.

> *Inoculation*

The targeted inoculation levels were the following:

- 0 CFU/25 g,
- 1 CFU/25 g (level providing fractional positive results),
- 8 CFU/25 g.

> *Labelling and shipping*

Blind coded samples were placed in isothermal boxes, which contained cooling blocks, and express-shipped to the different laboratories using UN2814 transport.

A temperature control flask containing a sensor was added to the package in order to register the temperature profile during the transport, the package delivery and storage until analyses.

Samples were shipped in 24 h to the involved laboratories. The temperature conditions had to stay lower or equal to 8°C during transport, and between 0°C – 8°C in the labs.

> *Analyses*

Collaborative study laboratories and the expert laboratory carried out the analyses on Tuesday 22 January or Wednesday 23 January 2019 with the alternative and reference methods. **The analyses by the reference method and the alternative method were performed on the same day.** Protocol ❶ was used during the study with the short incubation time, i.e. 8 h at 41.5°C ± 1°C. Note that for the inter-laboratory study, only the GeneDisc® Plate STEC TOP 7 was used.

The collaborators analysed the samples by the internal method of ADRIA Développement based on the ISO/TS 13136 method (enrichment). They proceeded to confirmation steps on all the samples (extraction and confirmation steps) using the IMS protocol before streaking onto selective agar plates. They sent their DNA extracts to ADRIA Développement which run the PCR analyses in frozen conditions (- 20°C).

The typical colonies isolated on the selective agar plates for the reference method were confirmed using the GeneDisc TOP 7 in order to facilitate the work of the collaborators.

The Expert Laboratory (ADRIA Développement) performed the analysis using the internal method of ADRIA Développement based on the ISO/TS 13136 method and the PCR tests (*eae*, *stx1*, *stx2*, O26) on the DNA extracts prepared by the collaborators.

4.2 Experimental parameters controls

4.2.1 Strain stability and background microflora stability

Strain stability was checked by inoculating the matrix at 1 CFU/25 g and 10^3 CFU/g. Detection and enumeration analyses were performed after 24 h and 48 h storage at $3 \pm 2^\circ\text{C}$. *Triplicates* were analysed. The aerobic mesophilic flora was also enumerated; the results are given in Table 22.

Table 22 - Sample stability

Day	Reference method (detection)			Alternative method (detection)			Aerobic mesophilic flora (CFU/g)	Enumeration (average on 3 replicates) (CFU/g)
	Sample 1	Sample 2	Sample 3	Sample 1	Sample 2	Sample 3		
Day 0	+	+	+	+	+	+	$2,2 \cdot 10^4$	$1,3 \cdot 10^3$
Day 1	+	+	+	+	+	+	$9,2 \cdot 10^4$	$1,2 \cdot 10^3$
Day 2	+	+	+	+	+	+	$1,1 \cdot 10^5$	$1,0 \cdot 10^3$

No evolution of the enumeration was observed during storage at $3^\circ\text{C} \pm 2^\circ\text{C}$ for 48 h and no decrease of the number of positive samples was observed for the low inoculated level samples.

4.2.2 Contamination levels

The contamination levels and the sample codification were the following (see Table 23).

Table 23 - Contamination levels

Level	Samples	Theoretical target level (b/sample)	True level (b/ sample)	Low limit / sample	High limit / sample
Level 0	1 / 3 / 5 / 12 / 15 / 18 / 21 / 24 / 27 / 30 / 32 / 34 / 37 / 41 / 43 / 47 / 49 / 53 / 55 / 58 / 60 / 66 / 68 / 71	/	/	/	/
Level 1	4 / 7 / 10 / 11 / 14 / 16 / 20 / 22 / 26 / 29 / 31 / 33 / 35 / 40 / 44 / 45 / 50 / 51 / 54 / 59 / 63 / 64 / 69 / 72	1	1,5	1,2	1,9
Level 2	2 / 6 / 8 / 9 / 13 / 17 / 19 / 23 / 25 / 28 / 36 / 38 / 39 / 42 / 46 / 48 / 52 / 56 / 57 / 61 / 62 / 65 / 67 / 70	8	9,8	8,1	12,0

4.2.3 Logistic conditions

Temperature conditions are given in Table 24.

Table 24 - Sample temperatures at receipt

Collaborators	Temperature measured by the probe (°C)	Temperature measured at receipt (°C)	Receipt date and time		Analysis date	Incubation time
A1	2,0	5,9	22/01/2019	8h30	23/01/2019	8h
A2	3,0	6,0				8h
B1	2,5	3,6	22/01/2019	8h45	23/01/2019	8h
B2	2,0	2,8				8h
B3	2,5	4,0				8h
C	1,5	2,7	22/01/2019	9h35	23/01/2019	8h
D	1,0	1,8	22/01/2019	12h20	23/01/2019	8h
E1	3,5	4,3	22/01/2019	9h15	23/01/2019	8h
E2	4,0	4,2				8h
F	1,5	3,5	22/01/2019	14h00	23/01/2019	8h
G1	5,0	0,6	22/01/2019	15h10	23/01/2019	8h
G2	5,5	0,8				8h
H	3,0	3,3	22/01/2019	10h20	23/01/2019	8h
I	2,5	7,5	22/01/2019	9h00	23/01/2019	8h

No problem was encountered during the transport or at receipt for the 14 collaborators. All the samples were delivered on time and in appropriate conditions. Temperatures during shipment and at receipt were all correct.

4.3 Results analysis

The raw data are given in **Appendix 7**.

4.3.1 Expert laboratory results

The results obtained by the expert laboratory are given in Table 25.

Table 25 – Results obtained by the expert Lab.

Level	Reference method	Alternative method
L0	0/8	0/8
L1	8/8	6/8
L2	8/8	8/8

All the spiked samples gave positive results using the reference method. For the alternative method, two samples spiked at the low level gave negative PCR and confirmation results.

4.3.2 Results observed by the collaborative laboratories

> **Aerobic mesophilic flora enumeration**

Depending on the Lab results, the enumeration levels varied from $1.8 \cdot 10^3$ to $3.3 \cdot 10^8$ CFU/g.

> **Shiga-toxin producing *E. coli* detection**

14 collaborators participated to the study. All the collaborators performed the analysis on Wednesday the 23rd of January 2019. The incubation time of 8 h at 41.5°C was respected by all the collaborators.

The results obtained for all the collaborators are provided in Table 26 (reference method) and Table 27 (alternative method).

**Table 26 - Positive results (before and after confirmation)
by the reference method (ALL the collaborators)**

Collaborators	Contamination level								
	L0			L1			L2		
	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result
A1	0	0	0	3	3	3	8	8	8
A2	0	0	0	4	4	4	8	8	8
B1	0	0	0	2	3	2	6	6	6
B2	0	0	0	2	3	2	8	8	8
B3	0	0	0	1	1	1	7	8	7
C	0	0	0	7	7	7	8	8	8
D	0	0	0	5	5	5	8	8	8
E1	0	0	0	5	5	5	8	8	8
E2	0	2	0	3	4	3	8	8	8
F	0	0	0	6	6	6	8	8	8
G1	4	2	1	6	6	6	8	8	8
G2	0	0	0	5	5	5	8	8	8
H	0	1	0	6	6	6	8	8	8
I	2	5	2	5	Not tested	Not determined	8	Not tested	Not determined
Total	P₀ = 6	C₀ = 10	CP₀ = 3	P₁ = 60	C₁ = 58	CP₁ = 55	P₂ = 109	C₂ = 102	CP₂ = 101

**Table 27 - Positive results (before and after confirmation)
by the alternative method (ALL the collaborators)**

Collaborators	Contamination level								
	L0			L1			L2		
	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result
A1	0	0	0	7	7	7	8	8	8
A2	0	0	0	7	7	7	8	8	8
B1	0	0	0	6	6	6	8	8	8
B2	0	0	0	7	7	7	8	8	8
B3	0	0	0	6	6	6	8	8	8
C	0	0	0	7	7	7	8	8	8
D	0	0	0	6	6	6	8	8	8
E1	0	0	0	8	8	8	8	8	8
E2	0	4	0	8	4	4	8	5	5
F	0	0	0	8	8	8	8	8	8
G1	3	7	2	8	8	8	8	8	8
G2	1	7	0	7	8	7	8	8	8
H	0	0	0	7	7	7	8	8	8
I	0	2	0	7	7	7	7	8	7
Total	P₀ = 4	C₀ = 20	CP₀ = 2	P₁ = 99	C₁ = 96	CP₁ = 95	P₂ = 111	C₂ = 109	CP₂ = 108

> **Results observed with the reference method**

- Collaborators B1, B2, B3, E2, H and I confirmed the presence of shiga-toxin producing *E. coli* in the enrichment broth while the PCR was negative. This concerns samples:
 - Collaborator B1: sample B16 (level 1);
 - Collaborator B2: sample B29 (level 1);
 - Collaborator B3: sample B56 (level 2);
 - Collaborator E2: samples E30 (level 0) and E41 (level 0);
 - Collaborator H: sample H12 (level 0);
 - Collaborator I: samples I12, I15, I18, I21 (level 1).
- Collaborators G1 and I obtained positive PCR results on unspiked samples (*stx+*, *eaet+*, O26+):
 - Collaborator G1: samples G3, G12, G18 and G24;
 - Collaborator I: samples I3 and I24.
- Collaborator I was not able to test the colonies isolated on selective agar plates with the GeneDisc Plate TOP 7 as it performed a control for each GeneDisc used and had no more GeneDisc to test the colonies.

> **Results observed with the alternative method**

- Collaborators E2, G1, G2 and I confirmed the presence of shiga-toxin producing *E. coli* in the enrichment broths while the PCR results were negative. This concerns samples:
 - Collaborator E2: samples E27, E30, E37, E47 (level 0);
 - Collaborator G1: samples G12, G15, G18, G21, G24 (level 0);
 - Collaborator G2: samples G27, G30, G32, G34, G41, G43, G47 (level 0), G44 (level 1);
 - Collaborator I: samples I12, I18 (level 0), I13 (level 2).
- Collaborator E2 obtained positive PCR results but the presence of STEC was not confirmed; this concerns samples E33, E40, E44, E45 (level 1) and samples E42, E46, E48 (level 2).

Finally, the data sets from Collaborators E2, G1, G2 and I were not kept for interpretation as more than one contamination was observed on unspiked samples (PCR and/or confirmation). 10 data sets are thus available for interpretation.

4.3.3 Results of the collaborators retained for interpretation

The results obtained with the 10 collaborators kept for interpretation are presented in Table 28 (reference method) and Table 29 (alternative method).

**Table 28 - Positive results (before and after confirmation)
by the reference method (Without Labs E2, G1, G2 and I)**

Collaborators	Contamination level								
	L0			L1			L2		
	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result
A1	0	0	0	3	3	3	8	8	8
A2	0	0	0	4	4	4	8	8	8
B1	0	0	0	2	3	2	6	6	6
B2	0	0	0	2	3	2	8	8	8
B3	0	0	0	1	1	1	7	8	7
C	0	0	0	7	7	7	8	8	8
D	0	0	0	5	5	5	8	8	8
E1	0	0	0	5	5	5	8	8	8
F	0	0	0	6	6	6	8	8	8
H	0	1	0	6	6	6	8	8	8
Total	P₀ = 0	C₀ = 1	CP₀ = 0	P₁ = 41	C₁ = 43	CP₁ = 41	P₂ = 77	C₂ = 78	CP₂ = 77

**Table 29 - Positive results (before and after confirmation)
by the alternative method (Without Labs E2, G1, G2 and I)**

Collaborators	Contamination level								
	L0			L1			L2		
	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result	PCR result	Confirmation result	Final result
A1	0	0	0	7	7	7	8	8	8
A2	0	0	0	7	7	7	8	8	8
B1	0	0	0	6	6	6	8	8	8
B2	0	0	0	7	7	7	8	8	8
B3	0	0	0	6	6	6	8	8	8
C	0	0	0	7	7	7	8	8	8
D	0	0	0	6	6	6	8	8	8
E1	0	0	0	8	8	8	8	8	8
F	0	0	0	8	8	8	8	8	8
H	0	0	0	7	7	7	8	8	8
Total	P₀ = 0	C₀ = 0	CP₀ = 0	P₁ = 69	C₁ = 69	CP₁ = 69	P₂ = 80	C₂ = 80	CP₂ = 80

4.4 Calculation and interpretation

4.4.1 Calculation of the specificity percentage (SP)

The percentage specificities (SP) of the reference method and of the alternative method, using the data after confirmation, based on the results of level L0 are the following (See Table 30).

Table 30 - Percentage specificity

Specificity for the reference method	$SP_{ref} = \left(1 - \left(\frac{P_0}{N_-}\right)\right) \times 100 \% =$	100 %
Specificity for the alternative method	$SP_{alt} = \left(1 - \left(\frac{CP_0}{N_-}\right)\right) \times 100 \% =$	100 %

N: number of all L0 tests

P_0 = total number of false-positive results obtained with the blank samples before confirmation

CP_0 = total number of false-positive results obtained with the blank samples

4.4.2 Calculation of the sensitivity (SE_{alt}), the sensitivity for the reference method (SE_{ref}), the relative trueness (RT) and the false positive ratio for the alternative method (FPR)

Fractional positive results were obtained for the low and the high inoculation levels (L1 + L2). The two inoculation levels were retained for calculation.

A summary of the results of the collaborators retained for interpretation, and obtained with the reference and the alternative methods for Level 1 and Level 2 is provided in Table 31.

Table 31 - Summary of the obtained results with the reference method and the alternative method for Level 1 and Level 2

Level	Response	Reference method positive (R+)	Reference method negative (R-)
1	Alternative method positive (A+)	Positive agreement (A+/R+) PA = 38	Positive deviation (R-/A+) PD = 31
	Alternative method negative (A-)	Negative deviation (A-/R+) ND = 3 (PPND = 0)	Negative agreement (A-/R-) NA = 8 (PPNA = 0)
2	Alternative method positive (A+)	Positive agreement (A+/R+) PA = 77	Positive deviation (R-/A+) PD = 3
	Alternative method negative (A-)	Negative deviation (A-/R+) ND = 0 (PPND = 0)	Negative agreement (A-/R-) NA = 0 (PPNA = 0)

Based on the data summarized in Table 31, the values of sensitivity of the alternative and reference methods, as well as the relative trueness and false positive ratio for the alternative method taking account the confirmations, are the following (See Table 32).

Table 32 - Sensitivity, relative trueness and false positive ratio percentages

		Level 1	Level 2
Sensitivity for the alternative method:	$SE_{alt} = \frac{(PA+PD)}{(PA+PD+ND)} \times 100\% =$	95.8 %	100.0 %
Sensitivity for the reference method:	$SE_{ref} = \frac{(PA+ND)}{(PA+PD+ND)} \times 100\% =$	56.9 %	96.3 %
Relative trueness	$RT = \frac{(PA+NA)}{N} \times 100\% =$	57.5 %	96.3 %
False positive ratio for the alternative method	$FPR = \frac{FP}{NA} \times 100\% =$	0 %	/

4.4.3 Interpretation of data

A summary of the negative and positive deviations is given in Table 33.

For the samples in negative deviation, the presence of STEC was not confirmed in the enrichment broth.

Table 33 - Summary of the negative and positive deviations

Negative deviations for Level 1		
Lab	Sample N°	Confirmation
C	C22	-
D	D22	-
H	H4	-

Positive deviations for Level 1	
Lab	Sample N°
A1	A7
	A11
	A16
	A20
A2	A33
	A35
	A40
B1	B10
	B14
	B16
	B22
B2	B26
	B29
	B33
	B35
	B45
B3	B51
	B54
	B59
	B63
	B69
C	C16
D	D11
	D14
E1	E7
	E11
	E16
F	F4
	F10
H	H14
	H16

Positive deviations for Level 2	
Lab	Sample N°
B1	B2
	B13
B3	B56

For an **unpaired study design**, the difference between (ND – PD) is calculated for the level(s) where fractional recovery is obtained (so L_1 and possibly L_2). The observed value found for (ND – PD) shall not be higher than the AL. The AL is defined as $[(ND - PD)_{max}]$ and calculated per level where fractional recovery is obtained as described below using the following three parameters:

$$(p+)_{ref} = \frac{P_x}{N_x}$$

where

P_x = number of samples with a positive result obtained with the reference method at level x (L_1 or L_2) for all the collaborators

N_x = number of samples tested at level x (L_1 or L_2) with the reference method by all the collaborators

$$(p+)_{alt} = \frac{CP_x}{N_x}$$

where

CP_x = number of samples with a confirmed positive result obtained with the alternative method at level x (L_1 or L_2) for all the collaborators.

N_x = number of samples tested at level x (L_1 or L_2) with the alternative method by all the collaborators.

$$(ND-PD)_{max} = \sqrt{3N_x \times ((p+)_{ref} + (p+)_{alt} - 2((p+)_{ref} \times (p+)_{alt}))}$$

where

N_x = number of samples tested for level x (L_1 or L_2) with the reference method by all the collaborators.

The AL is not met when the observed value is higher than the AL. When the AL is not met, investigations should be made (e.g. root cause analysis) in order to provide an explanation of the observed results. Based on the AL and the additional information, it is decided whether the alternative method is regarded as not fit for purpose. The reasons for acceptance of the alternative method when the AL is not met shall be stated in the study report.

In this study, fractional recovery was observed at Level 1 and Level 2. The calculations are the following, according to the EN ISO 16140-2:2016 (See Table 34).

Table 34 - Calculations

	Level 1	Level 2
N_x	80	80
$(p+)_{ref}$	0.75	0.96
$(p+)_{alt}$	1.05	1.00
AL = (ND - PD) max	7.35	3.00
ND - PD	-28	-3
Conclusion	ND - PD ≤ AL	ND - PD ≤ AL

The ISO 16140-2 (2016) requirements are fulfilled as (ND - PD) is lower than the AL.

4.4.4 Evaluation of the LOD_{50%}, LOD_{95%} and RLOD between laboratories

The RLOD was calculated using the EN ISO 16140-2:2016 Excel spreadsheet available at https://standards.iso.org/iso/16140/-5/ed-1/en/RLOD_inter-lab-study_16140-2_AnnexF_ver1_28-06-2017.xls. The results are given for information in Table 35.

Table 35 - LOD_{50%}, LOD_{95%} and RLOD

Method	LOD _{50%}	LOD _{95%}	RLOD
Reference	1.7 [1.3;2.2]	7.4 [5.7;9.6]	0.31 [0.22;0.42]
Alternative	0.5 [0.4;0.7]	2.3 [1.7;3.0]	

5 CONCLUSION

The **method comparison study conclusions** are:

- ☒ The method comparison study scheme corresponds to a PAIRED STUDY design for the vegetables category as the alternative and reference methods have common enrichment procedures and to an UNPAIRED STUDY design for the two other categories as the alternative and reference methods have a different enrichment procedure.
- ☒ In the sensitivity study, three food categories were tested. The protocol of the alternative method shows 37, 33 or 36 positive deviations (PD) depending on the GeneDisc tested and 17 (8 h), 16 (20 h) or 17 (8 h and 20 h) negative deviations (ND) depending on the GeneDisc tested for the overall categories.
- ☒ The calculated values for (ND + PPND) - PD meet the acceptability limits (AL) whatever the categories, and as well for the three tested categories.
- ☒ The calculated values for (ND + PPND + PD) meet the acceptability limit (AL) for the GeneDisc Plate STEC & *Salmonella* + EHEC but is above the AL for the two other GeneDisc Plate tested (STEC + EHEC and TOP7). This concerns the vegetables category for which the same enrichment step was used for the reference and alternative methods (paired study design) Discordant results were observed between the two methods, but the number of positive deviations was higher than the negative deviations showing the higher performances of the GeneDisc Plate method.

- The Relative Levels of Detection (RLOD) are all below the AL whatever the matrix/strain pairs tested.
- The inclusivity and exclusivity testing gave the expected results for the 50 target strains and the 30 non-target strains.
- The alternative method allows a one-day screening of the negative samples (raw dairy products and vegetables categories). The screening results are available the day of the initiating of the analyses for the raw beef meat category when 8 h incubation time is applied.
- The alternative method fulfils all the EN ISO 16140-2:2016 and AFNOR technical rules (revision 6).**

The inter-laboratory study conclusions are:

- The data and interpretations comply with the EN ISO 16140-2:2016 requirements. **The alternative method is considered equivalent to the ISO standard.**

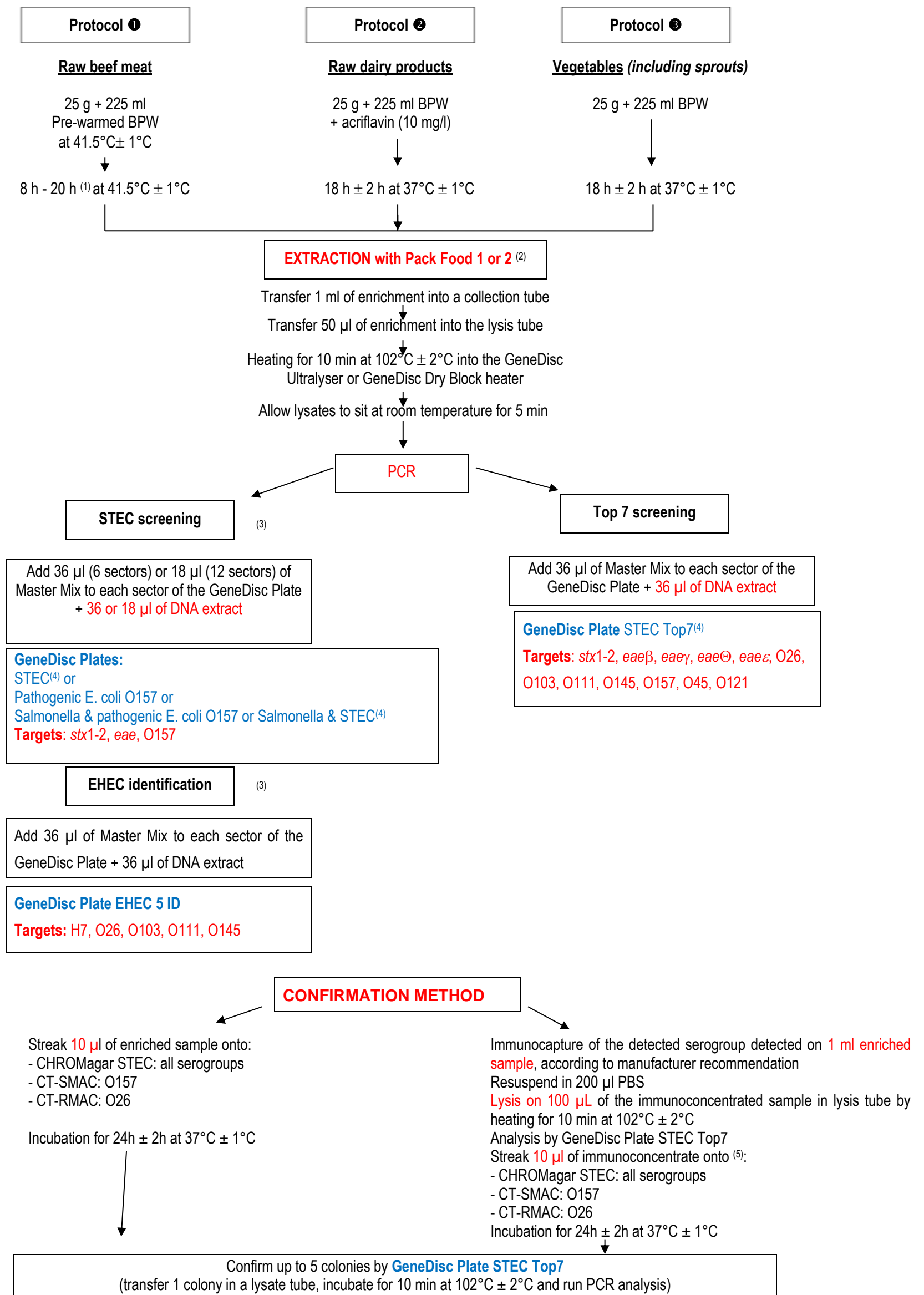
Quimper, 23 March 2023

Maryse RANNOU
Project Manager
Validation of Alternative methods



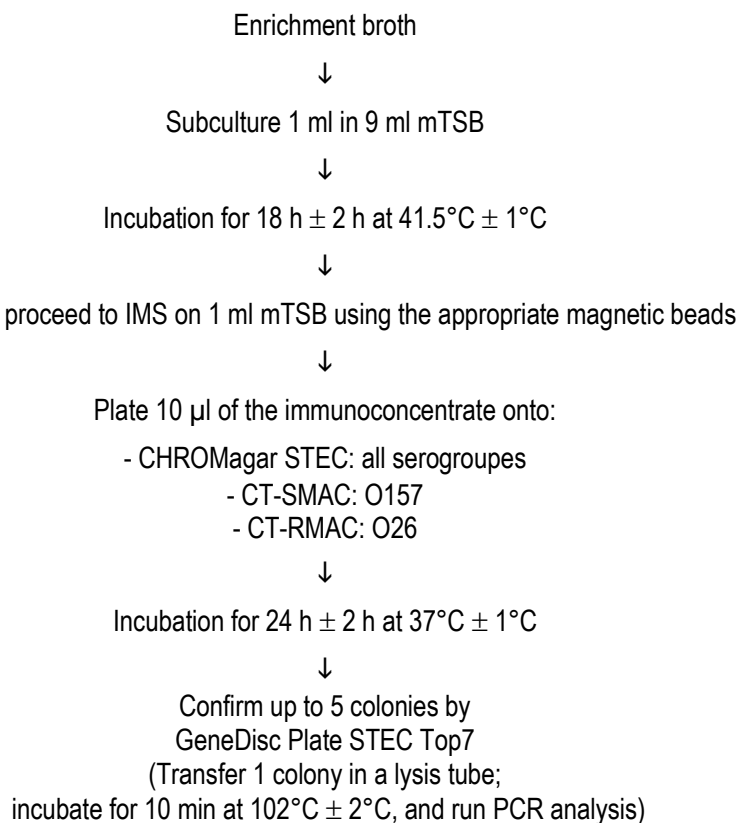
I hereby attest to the validation of the verification of the conformity of the report (opinion and interpretation).

Appendix 1 – Flow diagram of the alternative method: GeneDisc® Plate STEC for detection of shiga-toxin-producing *Escherichia coli* (STEC) from O26, O103, O111, O145 and O157 serogroups



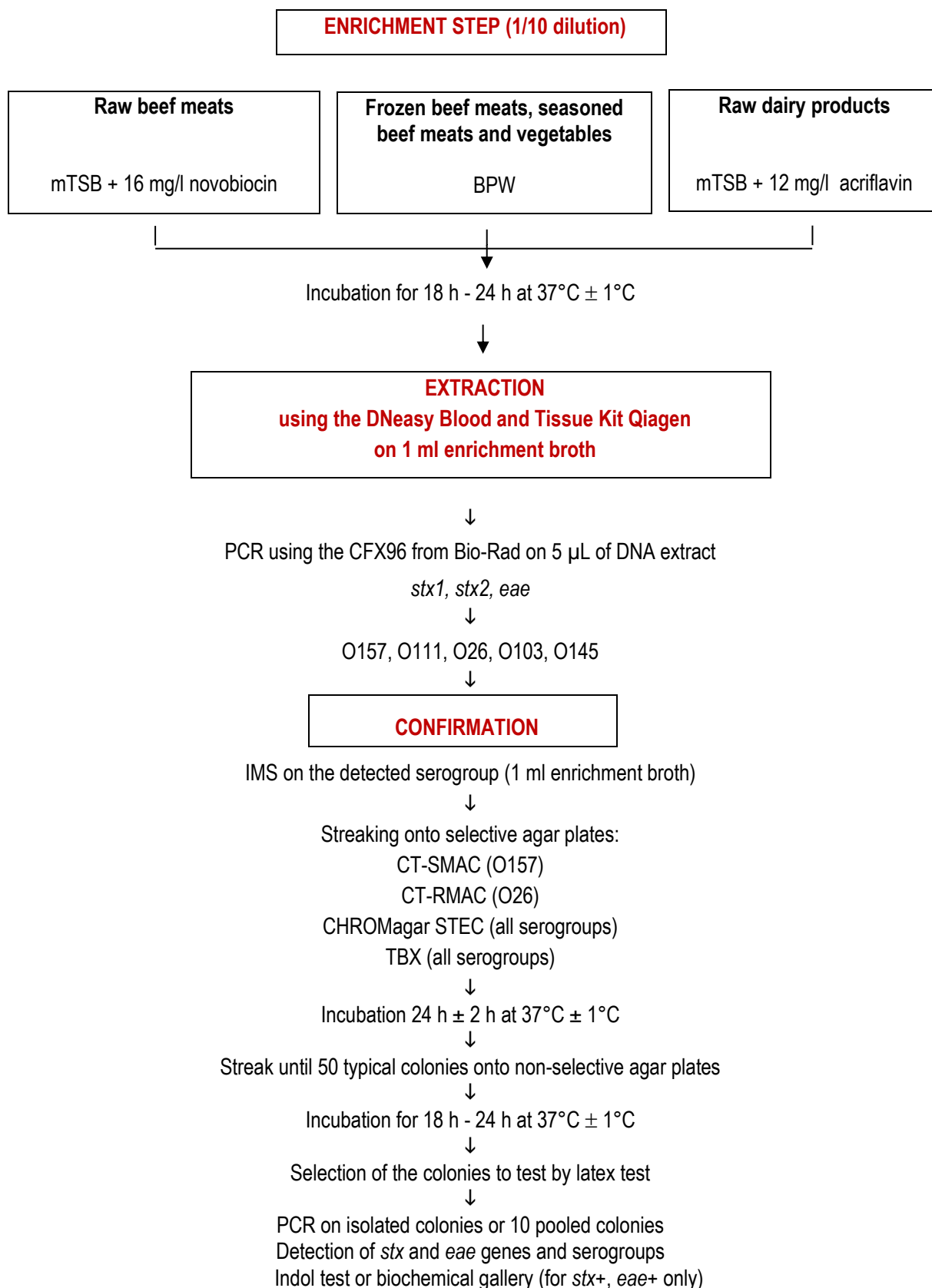
(1) The two incubation times were tested during the validation study
 (2) Pack Food 2 was used during the validation study
 (3) Both steps were carried out on all DNA extracts (positive and/or negative for screening step)
 (4) GeneDisc used for the validation study
 (5) This step must be carried out even if the PCR test is negative

ALTERNATIVE PROTOCOL FOR CONFIRMATION
of a presumptive positive sample in the event of discordance between
PCR and confirmation method result ⁽⁶⁾



⁽⁶⁾This protocol was applied only if discordant results are observed between PCR and confirmation method.

Appendix 2 – Flow diagram of the reference method
Internal method from ADRIA Développement based on ISO/TS 13136



Appendix 3 – Artificial contamination of samples

Serogroup in green color:

Serogroup naturally present in the sample

Natural contamination

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
3934	Tournedos de bœuf	Raw beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad485	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-3-6-2-1	2,8	+	O157	1	a
3935	Faux filet	Raw beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad562	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-1-2-4-2	3,0	-		1	a
3936	Rumsteack	Raw beef trim	<i>E.coli</i> O145 Ad2314	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-2-4-2	2,2	-		1	a
3937	Steack haché	Raw beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 092-4	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-1-3-3-1	2,2	+	O145	1	a
3938	Bifteck	Raw beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 092-4	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-1-3-3-1	2,2	+	O145	1	a
3939	Bavette d'loyau	Raw beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad485	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-3-6-2-1	2,8	-		1	a
3940	Brochette de bœuf à la provençale	Seasoned beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad485	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-3-6-2-1	2,8	-		1	c
3941	Carpaccio de bœuf (pesto)	Marinated beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad562	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-1-2-4-2	3,0	+	O157	1	c
3942	Carpaccio de bœuf (citron vert/menthe)	Marinated beef	<i>E.coli</i> O145 Ad2314	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-2-4-2	2,2	-		1	c
3943	Carpaccio de bœuf (basilic)	Marinated beef	<i>E.coli</i> O145:H28 092-4	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-1-3-3-1	2,2	+	O145	1	c
3944	Bœuf mariné	Marinated beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad562	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-1-2-4-2	3,0	+	O157	1	c
3945	Effeuilé de charolais surgelé	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad485	Ground beef	Seeding -20°C 2 weeks	/	2-3-6-2-1	2,8	+	O157	1	b
3946	Tournedos surgelé	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad562	Ground beef	Seeding -20°C 2 weeks	/	6-1-2-4-2	3,0	-		1	b
3947	Bavette d'loyau surgelée	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O145 Ad2314	/	Seeding -20°C 2 weeks	/	1-2-2-4-2	2,2	-		1	b
3948	Steack haché surgelé	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad485	Ground beef	Seeding -20°C 2 weeks	/	2-3-6-2-1	2,8	+	O157	1	b
3949	Steack haché surgelé	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad562	Ground beef	Seeding -20°C 2 weeks	/	6-1-2-4-2	3,0	+	O157	1	b
3950	Viande hachée surgelée	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O145:H28 092-4	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	3-1-3-3-1	2,2	+	O145	1	b
5129	Steak haché de bœuf	Ground beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1248	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-3-2-1-3	2,4	+	O157	1	a
5130	Steak haché de bœuf	Ground beef	<i>E.coli</i> O26:H11 12-62	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-2-1-0-0	1,2	+	O26	1	a
5131	Steak haché de bœuf	Ground beef	<i>E.coli</i> O103:H2 03-35	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-6-3-2-0	2,2	+	O103	1	a
5132	Steak haché de bœuf	Ground beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1248	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-3-2-1-3	2,4	+	O157	1	a
5133	Steak haché de bœuf	Ground beef	<i>E.coli</i> O26:H11 12-62	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-2-1-0-0	1,2	+	O26	1	a

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
5134	Steak haché de bœuf	Ground beef	<i>E.coli</i> O103:H2 03-35	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-6-3-2-0	2,2	+	O103	1	a
5135	Steak haché de bœuf	Ground beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1248	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-3-2-1-3	2,4	+	O157	1	a
5136	Bœuf haché "tex mex"	Seasoned ground beef	<i>E.coli</i> O26:H11 12-62	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-2-1-0-0	1,2	+	O26	1	c
5137	Bœuf haché bolognaise	Seasoned ground beef	<i>E.coli</i> O103:H2 03-35	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-6-3-2-0	2,2	+	O103	1	c
5138	Bœuf haché à la tomate	Seasoned ground beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1248	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-3-2-1-3	2,4	+	O157	1	c
5139	Bœuf haché à l'oignon	Seasoned ground beef	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1248	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-3-2-1-3	2,4	+	O157	1	c
5140	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O145 :H28 1331-100	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	2-2-3-0-0	1,4	-		1	b
5141	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O145 :H28 1331-100	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	2-2-3-0-0	1,4	+	O145	1	b
5142	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O26:H11 14-53	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	1-1-1-1-0	0,8	+	O26	1	b
5143	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O26:H11 14-53	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	1-1-1-1-0	0,8	+	O26	1	b
5144	Bavette surgelée	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O26:H11 14-53	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	1-1-1-1-0	0,8	+	O26	1	b
5145	Steak surgelé	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O26:H11 14-53	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	1-1-1-1-0	0,8	+	O26	1	b
5146	Faux filet surgelé	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O145 :H28 1331-100	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	2-2-3-0-0	1,4	-		1	b
5147	Rumsteack surgelé	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O145 :H28 1331-100	Meat	Seeding -20°C 2 weeks	/	2-2-3-0-0	1,4	+	O145	1	b
5238	Bœuf à l'échalotte	Marinated beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1501	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-5-9-4-4	4,4	+	O157	1	c
5239	Bœuf mariné piment/tabasco	Marinated beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1501	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-5-9-4-4	4,4	+	O157	1	c
5240	Carpaccio citron vert/menthe	Marinated beef trim	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad1501	Ground beef	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-5-9-4-4	4,4	+	O157	1	c
5772	Tournedos surgelé nature	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O111:H8 577-54	Dairy product	Seeding -20°C 2 weeks	/	0-0-0-4-2	1,2	+	O111	1	b
5773	Faux filet surgelé	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 1502-105	Dairy product	Seeding -20°C 2 weeks	/	0-1-2-0-1	0,8	+	O145	1	b
5774	Entrecôte surgelée	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O111:H8 577-54	Dairy product	Seeding -20°C 2 weeks	/	0-0-0-4-2	1,2	+	O111	1	b
5775	Rumsteak surgelé	Frozen beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 1502-105	Dairy product	Seeding -20°C 2 weeks	/	0-1-2-0-1	0,8	+	O145	1	b
5776	Viande hachée de bœuf surgelée	Frozen ground beef	<i>E.coli</i> O111:H8 577-54	Dairy product	Seeding -20°C 2 weeks	/	0-0-0-4-2	1,2	+	O111	1	b
5777	Steak de bœuf	Beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 1502-105	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-1-2-0-1	0,8	+	O145	1	a

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
5778	Rumsteak	Beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 1502-105	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-1-2-0-1	0,8	-		1	a
5779	Rumsteak	Beef trim	<i>E.coli</i> O111:H8 577-54	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-0-0-4-2	1,2	-		1	a
5780	Faux filet	Beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 1502-105	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-1-2-0-1	0,8	+	O145	1	a
5781	Rumsteak au poivre	Marinated beef trim	<i>E.coli</i> O111:H8 577-54	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-0-0-4-2	1,2	+	O111	1	c
5782	Rumsteak à l'échalotte	Marinated beef trim	<i>E.coli</i> O145:H28 1502-105	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	0-1-2-0-1	0,8	+	O145	1	c
1733	Graines germées (Radis)	Sprouts (Radish)	<i>E.coli</i> O111:H8 Ad511	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-3-1-4-0	1,8	+	O111	3	a
1734	Graines germées (Radis)	Sprouts (Radish)	<i>E.coli</i> O111 Ad981	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-2-0-0	1,0	+	O111	3	a
1735	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	<i>E.coli</i> O111:H8 Ad511	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-3-1-4-0	1,8	+	O111	3	a
1736	Graines germées (Poireaux)	Sprouts (Leeks)	<i>E.coli</i> O111 Ad981	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-2-0-0	1,0	-		3	a
1737	Ananas	Pineapple	<i>E.coli</i> O111:H8 Ad511	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-3-1-4-0	1,8	+	O111	3	c
1738	Carottes râpées	Grated carrots	<i>E.coli</i> O111 Ad981	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-2-0-0	1,0	-		3	c
1739	Chou rouge râpé	Grated red cabbage	<i>E.coli</i> O111:H8 Ad511	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-3-1-4-0	1,8	+	O111	3	c
1740	Jeunes pousses	Baby leaves	<i>E.coli</i> O111 Ad981	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-2-0-0	1,0	+	O111	3	b
1741	Jeunes pousses	Baby leaves	<i>E.coli</i> O111:H8 Ad511	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-3-1-4-0	1,8	+	O111	3	b
1742	Mesclun et roquette	Baby leaves	<i>E.coli</i> O111 Ad981	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-2-0-0	1,0	+	O111	3	b
1743	Mesclun et roquette	Baby leaves	<i>E.coli</i> O111:H8 Ad511	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-3-1-4-0	1,8	-		3	b
1940	Graines germées (Roquettes, Alfalfa)	Sprouts (Roquette, alfalfa)	<i>E.coli</i> O26 Ad980	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-1-0-0	0,8	-		3	a
1941	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	<i>E.coli</i> O103 Ad982	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-1-0-0	0,6	-		3	a
1942	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	<i>E.coli</i> O26 Ad980	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-1-0-0	0,8	+	O26	3	a
1943	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	<i>E.coli</i> O103 Ad982	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-1-0-0	0,6	-		3	a
1944	Jeunes pousses (Redchard, roquette, épinards)	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	<i>E.coli</i> O26 Ad980	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-1-0-0	0,8	-		3	b

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
1945	Pousses (Mesclun, roquette, cerfeuil, laitue verte et rouge)	Baby leaves (Mesclun, roquette, chervil, red and green lettuce)	<i>E.coli</i> O103 Ad982	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-1-0-0	0,6	-		3	b
1946	Pousses d'épinard	Baby leaves (Spinach)	<i>E.coli</i> O26 Ad980	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-1-0-0	0,8	+	O26	3	b
1947	Pousses (Mâche, roquette, épinard)	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	<i>E.coli</i> O103 Ad982	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-1-0-0	0,6	+	O103	3	b
1948	Pomme	Apple	<i>E.coli</i> O26 Ad980	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-1-0-0	0,8	+	O26	3	c
1949	Aubergine	Eggplant	<i>E.coli</i> O103 Ad982	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-1-0-0	0,6	+	O103	3	c
1950	Céleri branche	Celery	<i>E.coli</i> O26 Ad980	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-2-1-0-0	0,8	+	O26	3	c
2126	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	<i>E.coli</i> O145 Ad983	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-2-2-2-2	2,8	-		3	a
2127	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad571	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-2-1-4-2	2,6	-		3	a
2128	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	<i>E.coli</i> O145 Ad983	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-2-2-2-2	2,8	-		3	a
2129	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad571	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-2-1-4-2	2,6	-		3	a
2130	Tendres pousses (Mâche, épinard, laitue rouge et verte)	Baby leaves (Mâche, spinach, red and green lettuce)	<i>E.coli</i> O145 Ad983	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-2-2-2-2	2,8	+	O145	3	b
2131	Jeunes pousses (Red chard, roquette, épinard)	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad571	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-2-1-4-2	2,6	+	O157	3	b
2132	Jeunes pousses (Mâche, roquette, épinard)	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	<i>E.coli</i> O145 Ad983	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-2-2-2-2	2,8	+	O145	3	b
2133	Mangue	Mango	<i>E.coli</i> O145 Ad983	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-2-2-2-2	2,8	+	O145	3	c
2134	Poire	Pear	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad571	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-2-1-4-2	2,6	+	O157	3	c
2135	Carottes râpées	Grated carrots	<i>E.coli</i> O145 Ad983	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	6-2-2-2-2	2,8	-		3	c
2136	Mélange crudités (Chou blanc, carottes, frisée, poivron rouge)	Vegetable mix (White cabbage, carrots, salad, red pepper)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad571	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-2-1-4-2	2,6	+	O157	3	c

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
2490	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad556	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-6-6-6-1	4,0	-		3	a
2491	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad556	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-6-6-6-1	4,0	-		3	a
2492	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad556	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-6-6-6-1	4,0	-		3	a
2493	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad556	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-6-6-6-1	4,0	-		3	a
2494	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	<i>E.coli</i> O145:H28 2305-1	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-3-4-6-4	4,4	-		3	a
2495	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	<i>E.coli</i> O145:H28 2305-1	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-3-4-6-4	4,4	+	O145	3	a
2496	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	<i>E.coli</i> O145:H28 2305-1	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-3-4-6-4	4,4	+	O145	3	a
2497	Jeunes pousses	Baby leaves	<i>E.coli</i> O26 Ad1777	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-5-4-2-1	2,6	+	MIX (O26/O157)	3	b
2498	Jeunes pousses	Baby leaves	<i>E.coli</i> O111:H8 1251-31	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-1-5-5-2	2,8	+	O111	3	b
2499	Jeunes pousses	Baby leaves	<i>E.coli</i> O111:H8 1251-31	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-1-5-5-2	2,8	-		3	b
3328	Champignons surgelés	Frozen mushrooms	<i>E.coli</i> O111:H8 1391-40	Dairy product	Seeding 2 weeks -20°C	/	4-5-1-3-4	3,4	-		3	c
3329	Haricots verts surgelés	Frozen Green beans	<i>E.coli</i> O111:H8 1391-40	Dairy product	Seeding 2 weeks -20°C	/	4-5-1-3-4	3,4	+	O111	3	c
3330	Légumes pour potage surgelés	Frozen vegetable mix	<i>E.coli</i> O111:H8 1391-40	Dairy product	Seeding 2 weeks -20°C	/	4-5-1-3-4	3,4	-		3	c
3331	Mélange de légumes surgelés	Frozen vegetable mix	<i>E.coli</i> O111:H8 1391-40	Dairy product	Seeding 2 weeks -20°C	/	4-5-1-3-4	3,4	+	O111	3	c
3725	Mix de graines germées (pois verts, lentilles, soja)	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	<i>E.coli</i> O103 Ad2309	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-3-4-1-3	3,2	-		3	a
3726	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	<i>E.coli</i> O103 Ad2309	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-3-4-1-3	3,2	-		3	a

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
3727	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	<i>E.coli</i> O103 Ad2309	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-3-4-1-3	3,2	-		3	a
3728	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	<i>E.coli</i> O103 Ad2309	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-3-4-1-3	3,2	-		3	a
3729	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	<i>E.coli</i> O26:H11 Ad1507	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-2-4-1-2	2,8	-		3	a
3730	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	<i>E.coli</i> O26:H11 Ad1507	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-2-4-1-2	2,8	-		3	a
3731	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	<i>E.coli</i> O26:H11 Ad1507	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-2-4-1-2	2,8	-		3	a
3732	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	<i>E.coli</i> O145 Ad2310	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-2-11-5-2	4,4	-		3	a
3733	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	<i>E.coli</i> O145 Ad2310	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-2-11-5-2	4,4	-		3	a
3734	Mix de graines germées (Pois verts, lentilles, soja)	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad557	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-5-1-2-5	2,8	-		3	a
3735	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad557	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-5-1-2-5	2,8	-		3	a
3736	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad557	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-5-1-2-5	2,8	-		3	a
3737	Jeunes pousses	Baby leaves	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad558	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-1-3-1	1,4	-		3	b
3738	Jeunes pousses	Baby leaves	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad558	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-1-3-1	1,4	+	O157	3	b
4713	Haricot mungo	Sprouts	<i>E.coli</i> O26:H11 Ad1507	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	11-10-9-10-10	10,0	+	O26	3	a
4714	Alfalfa lentilles, poireaux	Sprouts	<i>E.coli</i> O26:H11 Ad1507	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	11-10-9-10-10	10,0	+	O26	3	a
4715	Alfalfa roquette	Sprouts	<i>E.coli</i> O26:H11 Ad1507	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	11-10-9-10-10	10,0	+	O26	3	a
4716	Alfalfa fines pousses	Sprouts	<i>E.coli</i> O26:H11 Ad1507	/	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	11-10-9-10-10	10,0	+	O26	3	a

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
4717	Alafla radis, fenouil	Sprouts	<i>E.coli</i> O103:H2 56-12	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	11-8-10-9-12	10,0	-		3	a
4718	Alafla radis, fenouil	Sprouts	<i>E.coli</i> O103:H2 56-12	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	11-8-10-9-12	10,0	-		3	a
4719	Pousses de haricots mungo	Sprouts	<i>E.coli</i> O103:H2 56-12	Meat	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	11-8-10-9-12	10,0	-		3	a
5417	Fromage au lait cru de chèvre (Picodon)	Raw goat milk cheese	<i>E.coli</i> O26 Ad2675	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-4-4-2-5	4,0	+	O26	2	b
5418	Fromage au lait cru de vache (Brie de Meaux)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O26 Ad2675	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-4-4-2-5	4,0	-		2	b
5419	Fromage au lait cru de vache (Comté)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O26 Ad2675	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-4-4-2-5	4,0	+	O26	2	b
5420	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	<i>E.coli</i> O26 Ad2675	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-4-4-2-5	4,0	+	O103	2	b
5421	Fromage au lait cru de vache (Camembert)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O26 Ad2675	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-4-4-2-5	4,0	-		2	b
5422	Fromage au lait cru de vache (Tomme de Savoie)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O26 Ad2675	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-4-4-2-5	4,0	+	O26	2	b
5423	Fromage au lait cru de chèvre (Saint Maure de Touraine)	Raw goat milk cheese	<i>E.coli</i> O103 Ad1773	Cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-4-6-5-0	3,6	+	O103	2	b
5424	Fromage au lait cru de vache (Camembert)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O103 Ad1773	Cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-4-6-5-0	3,6	+	O103	2	b
5425	Fromage au lait cru de chèvre (Selles sur Cher)	Raw goat milk cheese	<i>E.coli</i> O103 Ad1773	Cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-4-6-5-0	3,6	+	O103	2	b
5426	Fromage au lait cru de brebis (Bethmale)	Raw ewe milk cheese	<i>E.coli</i> O103 Ad1773	Cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-4-6-5-0	3,6	+	O103	2	b
5427	Fromage au lait cru de vache (Rebochon)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O103 Ad1773	Cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	3-4-6-5-0	3,6	-		2	b
5573	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	<i>E.coli</i> O26 Ad2303	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-1-6-5-3	3,8	+	O26	2	a
5574	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	<i>E.coli</i> O26 Ad2303	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-1-6-5-3	3,8	+	O26	2	a
5575	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	<i>E.coli</i> O103:H2 1144	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-5-2-5-6	4,4	+	O103	2	a
5576	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	<i>E.coli</i> O103:H2 1144	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-5-2-5-6	4,4	+	O103	2	a

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
5577	Lait cru de vache	Raw cow milk	<i>E.coli</i> O26 Ad2303	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-1-6-5-3	3,8	+	O26	2	a
5578	Lait cru de vache	Raw cow milk	<i>E.coli</i> O26 Ad2303	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-1-6-5-3	3,8	+	MIX (O26/O103)	2	a
5579	Lait cru de vache	Raw cow milk	<i>E.coli</i> O103:H2 1144	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-5-2-5-6	4,4	+	O103	2	a
5580	Lait cru de vache	Raw cow milk	<i>E.coli</i> O103:H2 1144	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-5-2-5-6	4,4	+	O157	2	a
5581	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	<i>E.coli</i> O26 Ad2303	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-1-6-5-3	3,8	+	O26	2	a
5582	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	<i>E.coli</i> O26 Ad2303	Raw milk cheese	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-1-6-5-3	3,8	+	O26	2	a
5583	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	<i>E.coli</i> O103:H2 1144	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	4-5-2-5-6	4,4	+	O103	2	a
5664	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad573	Faeces	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	19-19-14-20-14	17,2	-		3	a
5665	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad573	Faeces	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	19-19-14-20-14	17,2	-		3	a
5666	Graines germées (Radis)	Sprouts (Radish)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad573	Faeces	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	19-19-14-20-14	17,2	+	O157	3	a
5667	Graines germées (Lentilles, poireaux)	Sprouts (Lentils)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad582	Faeces	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	24-22-16-16-25	20,6	+	O157	3	a
5668	Graines germées (Haricots mungo, pois chiches, poireaux)	Sprouts (Mung beans, leek)	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad582	Faeces	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	24-22-16-16-25	20,6	-		3	a
5852	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	<i>E.coli</i> O111:H8 593-95	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-2-5-0-5	3,4	+	O111	2	a
5853	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	<i>E.coli</i> O145 Ad2310	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-2-3-6-6	3,8	+	O145	2	a
5854	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad688	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-3-4-4-4	3,4	+	O157	2	b
5855	Fromage au lait cru de chèvre (Rocamadour)	Raw goat milk cheese	<i>E.coli</i> O111:H8 593-95	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-2-5-0-5	3,4	-		2	b
5856	Fromage au lait cru de vache (Beaumont de Savoie)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O145 Ad2310	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-2-3-6-6	3,8	+	O145	2	b
5857	Fromage au lait cru de vache (Comté)	Raw cow milk cheese	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad688	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-3-4-4-4	3,4	+	O157	2	b
5858	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	<i>E.coli</i> O111:H8 593-95	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-2-5-0-5	3,4	+	O111	2	b

Sample N°	Product (French name)	Product	Artificial contaminations (spiking protocol)						Global result	Sero-group detected	Category	Type
			Strain	Origin	Injury protocol	Injury measurement	Inoculation level/25g					
5859	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	<i>E.coli</i> O145 Ad2310	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-2-3-6-6	3,8	+	O145	2	b
5860	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	<i>E.coli</i> O157:H7 Ad688	Environmental sample	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-3-4-4-4	3,4	+	O157	2	b
5861	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	<i>E.coli</i> O111:H8 593-95	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	5-2-5-0-5	3,4	+	O111	2	b
5862	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	<i>E.coli</i> O145 Ad2310	Dairy product	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	2-2-3-6-6	3,8	+	O145	2	b
6230	Radis prêts à croquer	Radish	<i>E.coli</i> O103 Ad1772	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-2-2-2	1,6	+	O103	3	c
6231	Mélange asiatique (carottes, chou blanc, poireai, coriandre)	Vegetable mix	<i>E.coli</i> O103 Ad1772	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-2-2-2	1,6	+	O103	3	c
6232	Carottes nantaises	Carrots	<i>E.coli</i> O103 Ad1772	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-2-2-2	1,6	+	O103	3	c
6233	Duo carottes betteraves	Roots and carrots	<i>E.coli</i> O103 Ad1772	Clinical	Seeding 48h 3°C ± 2°C	/	1-1-2-2-2	1,6	-		3	c

Appendix 4 – Sensitivity study: raw data

Bold typing: artificially inoculated samples

Detection results:

m:	minoritary level of target analyte
M :	majoritary level of target analyte
P:	pure culture level of target analyte
1/2 :	50% level of target analyte
d:	doubtful colonies
(x):	number of colonies in the plate if few colonies
-:	no typical colonies but presence of background microflora
st:	plate without any colony
PA:	positive agreement
NA:	negative agreement
ND:	negative deviation
PD:	positive deviation
PPNA:	positive presumptive negative agreement
PPND :	positive presumptive negative deviation
*	DNA extract dilution d 1/10
Chr:	CHROMagar STEC

RAW BEEF MEATS

Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																Category	Type		
			PCR result								Confirmation						Global result					
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation		Global result				
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result				Serogroup	
3934	Tournedos de bœuf	Raw beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
3935	Faux filet	Raw beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
3936	Rumsteack	Raw beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
3937	Steack haché	Raw beef trim	-	22,28	23,73	-	-	-	22,21	-	O145	/	/	/	/	/	+	O145	+	O145	1	a
3938	Bifteck	Raw beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
3939	Bavette d'loyau	Raw beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
4172	Tournedos	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
4173	Steak de bœuf	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
4174	Bavette	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
4175	Jarret de bœuf	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
4176	Viande à bourguignon	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	a
5129	Steack haché de bœuf	Ground beef	-	-	22,06							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5130	Steack haché de bœuf	Ground beef	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5131	Steack haché de bœuf	Ground beef	22,26	-	22,08	-	22,18	-	-	-	O103	/	/	/	/	/	+	O103	+	O103	1	a
5132	Steack haché de bœuf	Ground beef	-	22,39	21,22	-	-	-	-	21,07	O157	/	/	/	/	/	+	O157	+	O157	1	a
5133	Steack haché de bœuf	Ground beef	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5134	Steack haché de bœuf	Ground beef	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5135	Steack haché de bœuf	Ground beef	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5777	Steack de bœuf	Beef trim	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5778	Rumsteak	Beef trim	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5779	Rumsteak	Beef trim	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
5780	Faux filet	Beef trim	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	a
3945	Effeillé de charolais surgelé	Frozen beef trim	i/*	16,64	20,07	-	-	-	-	18,66	O157	/	/	/	/	/	+	O157	+	O157	1	b
3946	Tournedos surgelé	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	b
3947	Bavette d'loyau surgelée	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	b
3948	Steack haché surgelé	Frozen ground beef	-	17,19	19,73	-	-	-	-	19,18	O157	/	/	/	/	/	+	O157	+	O157	1	b
3949	Steack haché surgelé	Frozen ground beef	19,85	18,95	22,33	-	-	-	-	21,09	O157	/	/	/	/	/	+	O157	+	O157	1	b
3950	Viande hachée surgelée	Frozen ground beef	-	27,68	30,17	-	-	-	29,05	-	O145	/	/	/	/	/	+	O145	+	O145	1	b
3951	Viande hachée surgelée	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	b
3952	Steack haché surgelé	Frozen ground beef	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	b
3953	Steack haché surgelé	Frozen ground beef	-	22,38	-							/	/	/	/	/			-	/	1	b
3954	Pavé de bœuf surgelé	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	b
3955	Pavé de bœuf surgelé	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	b
3956	Carpaccio de bœuf surgelé	Frozen beef trim	-	-								/	/	/	/	/			-	/	1	b
5140	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	b
5141	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	-	25,51	22,19	-	-	-	24,14	-	-	/	/	/	/	/	+	O145	+	O145	1	b
5142	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	19,27	-	19,01	18,41	-	-	-	-	O26	/	/	/	/	/	+	O26	+	O26	1	b
5143	Steak haché de bœuf surgelé	Frozen ground beef	20,78	-	20,25	20,08	-	-	-	39,23	O26	-(O157)	-	/	-	-(O157)	+	O26	+	O26	1	b
5144	Bavette surgelée	Frozen beef trim	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	b
5145	Steak surgelé	Frozen beef trim	24,27	-	23,48	23,28	-	-	-	-	O26	/	/	/	/	/	+	O26	+	O26	1	b
5146	Faux filet surgelé	Frozen beef trim	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	1	b

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW BEEF MEATS

Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																	Category	Type	
			PCR result								Confirmation						Global result					
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation		Global result				
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result					Serogroup
5147	Rumsteack surgelé	Frozen beef trim	-	30,77	30,1	-	-	-	29,27	38,22	-	O145	/	/	- (O157)	+	O145	+	O145	1	b	
5772	Tournedos surgelé nature	Frozen beef trim	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	b
5773	Faux filet surgelé	Frozen beef trim	i/-*	16,54	16,15	-	-	-	17,47	-	O145	/	/	/	/	+	O145	+	O145	1	b	
5774	Entrecôte surgelée	Frozen beef trim	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	b
5775	Rumsteak surgelé	Frozen beef trim	i/-*	15,63	15,63	-	-	-	16,5	-	O145	/	/	/	/	+	O145	+	O145	1	b	
5776	Viande hachée de bœuf surgelée	Frozen ground beef	18,15	19,2	18,41	-	-	19,93	-	-	O111	/	/	/	/	+	O111	+	O111	1	b	
3940	Brochette de bœuf à la provençale	Seasoned beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
3941	Carpaccio de bœuf (pesto)	Marinated beef	29,69	28,37	29,95	-	-	-	-	29,41	O157	-	/	/	/	+	O157	+	O157	1	c	
3942	Carpaccio de bœuf (citron vert/menthe)	Marinated beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
3943	Carpaccio de bœuf (basilic)	Marinated beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
3944	Bœuf mariné	Marinated beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
5136	Bœuf haché "tex mex"	Seasoned ground beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
5137	Bœuf haché bolognaise	Seasoned ground beef	33,82	-	31,79	-	32,05	-	-	-	O103	/	/	/	/	+	O103	+	O103	1	c	
5138	Bœuf haché à la tomate	Seasoned ground beef	-	17,24	16,2	-	-	-	-	16,2	O157	/	/	/	/	+	O157	+	O157	1	c	
5139	Bœuf haché à l'oignon	Seasoned ground beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
5238	Bœuf à l'échalotte	Marinated beef trim	i/-*	24,23	23,77	-	-	-	-	22,74	O157	-	/	/	/	+	O157	+	O157	1	c	
5239	Bœuf mariné piment/tabasco	Marinated beef trim	-	16,68	9,67	-	-	-	-	15,81	O157	-	/	/	/	+	O157	+	O157	1	c	
5240	Carpaccio citron vert/menthe	Marinated beef trim	-	24,96	23,18	-	-	-	-	23,53	O157	-	/	/	/	+	O157	+	O157	1	c	
5781	Rumsteak au poivre	Marinated beef trim	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
5782	Rumsteak à l'échalotte	Marinated beef trim	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6240	Carpaccio de bœuf, huile de noix, vinaigre	Marinated Carpaccio	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6241	Carpaccio de bœuf, parmesan, olive	Marinated Carpaccio	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6242	Steak haché à la tomate	Tomato ground beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6243	Steak haché à l'oignon	Onions ground beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6244	Haché de bœuf bolognaise	Seasoned beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6245	Carpaccio de bœuf pesto rouge, huile d'olive	Marinated Carpaccio	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6246	Steak haché à l'oignon	Onions ground beef	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c
6247	Carpaccio de boeuf marinade pistou	Marinated Carpaccio	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	-	/	1	c

RAW BEEF MEAT (8 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
		Global result		PCR Result STEC													Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID				Agreement GeneDisc® STEC 8h +GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC					GeneDisc® Plate EHEC 5ID					Final result PCR	Global result	Serogroup									
				eae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145								O26	IC			
3934	Raw beef trim	-	/	29.3	30.9	0.0	30.8	32.0	+	31.2	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a
3935	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	/	NA	1	a	
3936	Raw beef trim	-	/	36.3	0.0	0.0	0.0	31.2	-	0.0	0.0	0.0	37.8	0.0	29.7	-	-			-	/	NA	1	a	
3937	Raw beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	32.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	/	ND	1	a	
3938	Raw beef trim	-	/	28.6	0.0	0.0	32.6	31.9	+	0.0	0.0	0.0	30.5	0.0	30.1	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
3939	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.9	-	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/29.3	i/-	-			-	/	NA	1	a	
4172	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	/	NA	1	a	
4173	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.2	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-			-	/	NA	1	a	
4174	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	/	NA	1	a	
4175	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	/	NA	1	a	
4176	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-			-	/	NA	1	a	
5129	Ground beef	-	/	25.9	29.0	0.0	29.2	31.9	+	23.9	29.7	0.0	20.4	0.0	29.7	STEC O157:H7 STEC O103 STEC O145	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	1	a
5130	Ground beef	-	/	23.7	0.0	24.7	0.0	31.5	+	26.3	0.0	0.0	0.0	26.4	30.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a
5131	Ground beef	+	O103	20.4	0.0	21.4	0.0	31.3	+	0.0	23.8	0.0	0.0	0.0	29.5	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	a
5132	Ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	/	ND	1	a	
5133	Ground beef	-	/	23.5	0.0	24.5	0.0	31.5	+	0.0	0.0	0.0	0.0	25.8	30.1	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a
5134	Ground beef	-	/	21.5	0.0	22.5	0.0	32.3	+	23.7	24.5	0.0	0.0	0.0	30.1	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	1	a
5135	Ground beef	-	/	26.4	27.6	0.0	28.0	31.5	+	27.6	0.0	0.0	25.7	0.0	30.1	STEC O157:H7 STEC O145	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	a
5777	Beef trim	-	/	19.6	0.0	0.0	22.1	32.3	+	26.1	0.0	0.0	21.6	0.0	29.5	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
5778	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	/	NA	1	a	
5779	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-			-	/	NA	1	a	
5780	Beef trim	-	/	21.0	0.0	0.0	22.8	31.6	+	0.0	0.0	0.0	22.4	0.0	29.8	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
3945	Frozen beef trim	+	O157	26.1	28.8	0.0	29.6	32.8	+	28.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	b
3946	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/30.0	i/-	-			-	/	NA	1	b	
3947	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	33.2	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-			-	/	NA	1	b	
3948	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-			-	/	ND	1	b	
3949	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	23.2	0.0	0.0	27.1	0.0	29.9	-	-			-	/	ND	1	b	
3950	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	/	ND	1	b	
3951	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	/	NA	1	b	
3952	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.3	-	34.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	-			-	/	NA	1	b	
3953	Frozen ground beef	-	/	27.9	0.0	0.0	30.2	31.9	+	27.3	32.6	0.0	0.0	0.0	30.6	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	1	b
3954	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	/	NA	1	b	
3955	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-			-	/	NA	1	b	
3956	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	33.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-			-	/	NA	1	b	
5140	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	33.7	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	/	NA	1	b	
5141	Frozen ground beef	+	O145	19.8	0.0	0.0	21.8	30.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	STEC O145	STEC O145		STEC O145	-	/	ND	1	b
5142	Frozen ground beef	+	O26	28.7	0.0	29.1	0.0	31.0	+	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	29.8	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b
5143	Frozen ground beef	+	O26	23.0	0.0	24.4	0.0	30.9	+	0.0	0.0	0.0	0.0	26.3	29.8	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b
5144	Frozen beef trim	-	/	23.7	0.0	25.3	0.0	31.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	25.9	30.0	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	b
5145	Frozen beef trim	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	/	ND	1	b	
5146	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	/	NA	1	b	
5147	Frozen beef trim	+	O145	20.8	0.0	0.0	23.1	31.2	+	0.0	0.0	0.0	22.2	0.0	29.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b
5772	Frozen beef trim	-	/	24.1	0.0	23.6	25.8	31.7	+	0.0	0.0	25.2	0.0	0.0	30.0	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b
5773	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	/	ND	1	b	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW BEEF MEAT (8 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
		Global result		PCR Result STEC													Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID				Agreement GeneDisc® STEC 8h +GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC					GeneDisc® Plate EHEC 5ID					Final result PCR	Global result	Serogroup									
				eeae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145								O26	IC			
5774	Frozen beef trim	-	/	24.5	0.0	24.4	26.4	31.1	+	0.0	0.0	26.0	0.0	0.0	29.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b
5775	Frozen beef trim	+	O145	30.2	0.0	0.0	32.3	31.0	+	0.0	0.0	0.0	31.1	0.0	29.7	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b
5776	Frozen ground beef	+	O111	27.2	0.0	27.5	29.0	31.7	+	0.0	0.0	28.3	0.0	0.0	29.3	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	1	b
3940	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	-	/	NA	1	c
3941	Marinated beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	-	/	ND	1	c
3942	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	-	/	NA	1	c
3943	Marinated beef	-	/	26.1	0.0	0.0	28.7	31.8	+	0.0	0.0	0.0	27.8	0.0	30.2	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c
3944	Marinated beef	-	/	29.4	31.0	30.0	30.3	31.8	+	30.5	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c
5136	Seasoned ground beef	-	/	21.5	0.0	22.6	0.0	32.1	+	0.0	0.0	0.0	24.0	30.0	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	c	
5137	Seasoned ground beef	+	O103	24.6	0.0	25.7	0.0	31.6	+	0.0	27.6	0.0	0.0	0.0	29.5	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	c
5138	Seasoned ground beef	+	O157	22.0	24.1	0.0	24.3	31.6	+	24.2	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5139	Seasoned ground beef	-	/	20.2	22.6	0.0	23.6	31.3	+	23.4	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c
5238	Marinated beef trim	+	O157	23.0	25.3	0.0	25.7	31.3	+	25.5	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5239	Marinated beef trim	+	O157	23.1	25.5	0.0	25.9	31.1	+	25.7	0.0	0.0	0.0	0.0	29.2	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5240	Marinated beef trim	+	O157	23.9	26.2	0.0	26.7	31.7	+	26.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5781	Marinated beef trim	-	/	25.0	0.0	25.2	26.8	31.9	+	0.0	0.0	26.1	0.0	0.0	29.2	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PD	1	c
5782	Marinated beef trim	-	/	22.5	0.0	0.0	25.1	31.8	+	0.0	0.0	0.0	24.9	0.0	29.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c
6240	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	-	/	NA	1	c
6241	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	-	/	NA	1	c
6242	Tomato ground beef	-	/	29.6	0.0	0.0	31.8	32.4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	-			-	-	/	NA	1	c
6243	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c
6244	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	29.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c
6245	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	-	/	NA	1	c
6246	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c
6247	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	28.8	-	-			-	-	/	NA	1	c

RAW BEEF MEAT (8 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																		Category	Type			
		Global result		PCR Result STEC & Salmonella														Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests			Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.					GeneDisc® Plate EHEC 5ID					Final result PCR	Global result	Serogroup										
				ee	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145				O26							IC		
3934	Raw beef trim	-	/	28.3	30.3	0.0	30.1	30.8	+	31.2	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a	
3935	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	/	NA	1	a		
3936	Raw beef trim	-	/	33.7	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	37.8	0.0	29.7	-	-			-	/	NA	1	a		
3937	Raw beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	/	ND	1	a		
3938	Raw beef trim	-	/	28.3	0.0	0.0	29.9	31.8	+	0.0	0.0	0.0	30.5	0.0	30.1	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
3939	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	33.0	-	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/29.3	-	-			-	-	/	NA	1	a		
4172	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	/	NA	1	a		
4173	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-			-	/	NA	1	a		
4174	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	/	NA	1	a		
4175	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	/	NA	1	a		
4176	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-			-	/	NA	1	a		
5129	Ground beef	-	/	25.5	28.4	0.0	28.3	30.6	+	23.9	29.7	0.0	20.4	0.0	29.7	STEC O145 STEC O157 STEC O103	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	1	a	
5130	Ground beef	-	/	23.4	0.0	0.0	24.5	30.3	+	26.3	0.0	0.0	0.0	26.4	30.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a	
5131	Ground beef	+	O103	20.6	0.0	0.0	20.9	30.6	+	0.0	23.8	0.0	0.0	0.0	29.5	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	a	
5132	Ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	/	ND	1	a		
5133	Ground beef	-	/	23.8	0.0	0.0	24.5	30.6	+	0.0	0.0	0.0	25.8	30.1	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a		
5134	Ground beef	-	/	21.2	0.0	0.0	22.1	30.6	+	23.7	24.5	0.0	0.0	0.0	30.1	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	1	a	
5135	Ground beef	-	/	26.1	27.1	0.0	26.6	30.5	+	27.6	0.0	0.0	25.7	0.0	30.1	STEC O145 STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	a	
5777	Beef trim	-	/	19.9	0.0	0.0	21.2	31.0	+	26.1	0.0	0.0	21.6	0.0	29.5	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
5778	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	/	NA	1	a		
5779	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-			-	/	NA	1	a		
5780	Beef trim	-	/	20.4	0.0	0.0	21.8	30.4	+	0.0	0.0	0.0	22.4	0.0	29.8	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
3945	Frozen beef trim	+	O157	26.0	28.6	0.0	27.7	31.8	+	28.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	b	
3946	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/0.0	0.0/30.0	i/-	-	-			-	/	NA	1	b		
3947	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-			-	/	NA	1	b		
3948	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-			-	/	ND	1	b		
3949	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	23.2	0.0	0.0	27.1	0.0	29.9	-	-			-	/	ND	1	b		
3950	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	/	ND	1	b		
3951	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	/	NA	1	b		
3952	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	34.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	-			-	/	NA	1	b		
3953	Frozen ground beef	-	/	27.4	0.0	0.0	29.2	29.4	+	27.3	32.6	0.0	0.0	0.0	30.6	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	1	b	
3954	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	/	NA	1	b		
3955	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-			-	/	NA	1	b		
3956	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-			-	/	NA	1	b		
5140	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	33.7	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	/	NA	1	b		
5141	Frozen ground beef	+	O145	21.0	0.0	0.0	21.5	30.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	STEC O145	STEC O145		STEC O145	-	/	ND	1	b	
5142	Frozen ground beef	+	O26	28.9	0.0	0.0	29.1	31.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	29.8	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5143	Frozen ground beef	+	O26	23.2	0.0	0.0	25.1	30.3	+	0.0	0.0	0.0	0.0	26.3	29.8	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5144	Frozen beef trim	-	/	24.2	0.0	0.0	24.9	31.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	25.9	30.0	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	b	
5145	Frozen beef trim	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	/	ND	1	b		
5146	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	33.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	/	NA	1	b		
5147	Frozen beef trim	+	O145	21.0	0.0	0.0	21.9	30.3	+	0.0	0.0	0.0	22.2	0.0	29.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5772	Frozen beef trim	-	/	23.9	0.0	0.0	23.5	30.1	+	0.0	0.0	25.2	0.0	0.0	30.0	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b	
5773	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	/	ND	1	b		
5774	Frozen beef trim	-	/	24.6	0.0	0.0	24.3	30.1	+	0.0	0.0	26.0	0.0	0.0	29.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW BEEF MEAT (8 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
		Global result		PCR Result STEC & Salmonella													Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID				Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.						GeneDisc® Plate EHEC 5ID						Final result PCR					Global result	Serogroup			
				eae	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC										
5775	Frozen beef trim	+	O145	30.0	0.0	0.0	30.7	30.5	+	0.0	0.0	0.0	31.1	0.0	29.7	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b
5776	Frozen ground beef	+	O111	27.1	0.0	0.0	26.7	30.1	+	0.0	0.0	28.3	0.0	0.0	29.3	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	1	b
3940	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	-	/	NA	1	c
3941	Marinated beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	-	/	ND	1	c
3942	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	-	/	NA	1	c
3943	Marinated beef	-	/	26.1	0.0	0.0	27.9	31.3	+	0.0	0.0	0.0	27.8	0.0	30.2	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c
3944	Marinated beef	-	/	29.5	31.8	0.0	29.7	30.2	+	30.5	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c
5136	Seasoned ground beef	-	/	21.3	0.0	0.0	22.7	30.6	+	0.0	0.0	0.0	24.0	30.0	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	c	
5137	Seasoned ground beef	+	O103	24.4	0.0	0.0	25.3	30.8	+	0.0	27.6	0.0	0.0	0.0	29.5	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	c
5138	Seasoned ground beef	+	O157	21.7	23.7	0.0	23.2	30.0	+	24.2	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5139	Seasoned ground beef	-	/	20.6	22.7	0.0	22.1	30.2	+	23.4	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c
5238	Marinated beef trim	+	O157	23.3	25.3	0.0	24.5	30.0	+	25.5	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5239	Marinated beef trim	+	O157	23.3	25.4	0.0	25.1	30.5	+	25.7	0.0	0.0	0.0	0.0	29.2	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5240	Marinated beef trim	+	O157	23.7	25.7	0.0	25.7	30.5	+	26.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5781	Marinated beef trim	-	/	25.1	0.0	0.0	24.8	30.7	+	0.0	0.0	26.1	0.0	0.0	29.2	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PD	1	c
5782	Marinated beef trim	-	/	22.8	0.0	0.0	24.3	30.0	+	0.0	0.0	0.0	24.9	0.0	29.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c
6240	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	-	/	NA	1	c
6241	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-			-	-	/	NA	1	c
6242	Tomato ground beef	-	/	29.2	0.0	0.0	30.8	29.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	-			-	-	/	NA	1	c
6243	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c
6244	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	29.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c
6245	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	-	/	NA	1	c
6246	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c
6247	Marinated carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	28.8	-	-			-	-	/	NA	1	c

RAW BEEF MEAT (8h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type			
		Global result		PCR result															Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests			Final result GeneDisc® STEC TOP7		Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h
				GeneDisc® Plate STEC TOP7																					Global result	Serogroup	
				O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma a (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC	Final result											
3934	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	30.7	0.0	0.0	0.0	30.1	0.0	28.8	0.0	0.0	32.1	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a	
3935	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-			-	-	/	NA	1	a	
3936	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	36.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	33.9	0.0	0.0	32.6	-	-			-	-	/	NA	1	a	
3937	Raw beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.7	-	-			-	-	/	ND	1	a	
3938	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	30.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	0.0	27.9	0.0	0.0	31.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
3939	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	34.1	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4172	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4173	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4174	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4175	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4176	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	-			-	-	/	NA	1	a	
5129	Ground beef	-	/	27.5	0.0	21.6	28.5	0.0	0.0	0.0	27.1	26.4	27.0	0.0	0.0	30.7	STEC O145 STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	1	a	
5130	Ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	24.2	0.0	0.0	24.1	0.0	0.0	23.8	0.0	31.6	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a	
5131	Ground beef	+	O103	21.9	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	20.5	0.0	0.0	21.0	30.8	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	a		
5132	Ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-			-	-	/	ND	1	a		
5133	Ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	24.6	0.0	0.0	23.8	0.0	0.0	24.2	0.0	31.3	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a	
5134	Ground beef	-	/	21.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	21.1	0.0	0.0	21.8	31.7	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	1	a		
5135	Ground beef	-	/	0.0	0.0	27.9	27.1	0.0	0.0	0.0	25.9	0.0	25.7	0.0	0.0	31.6	STEC O145 STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	a	
5777	Beef trim	-	/	0.0	0.0	22.1	0.0	0.0	0.0	0.0	20.6	0.0	19.0	0.0	0.0	31.1	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
5778	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	-			-	-	/	NA	1	a	
5779	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-			-	-	/	NA	1	a	
5780	Beef trim	-	/	0.0	0.0	22.6	0.0	0.0	0.0	0.0	21.8	0.0	20.7	0.0	0.0	31.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
3945	Frozen beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	28.2	0.0	0.0	0.0	27.0	0.0	25.6	0.0	0.0	31.5	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	b	
3946	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3947	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3948	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	-			-	-	/	ND	1	b	
3949	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	28.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	-			-	-	/	ND	1	b	
3950	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	-			-	-	/	ND	1	b	
3951	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3952	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	33.0	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3953	Frozen ground beef	-	/	30.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	28.9	29.9	0.0	28.5	0.0	32.5	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
3954	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.9	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3955	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3956	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-			-	-	/	NA	1	b	
5140	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-			-	-	/	NA	1	b	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW BEEF MEAT (8h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type			
		Global result		PCR result															Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests			Final result GeneDisc® STEC TOP7		Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h
				GeneDisc® Plate STEC TOP7																					Global result	Serogroup	
				O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma a (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC	Final result											
5141	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	22.0	0.0	0.0	0.0	0.0	20.7	0.0	19.9	0.0	0.0	30.7	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5142	Frozen ground beef	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	29.2	0.0	28.7	0.0	0.0	29.3	0.0	31.5	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5143	Frozen ground beef	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	24.3	0.0	23.9	0.0	0.0	23.8	0.0	31.2	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5144	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	24.9	0.0	24.3	0.0	0.0	23.9	0.0	32.6	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	1	b	
5145	Frozen beef trim	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	1	b	
5146	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
5147	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	22.5	0.0	0.0	0.0	0.0	21.3	0.0	20.4	0.0	31.5	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5772	Frozen beef trim	-	/	0.0	24.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	23.0	25.0	0.0	0.0	31.3	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	1	b	
5773	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	1	b	
5774	Frozen beef trim	-	/	0.0	25.3	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	24.1	26.3	0.0	0.0	30.9	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	1	b	
5775	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	32.2	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	0.0	30.0	0.0	31.6	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5776	Frozen ground beef	+	O111	0.0	27.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	26.6	28.3	0.0	0.0	31.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PA	1	b	
3940	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	36.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.8	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
3941	Marinated beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	1	c	
3942	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
3943	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	28.0	0.0	0.0	0.0	0.0	27.1	0.0	25.8	0.0	32.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	1	c	
3944	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	31.8	0.0	0.0	0.0	29.6	0.0	30.3	0.0	31.3	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	c	
5136	Seasoned ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	22.6	0.0	21.9	0.0	0.0	21.9	0.0	31.6	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	1	c	
5137	Seasoned ground beef	+	O103	25.9	0.0	0.0	0.0	0.0	34.1	24.8	0.0	0.0	0.0	24.9	31.5	STEC O103	STEC O103	STEC O103	STEC O103	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	1	c	
5138	Seasoned ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	23.8	0.0	0.0	0.0	22.9	0.0	21.6	0.0	31.6	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5139	Seasoned ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	22.8	0.0	0.0	0.0	21.9	0.0	20.6	0.0	31.7	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	c	
5238	Marinated beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	25.0	0.0	38.4	24.3	0.0	22.8	0.0	0.0	31.8	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5239	Marinated beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	25.1	0.0	0.0	0.0	24.0	0.0	22.8	0.0	31.4	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5240	Marinated beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	26.1	0.0	0.0	0.0	25.1	0.0	24.0	0.0	30.8	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5781	Marinated beef trim	-	/	0.0	25.3	0.0	0.0	0.0	37.7	24.6	25.8	0.0	0.0	0.0	30.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	1	c	
5782	Marinated beef trim	-	/	0.0	0.0	25.2	0.0	0.0	0.0	0.0	24.0	0.0	22.9	0.0	31.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	1	c	
6240	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.8	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
6241	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
6242	Tomato ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	0.0	0.0	0.0	30.4	31.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
6243	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
6244	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	34.0	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
6245	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	36.7	31.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	

RAW BEEF MEAT (8h incubation time)																										
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																	Category	Type				
		Global result		PCR result													Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests			Final result GeneDisc® STEC TOP7		Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h	
				GeneDisc® Plate STEC TOP7																			Global result	Serogroup		
		Global result	Serogroup	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma a (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC	Final result										
6246	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-				-	/	NA	1	c
6247	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-					-	/	NA	1	c

RAW BEEF MEAT (20 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																		Category	Type			
		Global result		PCR Result														Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory test			Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC + GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC					GeneDisc® Plate EHEC 5ID					Final result PCR	Global result	Serogroup										
				eeae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145				O26							IC		
3934	Raw beef trim	-	/	22.8	23.7	0.0	23.7	32.2	+	24.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a	
3935	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0		-	-			-	-	/	NA	1	a	
3936	Raw beef trim	-	/	21.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	0.0	0.0	0.0	22.8	0.0	30.1	-	-			-	-	/	NA	1	a	
3937	Raw beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-			-	-	/	ND	1	a	
3938	Raw beef trim	-	/	18.1	0.0	0.0	19.7	31.9	+	0.0	0.0	0.0	19.3	0.0	30.2	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
3939	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	38.7	0.0	33.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4172	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4173	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4174	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4175	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	a	
4176	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	-			-	-	/	NA	1	a	
5129	Ground beef	-	/	26.0	29.1	0.0	29.4	31.5		23.8	29.7	0.0	21.8	0.0	30.2	STEC O157:H7 STEC O103 STEC O145	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	a	
5130	Ground beef	-	/	22.6	0.0	22.6	0.0	31.0		22.6	0.0	0.0	0.0	24.1	30.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a	
5131	Ground beef	+	O103	17.9	0.0	17.6	0.0	31.6		0.0	20.7	0.0	0.0	0.0	30.1	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	a	
5132	Ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6		0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	-			-	-	/	ND	1	a	
5133	Ground beef	-	/	23.0	0.0	22.9	0.0	31.7		0.0	0.0	0.0	0.0	24.6	30.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a	
5134	Ground beef	-	/	20.2	0.0	20.2	0.0	31.6		20.4	22.3	0.0	0.0	0.0	30.3	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	1	a	
5135	Ground beef	-	/	26.6	27.3	0.0	27.3	31.2		27.4	0.0	0.0	24.6	0.0	30.4	STEC O157:H7 STEC O145	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a	
5777	Beef trim	-	/	18.6	0.0	0.0	19.3	32.3	+	23.0	0.0	0.0	19.3	0.0	29.2	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
5778	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	-	/	NA	1	a	
5779	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	a	
5780	Beef trim	-	/	17.5	0.0	0.0	20.0	32.5	+	0.0	0.0	0.0	19.7	0.0	29.4	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a	
3945	Frozen beef trim	+	O157	17.2	18.1	0.0	19.1	32.1	+	18.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	b	
3946	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3947	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3948	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-			-	-	/	ND	1	b	
3949	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	20.6	0.0	0.0	24.1	0.0	30.0	-	-			-	-	/	ND	1	b	
3950	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	-			-	-	/	ND	1	b	
3951	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3952	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	23.7	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3953	Frozen ground beef	-	/	23.7	0.0	0.0	25.0	30.6	+	22.6	27.5	0.0	0.0	0.0	30.0	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	1	b	
3954	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3955	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-			-	-	/	NA	1	b	
3956	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-			-	-	/	NA	1	b	
5140	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	24.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	-	/	NA	1	b	
5141	Frozen ground beef	+	O145	17.7	0.0	0.0	18.8	30.9	+	0.0	0.0	0.0	18.6	0.0	30.1	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5142	Frozen ground beef	+	O26	23.6	0.0	23.3	0.0	30.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	25.2	29.8	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5143	Frozen ground beef	+	O26	17.9	0.0	17.6	0.0	31.4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19.5	29.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5144	Frozen beef trim	-	/	17.8	0.0	18.5	0.0	32.1	+	0.0	0.0	0.0	34.9	19.7	29.9	STEC O26 STEC O145	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	b	
5145	Frozen beef trim	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	ND	1	b	
5146	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	-	/	NA	1	b	
5147	Frozen beef trim	+	O145	16.3	0.0	0.0	17.4	31.3	+	0.0	0.0	0.0	17.4	0.0	29.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5772	Frozen beef trim	-	/	16.6	0.0	16.6	18.2	32.6	+	0.0	0.0	17.2	0.0	0.0	29.2	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b	
5773	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	ND	1	b	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation

RAW BEEF MEAT (20 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type			
		Global result		PCR Result															Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory test			Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC + GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC					GeneDisc® Plate EHEC 5ID					Final result PCR	Global result	Serogroup											
				eae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145				O26	IC									
5774	Frozen beef trim	-	/	16.2	0.0	15.7	17.0	32.1	+	0.0	0.0	17.2	0.0	0.0	29.9	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b		
5775	Frozen beef trim	+	O145	18.2	0.0	0.0	18.8	32.0	+	0.0	0.0	0.0	19.1	0.0	29.5	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b		
5776	Frozen ground beef	+	O111	17.8	0.0	17.8	19.1	31.7	+	0.0	0.0	18.8	0.0	0.0	29.2	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PA	1	b		
3940	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-			-	-	/	NA	1	c		
3941	Marinated beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-			-	-	/	ND	1	c		
3942	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-			-	-	/	NA	1	c		
3943	Marinated beef	-	/	19.1	0.0	0.0	19.9	31.3	+	0.0	0.0	0.0	19.7	0.0	29.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c		
3944	Marinated beef	-	/	25.2	26.1	25.0	25.7	30.9	+	24.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O157:H7	-	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c		
5136	Seasoned ground beef	-	/	19.3	0.0	19.5	0.0	31.0		0.0	0.0	0.0	0.0	20.5	29.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	c		
5137	Seasoned ground beef	+	O103	23.6	0.0	23.7	0.0	31.7		0.0	26.2	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	c		
5138	Seasoned ground beef	+	O157	22.6	23.0	0.0	22.7	31.2		22.9	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c		
5139	Seasoned ground beef	-	/	18.2	19.0	0.0	19.7	31.8		20.5	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c		
5238	Marinated beef trim	+	O157	21.7	22.6	0.0	22.8	31.1	+	23.4	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c		
5239	Marinated beef trim	+	O157	18.1	18.8	0.0	18.9	31.4	+	19.9	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c		
5240	Marinated beef trim	+	O157	16.0	16.8	0.0	17.2	30.9	+	18.3	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c		
5781	Marinated beef trim	-	/	23.8	0.0	23.0	25.0	32.7	+	0.0	0.0	23.7	0.0	0.0	30.1	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PD	1	c		
5782	Marinated beef trim	-	/	21.2	0.0	0.0	23.5	31.4	+	0.0	0.0	0.0	23.5	0.0	30.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c		
6240	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	-			-	-	/	NA	1	c		
6241	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c		
6242	Tomato ground beef	-	/	22.8	0.0	0.0	24.5	31.5	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	-	/	NA	1	c		
6243	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.0	-	-			-	-	/	NA	1	c		
6244	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.5	-	21.2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	-	-			-	-	/	NA	1	c		
6245	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-			-	-	/	NA	1	c		
6246	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	-	/	NA	1	c		
6247	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	i/-	-			-	-	/	NA	1	c		

RAW BEEF MEAT (20 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
		Global result		PCR Result											Final result PCR	Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory test	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. + GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. + GeneDisc® EHEC 5ID			
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.					GeneDisc® Plate EHEC 5ID											Global result	Serogroup				
				eae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26											IC
3934	Raw beef trim	-	/	28.3	30.3	0.0	30.1	30.8	+	24.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a
3935	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
3936	Raw beef trim	-	/	33.7	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	22.8	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
3937	Raw beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	ND	1	a
3938	Raw beef trim	-	/	28.3	0.0	0.0	29.9	31.8	+	0.0	0.0	0.0	19.3	0.0	30.2	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
3939	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	33.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
3940	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-		-	-	/	NA	1	c
3941	Marinated beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-	-		-	-	/	ND	1	c
3942	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-	-		-	-	/	NA	1	c
3943	Marinated beef	-	/	26.1	0.0	0.0	27.9	31.3	+	0.0	0.0	0.0	19.7	0.0	29.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c
3944	Marinated beef	-	/	29.5	31.8	0.0	29.7	30.2	+	24.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O157:H7	-	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c
3945	Frozen beef trim	+	O157	26.0	28.6	0.0	27.7	31.8	+	18.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	b
3946	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
3947	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
3948	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-	-		-	-	/	ND	1	b
3949	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	20.6	0.0	0.0	24.1	0.0	30.0	-	-	-		-	-	/	ND	1	b
3950	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	-	-		-	-	/	ND	1	b
3951	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
3952	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	23.7	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
3953	Frozen ground beef	-	/	27.4	0.0	0.0	29.2	29.4	+	22.6	27.5	0.0	0.0	0.0	30.0	STEC O103	-	-	-		-	/	PPNA	1	b
3954	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
3955	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
3956	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
4172	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
4173	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
4174	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
4175	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
4176	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	-	-		-	-	/	NA	1	a
5129	Ground beef	-	/	25.5	28.4	0.0	28.3	30.6	+	23.8	29.7	0.0	21.8	0.0	30.2	STEC O157:H7 STEC O103 STEC O145	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	a
5130	Ground beef	-	/	23.4	0.0	0.0	24.5	30.3	+	22.6	0.0	0.0	0.0	24.1	30.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a
5131	Ground beef	+	O103	20.6	0.0	0.0	20.9	30.6	+	0.0	20.7	0.0	0.0	0.0	30.1	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	a
5132	Ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	-	-		-	-	/	ND	1	a
5133	Ground beef	-	/	23.8	0.0	0.0	24.5	30.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	24.6	30.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a
5134	Ground beef	-	/	21.2	0.0	0.0	22.1	30.6	+	20.4	22.3	0.0	0.0	0.0	30.3	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	1	a
5135	Ground beef	-	/	26.1	27.1	0.0	26.6	30.5	+	27.4	0.0	0.0	24.6	0.0	30.4	STEC O157:H7 STEC O145	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a
5136	Seasoned ground beef	-	/	21.3	0.0	0.0	22.7	30.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	20.5	29.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	c
5137	Seasoned ground beef	+	O103	24.4	0.0	0.0	25.3	30.8	+	0.0	26.2	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	c
5138	Seasoned ground beef	+	O157	21.7	23.7	0.0	23.2	30.0	+	22.9	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5139	Seasoned ground beef	-	/	20.6	22.7	0.0	22.1	30.2	+	20.5	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	c
5140	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	24.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-	-		-	-	/	NA	1	b
5141	Frozen ground beef	+	O145	21.0	0.0	0.0	21.5	30.8	+	0.0	0.0	0.0	18.6	0.0	30.1	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b
5142	Frozen ground beef	+	O26	28.9	0.0	0.0	29.1	31.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	25.2	29.8	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b
5143	Frozen ground beef	+	O26	23.2	0.0	0.0	25.1	30.3	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19.5	29.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	1	b

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW BEEF MEAT (20 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																		Category	Type		
		Global result		PCR Result												Final result PCR	Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory test	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. + GeneDisc® EHEC 5ID			Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. + GeneDisc® EHEC 5ID	
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.					GeneDisc® Plate EHEC 5ID					Global result	Serogroup										
				eeae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145								O26				IC
5144	Frozen beef trim	-	/	24.2	0.0	0.0	24.9	31.8	+	0.0	0.0	0.0	34.9	19.7	29.9	STEC O26 STEC O145	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	b
5145	Frozen beef trim	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	ND	1	b
5146	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	33.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-			-	-	/	NA	1	b
5147	Frozen beef trim	+	O145	21.0	0.0	0.0	21.9	30.3	+	0.0	0.0	0.0	17.4	0.0	29.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b
5238	Marinated beef trim	+	O157	23.3	25.3	0.0	24.5	30.0	+	23.4	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5239	Marinated beef trim	+	O157	23.3	25.4	0.0	25.1	30.5	+	19.9	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5240	Marinated beef trim	+	O157	23.7	25.7	0.0	25.7	30.5	+	18.3	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157:H7	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	c
5772	Frozen beef trim	-	/	23.9	0.0	0.0	23.5	30.1	+	0.0	0.0	17.2	0.0	0.0	29.2	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b
5773	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	ND	1	b
5774	Frozen beef trim	-	/	24.6	0.0	0.0	24.3	30.1	+	0.0	0.0	17.2	0.0	0.0	29.9	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PD	1	b
5775	Frozen beef trim	+	O145	30.0	0.0	0.0	30.7	30.5	+	0.0	0.0	0.0	19.1	0.0	29.5	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	1	b
5776	Frozen ground beef	+	O111	27.1	0.0	0.0	26.7	30.1	+	0.0	0.0	18.8	0.0	0.0	29.2	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PA	1	b
5777	Beef trim	-	/	19.9	0.0	0.0	21.2	31.0	+	23.0	0.0	0.0	19.3	0.0	29.2	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
5778	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	-	/	NA	1	a
5779	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	a
5780	Beef trim	-	/	20.4	0.0	0.0	21.8	30.4	+	0.0	0.0	0.0	19.7	0.0	29.4	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
5781	Marinated beef trim	-	/	25.1	0.0	0.0	24.8	30.7	+	0.0	0.0	23.7	0.0	0.0	30.1	STEC O111	STEC O111	O111		STEC O111	+	O111	PD	1	c
5782	Marinated beef trim	-	/	22.8	0.0	0.0	24.3	30.0	+	0.0	0.0	0.0	23.5	0.0	30.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	c
6240	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	-			-	-	/	NA	1	c
6241	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-			-	-	/	NA	1	c
6242	Tomato ground beef	-	/	29.2	0.0	0.0	30.8	29.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-			-	-	/	NA	1	c
6243	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.0	-	-			-	-	/	NA	1	c
6244	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	21.2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	-	-			-	-	/	NA	1	c
6245	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-			-	-	/	NA	1	c
6246	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-			-	-	/	NA	1	c
6247	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	i/-	-			-	-	/	NA	1	c

RAW BEEF MEAT (20 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type		
		Global result		PCR result														Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory test	Final result GeneDisc® STEC TOP7			Agreement GeneDisc® STEC TOP7	
				GeneDisc® Plate STEC TOP7																		Global result				Serogroup
				O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC	Final result										
3934	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	24.4	0.0	0.0	0.0	23.3	0.0	23.8	0.0	0.0	31.8	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a
3935	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-			-	-	/	NA	1	a
3936	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	22.9	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	21.7	0.0	0.0	31.6	-	-			-	-	/	NA	1	a
3937	Raw beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	36.2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-			-	-	/	ND	1	a
3938	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	20.1	0.0	0.0	0.0	0.0	18.2	0.0	18.4	0.0	0.0	32.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
3939	Raw beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.8	-	-			-	-	/	NA	1	a
4172	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.2	-	-			-	-	/	NA	1	a
4173	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-			-	-	/	NA	1	a
4174	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-			-	-	/	NA	1	a
4175	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-			-	-	/	NA	1	a
4176	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-			-	-	/	NA	1	a
5129	Ground beef	-	/	27.5	0.0	22.1	29.1	0.0	0.0	0.0	28.1	27.1	28.4	0.0	0.0	32.6	STEC O157 STEC O103 STEC O145	STEC O157	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PD	1	a
5130	Ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	22.8	0.0	0.0	22.2	0.0	0.0	23.2	0.0	31.3	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a
5131	Ground beef	+	O103	18.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.1	0.0	0.0	0.0	18.0	31.9	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	1	a
5132	Ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-			-	-	/	ND	1	a
5133	Ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	23.3	0.0	0.0	23.0	0.0	0.0	23.8	0.0	31.1	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	1	a
5134	Ground beef	-	/	20.4	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	19.3	0.0	0.0	20.2	0.0	31.6	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	1	a
5135	Ground beef	-	/	0.0	0.0	26.9	26.7	0.0	0.0	0.0	25.7	0.0	25.8	0.0	0.0	31.2	STEC O157 STEC O145	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	1	a
5777	Beef trim	-	/	0.0	0.0	19.7	0.0	0.0	0.0	0.0	17.9	0.0	17.8	0.0	0.0	30.8	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
5778	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	-			-	-	/	NA	1	a
5779	Beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-			-	-	/	NA	1	a
5780	Beef trim	-	/	0.0	0.0	19.9	0.0	0.0	0.0	0.0	18.2	0.0	18.7	0.0	0.0	30.7	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	1	a
3945	Frozen beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	18.3	0.0	0.0	0.0	17.1	0.0	17.5	0.0	0.0	31.6	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	1	b
3946	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	-			-	-	/	NA	1	b
3947	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-			-	-	/	NA	1	b
3948	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-			-	-	/	ND	1	b
3949	Frozen ground beef	+	O157	0.0	0.0	26.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-			-	-	/	ND	1	b
3950	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-			-	-	/	ND	1	b
3951	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-			-	-	/	NA	1	b

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW BEEF MEAT (20 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type		
		Global result		PCR result														Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory test	Final result GeneDisc® STEC TOP7			Agreement GeneDisc® STEC TOP7	
				GeneDisc® Plate STEC TOP7																		Global result				Serogroup
				O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC	Final result										
3952	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
3953	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
3954	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
3955	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
3956	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
5140	Frozen ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
5141	Frozen ground beef	+	O145	0.0	0.0	19.2	0.0	0.0	0.0	17.6	0.0	18.1	0.0	0.0	32.6	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5142	Frozen ground beef	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	23.9	0.0	23.4	0.0	0.0	24.1	0.0	31.5	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5143	Frozen ground beef	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	18.4	0.0	17.6	0.0	0.0	18.6	0.0	32.0	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PA	1	b	
5144	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	18.5	0.0	19.3	0.0	0.0	18.3	0.0	32.4	STEC O26 STEC O145	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PD	1	b	
5145	Frozen beef trim	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	-	-	-	-	-	/	ND	1	b	
5146	Frozen beef trim	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	b	
5147	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	17.6	0.0	0.0	0.0	16.2	0.0	16.2	0.0	0.0	31.7	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5772	Frozen beef trim	-	/	0.0	16.7	0.0	0.0	0.0	0.0	15.5	17.7	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O111	STEC O111	O111	-	STEC O111	+	O111	PD	1	b	
5773	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	-	-	-	-	-	/	ND	1	b	
5774	Frozen beef trim	-	/	0.0	16.2	0.0	0.0	0.0	0.0	15.4	17.4	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O111	STEC O111	O111	-	STEC O111	+	O111	PD	1	b	
5775	Frozen beef trim	+	O145	0.0	0.0	19.5	0.0	0.0	0.0	17.8	0.0	18.2	0.0	0.0	30.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PA	1	b	
5776	Frozen ground beef	+	O111	0.0	18.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.2	19.2	0.0	0.0	0.0	30.9	STEC O111	STEC O111	O111	-	STEC O111	+	O111	PA	1	b	
3940	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
3941	Marinated beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	-	-	-	-	-	/	ND	1	c	
3942	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	/	NA	1	c	
3943	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	19.8	0.0	0.0	0.0	18.3	0.0	19.0	0.0	0.0	31.6	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PD	1	c	
3944	Marinated beef	-	/	0.0	0.0	0.0	26.2	0.0	0.0	24.0	0.0	25.6	0.0	0.0	32.6	STEC O157	-	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	1	c	
5136	Seasoned ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	19.5	0.0	19.0	0.0	0.0	19.8	0.0	31.3	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PD	1	c	
5137	Seasoned ground beef	+	O103	24.6	0.0	0.0	0.0	0.0	33.8	23.1	0.0	0.0	0.0	24.1	31.9	STEC O103	STEC O103	STEC STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PA	1	c	
5138	Seasoned ground beef	+	O157	0.0	0.0	0.0	22.2	0.0	0.0	21.1	0.0	21.6	0.0	0.0	31.4	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5139	Seasoned ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	19.3	0.0	0.0	18.6	0.0	18.6	0.0	0.0	31.7	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	1	c	
5238	Marinated beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	22.7	0.0	0.0	22.0	0.0	22.0	0.0	0.0	31.7	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5239	Marinated beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	19.0	0.0	0.0	18.4	0.0	18.7	0.0	0.0	31.8	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5240	Marinated beef trim	+	O157	0.0	0.0	0.0	17.4	0.0	0.0	16.6	0.0	16.7	0.0	0.0	31.7	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	1	c	
5781	Marinated beef trim	-	/	0.0	23.3	0.0	0.0	0.0	36.8	22.1	23.9	0.0	0.0	0.0	30.7	STEC O111	STEC O111	O111	-	STEC O111	+	O111	PD	1	c	

RAW BEEF MEAT (20 h incubation time)

Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative method: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type		
		Global result		PCR result														Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory test	Final result GeneDisc® STEC TOP7			Agreement GeneDisc® STEC TOP7	
				GeneDisc® Plate STEC TOP7																		Global result				Serogroup
		Global result	Serogroup	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC	Final result										
5782	Marinated beef trim	-	/	0.0	0.0	23.6	0.0	0.0	0.0	22.3	0.0	21.7	0.0	0.0	30.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	1	c		
6240	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	-	-	-	NA	1	c		
6241	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	-	-	-	NA	1	c		
6242	Tomato ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	22.9	0.0	0.0	0.0	23.0	33.1	-	-	-	-	-	-	NA	1	c		
6243	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	NA	1	c		
6244	Seasoned beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	NA	1	c		
6245	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	-	-	-	-	-	NA	1	c		
6246	Onions ground beef	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	33.0	-	-	-	-	-	-	NA	1	c		
6247	Marinated Carpaccio	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.3	i/-	-	-	-	-	-	NA	1	c		

RAW DAIRY PRODUCTS																					
Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																	Category	Type
			PCR result								Confirmation						Final Result				
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation		Final Result			
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result	Serogroup	Global result		
4136	Lait cru de vache	Raw cow milk	31,06	-	32,33	28,55	28,81	-	28,51	-	O103	-	/	-	-	+	O103	+	O103	2	a
4177	Lait cru de vache	Raw cow milk	31,45	-	28,79	27,76	29,32	-	26,51	25,06	-	-	-	-	-	-	/	-	/	2	a
4828	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
4829	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	32,11	32,73	-	24,66	-	25,50	31,27	O157	-	/	/	/	+	O157	+	O157	2	a
4830	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
4831	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	26,07	26,66	-	30,71	-	-	27,05	O157	-	/	/	/	+	O157	+	O157	2	a
4832	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	34,24	33,36	-	24,57	-	-	33,64	O157	-	-	/	-(O103)	+	O157	+	O157	2	a
4982	Lait cru de vache	Raw cow milk	-	32,22	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
4983	Lait cru de vache	Raw cow milk	-	32,22	33,32	-	33,74	-	-	-	-	-	/	/	-(O103)	-	/	-	/	2	a
5110	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
5111	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
5112	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
5573	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	17,25	-	16,81	17,14	-	-	-	-	O26	/	/	/	/	+	O26	+	O26	2	a
5574	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
5575	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	16,50	-	16,15	-	16,77	-	-	-	O103	/	/	/	/	+	O103	+	O103	2	a
5576	Lait cru de chèvre	Raw goat milk	21,13	-	20,84	-	21,42	-	-	-	O103	/	/	/	/	+	O103	+	O103	2	a
5577	Lait cru de vache	Raw cow milk	29,56	-	28,79	28,78	-	-	39,63	-	O26	-	/	/	-(O145)	+	O26	+	O26	2	a
5578	Lait cru de vache	Raw cow milk	25,41	-	24,68	24,65	27,97	-	31,90	-	-	-	/	-	+(O26) +(O103) -(O145)	+	O26 O103	+	O26 O103	2	a
5579	Lait cru de vache	Raw cow milk	32,71	-	30,35	-	31,14	-	-	-	-	-	/	/	-(O103)	-	/	-	/	2	a
5580	Lait cru de vache	Raw cow milk	31,55	-	31,09	-	29,42	-	30,38	-	-	-	/	/	-(O103) -(O145)	-	/	-	/	2	a
5581	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
5582	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
5583	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	16,52	-	16,32	-	-	-	-	38,66	-	-	-	/	-(O157)	-	/	-	/	2	a
5852	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	18,17	15,72	12,38	-	-	16,38	-	-	O111	/	/	/	/	+	O111	+	O111	2	a
5853	Lait cru de brebis	Raw ewe milk	23,16	23,16	23,75	-	-	-	22,33	-	O145	/	/	/	/	+	O145	+	O145	2	a
6093	Lait cru de vache	Raw cow milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
6152	Lait cru de vache	Raw cow milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
6234	Lait de chèvre	Goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
6235	Lait de brebis	Goat milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
6236	Lait de brebis	Ewe milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
6237	Lait de brebis	Ewe milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
6238	Lait de brebis	Ewe milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
6239	Lait de brebis	Ewe milk	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	a
4833	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	b
4834	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	b
4835	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	36,91	34,07	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	b
4836	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	b
4837	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	b
4838	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/	-	-	-	/	2	b

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW DAIRY PRODUCTS																						
Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																	Category	Type	
			PCR result								Confirmation							Final Result				
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation						
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result	Serogroup	Global result			Sero-group
4970	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	19,74	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4971	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4972	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4973	Fromage au lait cru de vache	Raw cow milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4974	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4975	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4976	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4977	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4978	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4979	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
4980	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
5106	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
5107	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
5108	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
5109	Fromage au lait cru de brebis	Raw ewe milk cheese	-	-								/	/	/	/	/			-	/	2	b
5417	Fromage au lait cru de chèvre (Picodon)	Raw goat milk cheese	26,96	24,55	23,67	24,71	28,88	-	-	-	O26	/	/	/	/	/	+	O26	+	O26	2	b
5418	Fromage au lait cru de vache (Brie de Meaux)	Raw cow milk cheese	-	38,66	-							/	/	/	/	/			-	/	2	b
5419	Fromage au lait cru de vache (Comté)	Raw cow milk cheese	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	2	b
5420	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	28,32	-	30,71	29,76	35,17	-	28,76	37,44	-	-	-	-	+O103	+	O103	+	O103	2	b	
5421	Fromage au lait cru de vache (Camembert)	Raw cow milk cheese	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	2	b
5422	Fromage au lait cru de vache (Tomme de Savoie)	Raw cow milk cheese	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	2	b
5423	Fromage au lait cru de chèvre (Saint Maure de Touraine)	Raw goat milk cheese	17,04	-	16,13	-	17,71	-	-	38,02	O103	O103	-	-	-(O157)	+	O103	+	O103	2	b	
5424	Fromage au lait cru de vache (Camembert)	Raw cow milk cheese	24,13	-	23,19	-	24,21	-	-	-	O103	/	/	/	/	/	+	O103	+	O103	2	b
5425	Fromage au lait cru de chèvre (Selles sur Cher)	Raw goat milk cheese	26,49	-	28,52	-	23,98	-	-	-	O103	/	/	/	/	/	+	O103	+	O103	2	b
5426	Fromage au lait cru de brebis (Bethmale)	Raw ewe milk cheese	29,04	-	27,51	-	28,50	-	26,20	39,07	O103	-	/	-(O157) -(O145)	O157 O145	+	O103	+	O103	2	b	
5427	Fromage au lait cru de vache (Reblochon)	Raw cow milk cheese	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	2	b
5854	Fromage au lait cru de chèvre	Raw goat milk cheese	-	24,10	25,15	-	32,97	-	-	24,43	O157	-	-	/	-(O103)	+	O157	+	O157	2	b	
5855	Fromage au lait cru de chèvre (Rocamadour)	Raw goat milk cheese	-	-	-							/	/	/	/	/			-	/	2	b
5856	Fromage au lait cru de vache (Beaumont de Savoie)	Raw cow milk cheese	19,22	19,10	17,83	-	-	-	17,83	-	O145	/	/	/	/	/	+	O145	+	O145	2	b

RAW DAIRY PRODUCTS																					
Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																	Category	Type
			PCR result								Confirmation						Final Result				
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation		Final Result			
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result	Serogroup	Global result		
5857	Fromage au lait cru de vache (Comté)	Raw cow milk cheese	i/-*	15,40	14,56	-	-	-	-	17,16	O157	/	/	/	/	+	O157	+	O157	2	b
5858	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	2	b
5859	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	15,96	15,54	17,41	-	-	-	16,27	-	O145	/	/	/	/	+	O145	+	O145	2	b
5860	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	2	b
5861	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	21,96	21,40	22,02	-	-	20,39	-	-	O111	/	/	/	/	+	O111	+	O111	2	b
5862	Fromage au lait cru de brebis (Roquefort)	Raw ewe milk cheese	-	-	25,48						/	/	/	/	/			-	/	2	b
6006	Fromage au lait cru de vache	Raw cow milk cheese	-	-							/	/	/	/	/			-	/	2	b

VEGETABLES																					
Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																	Category	Time
			PCR result								Confirmation						Final Result				
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation		Final Result			
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result	Serogroup	Global result		
1733	Graines germées (Radis)	Sprouts (Radish)	32,35	32,21	30,69	-	-	30,47	-	-	O111	/	/	/	/	+	STEC O111	+	O111	3 a	
1734	Graines germées (Radis)	Sprouts (Radish)	-	-	36,16						/	/	/	/				-	/	3 a	
1735	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	-	34,20						/	/	/	/				-	/	3 a	
1736	Graines germées (Poireaux)	Sprouts (Leeks)	-	-	39,00						/	/	/	/				-	/	3 a	
1940	Graines germées (Roquettes, Alfalfa)	Sprouts (Roquette, alfalfa)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
1941	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
1942	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
1943	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2126	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2127	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2128	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	-	28,73						/	/	/	/				-	/	3 a	
2129	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2490	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2491	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2492	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2493	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	-	29,37						/	/	/	/				-	/	3 a	
2494	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
2495	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	28,30	29,54	-	-	-	28,64	-	O145	/	/	/	/	+	O145	+	O145	3 a	
2496	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
3725	Mix de graines germées (pois verts, lentilles, soja)	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
3726	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
3727	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
3728	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	35,75	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
3729	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	
3730	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3 a	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

VEGETABLES																					
Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																	Category	Time
			PCR result								Confirmation						Final Result				
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation		Final Result			
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result	Serogroup	Global result		
3731	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
3732	Graines germées (Alfalfa, lentilles, poireaux)	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	i/-*	-						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
3733	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
3734	Mix de graines germées (Pois verts, lentilles, soja)	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
3735	Graines germées (Alfalfa, radis, fenouil)	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
3736	Graines germées (Alfalfa, roquette)	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
4713	Haricot mungo	Sprouts	-	-	33,77						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
4714	Alfalfa lentilles, poireaux	Sprouts	-	-	32,81						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
4715	Alfalfa roquette	Sprouts	31,46	-	35,65	28,09	-	i/-*	-	-	-	O26	-	-	/	+	O26	+	O26	3 a	
4716	Alfalfa fines pousses	Sprouts	30,27	-	29,88	29,30	-	-	-	-	-	O26	-	-	/	+	O26	+	O26	3 a	
4717	Alafra radis, fenouil	Sprouts	-	-	30,04						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
4718	Alafra radis, fenouil	Sprouts	-	-	34,44						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
4719	Pousses de haricots mungo	Sprouts	-	-	32,15						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
5664	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	40,09	-	35,52	-	-	-	-	34,31	-	-	-	/	-	-	/	-	/	3 a	
5665	Graines germées (Alfalfa)	Sprouts (Alfalfa)	-	-	37,88						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
5666	Graines germées (Radis)	Sprouts (Radish)	38,60	-	34,83	-	-	-	-	32,47	-	-	-	/	-	-	/	-	/	3 a	
5667	Graines germées (Lentilles, poireaux)	Sprouts (Lentils)	38,42	-	37,07	-	-	31,05	-	33,75	-	-	-	/	O157	+	STEC O157	+	O157	3 a	
5668	Graines germées (Haricots mungo, pois chiches, poireaux)	Sprouts (Mung beans, leek)	41,07	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 a	
1740	Jeunes pousses	Baby leaves	19,94	-	20,07	-	-	20,23	-	-	O111	/	/	/	/	+	STEC O111	+	O111	3 b	
1741	Jeunes pousses	Baby leaves	20,65	20,41	20,19	-	-	20,48	-	-	O111	/	/	/	/	+	STEC O111	+	O111	3 b	
1742	Mesclun et roquette	Baby leaves	24,03	-	23,16	-	-	23,34	-	-	O111	/	/	/	/	+	STEC O111	+	O111	3 b	
1743	Mesclun et roquette	Baby leaves	-	-	-	-	-	-	-	-	/	/	/	/	/			-	/	3 b	
1944	Jeunes pousses (Redchard, roquette, épinards)	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 b	
1945	Pousses (Mesclun, roquette, cerfeuil, laitue verte et rouge)	Baby leaves (Mesclun, roquette, chervil, red and red lettuce)	-	-	-						/	/	/	/	/			-	/	3 b	
1946	Pousses d'épinard	Baby leaves (Spinach)	18,66	-	19,02	18,05	-	-	-	-	O26	/	/	/	/	+	STEC O26	+	O26	3 b	
1947	Pousses (Mâche, roquette, épinard)	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	24,88	-	25,22	17,26	22,30	-	-	-	O103 O26	/	/	/	/	+	STEC O103 / O26	+	O26 O123	3 b	
2130	Tendres pousses (Mâche, épinard, laitue rouge et verte)	Baby leaves (Mâche, spinach, red and green lettuce)	-	19,35	20,35	-	-	-	18,66	-	O145	/	/	/	/	+	STEC O145	+	O145	3 b	
2131	Jeunes pousses (Red chard, roquette, épinard)	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	21,25	-	22,20	-	-	-	-	20,97	O157	/	/	/	/	+	STEC O157	+	O157	3 b	
2132	Jeunes pousses (Mâche, roquette, épinard)	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	-	25,19	26,19	-	-	-	26,64	-	O145	/	/	/	/	+	STEC O145	+	O145	3 b	

VEGETABLES																					
Sample N°	Product (French name)	Product	Reference method : ISO/TS 13136*																	Category	Time
			PCR result								Confirmation						Final Result				
											IMS				Alternative protocols	Final result confirmation		Final Result			
			Stx1	Stx 2	eae	O26	O103	O111	O145	O157	Chr STEC	TBX	CT-SMAC	CT-RMAC		Result	Result	Serogroup	Global result		
2497	Jeunes pousses	Baby leaves	-	23,44	23,20	24,41	-	-	-	25,90	O26	/	/	/	-	+	O26	+	O26	3	b
2498	Jeunes pousses	Baby leaves	22,19	21,88	21,80	-	-	23,36	-	-	O111	/	/	/	/	+	O111	+	O111	3	b
2499	Jeunes pousses	Baby leaves	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	b
3737	Jeunes pousses	Baby leaves	-	-	17,17						/	/	/	/				-	/	3	b
3738	Jeunes pousses	Baby leaves	-	28,91	25,09	-	-	-	-	25,35	/	/	O157	/	/	+	O157	+	O157	3	b
6009	Jeunes pousses	Baby leaves	-	-							/	/	/	/				-	/	3	b
6010	Mesclun	Baby leaves	-	-							/	/	/	/				-	/	3	b
6011	Pousses d'épinards	Baby leaves	-	-							/	/	/	/				-	/	3	b
6012	Jeunes pousses	Baby leaves	-	-							/	/	/	/				-	/	3	b
1737	Ananas	Pineapple	19,59	18,67	19,07	-	-	18,59	-	-	O111	/	/	/	/	+	STEC O111	+	O111	3	c
1738	Carottes râpées	Grated carrots	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
1739	Chou rouge râpé	Grated red cabbage	19,68	19,04	19,01	-	-	19,09	-	-	O111	/	/	/	/	+	STEC O111	+	O111	3	c
1948	Pomme	Apple	19,86	-	20,31	20,02	-	-	-	-	O26	/	/	/	/	+	STEC O26	+	O26	3	c
1949	Aubergine	Eggplant	18,53	-	18,72	-	18,28	-	-	-	O103	/	/	/	/	+	STEC O103	+	O103	3	c
1950	Céleri branche	Celery	20,16	-	19,94	19,09	-	-	-	-	O26	/	/	/	/	+	STEC O26	+	O26	3	c
2133	Mangue	Mango	i/-*	19,01	19,00	-	-	-	18,32	-	O145	/	/	/	/	+	STEC O145	+	O145	3	c
2134	Poire	Pear	18,45	i/-*	19,45	-	-	-	-	18,63	O157	/	/	/	/	+	STEC O157	+	O157	3	c
2135	Carottes râpées	Grated carrots	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
2136	Mélange crudités (Chou blanc, carottes, frisée, poivron rouge)	Vegetable mix (White cabbage, carrots, salad, red pepper)	25,19	-	24,68	-	-	-	-	24,38	O157	/	/	/	/	+	STEC O157	+	O157	3	c
3328	Champignons surgelés	Frozen mushrooms	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
3329	Haricots verts surgelés	Frozen Green beans	18,38	-	17,36	-	-	17,94	-	-	O111	/	/	/	/	+	O111	+	O111	3	c
3330	Légumes pour potage surgelés	Frozen vegetable mix	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
3331	Mélange de légumes surgelés	Frozen vegetable mix	22,37	-	21,36	-	-	22,63	-	-	O111	/	/	/	/	+	O111	+	O111	3	c
6007	Carottes surgelées	Frozen carrots	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
6008	Poivrons émincés surgelés	Frozen sliced pepper	-	35,98	-						/	/	/	/				-	/	3	c
6013	Carottes	Carots	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
6014	Mélange crudités (carottes, chou, frisée)	Vegetable mix (carots, cabbage, salad)	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
6015	Champignons de paris	Mushrooms	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
6016	Courgettes	Zucchini	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c
6230	Radis prêts à croquer	Radish	22,72	i	21,18	-	20,17	-	-	-	-	O103	/	/	/	+	O103	+	O103	3	c
6231	Mélange asiatique (carottes, chou blanc, poireai, coriandre)	Vegetable mix	37,40	-	32,48	-	31,54	-	-	-	-	-	/	/	O103	+	O103	+	O103	3	c
6232	Carottes nantaises	Carrots	22,82	i	20,75	-	19,82	-	-	-	-	O103	/	/	/	+	O103	+	O103	3	c
6233	Duo carottes betteraves	Roots and carrots	-	-	-						/	/	/	/				-	/	3	c

RAW DAIRY PRODUCTS																										
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type		
				PCR Result STEC												Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC 8h +GeneDisc® EHEC 5ID				
				GeneDisc® Plate STEC						GeneDisc® Plate EHEC 5ID										Final result PCR	Global result				Sero-group	
		Global result	Serogroup	eae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC											
4136	Raw cow milk	+	O103	26.7	0.0	26.5	0.0	30.8	+	31.8	33.7	0.0	0.0	31.6	29.7	STEC O26 STEC O103	STEC O26 STEC O103	STEC O26 STEC O103		STEC O26 STEC O103	+	O26 O103	PA	2	a	
4177	Raw cow milk	-	/	27.1	35.6	35.8	0.0	32.2	+	22.9	32.3	0.0	26.6	29.6	29.8	STEC O157 STEC O26 STEC O145 STEC O103	-	-	-	-	-	-	/	PPNA	2	a
4828	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	0.0	28.2	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4829	Raw goat milk	+	O157	28.9	32.6	0.0	32.3	30.9	+	27.7	28.7	0.0	29.5	0.0	29.4	STEC O157 STEC O103 STEC O145	-	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	2	a	
4830	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	25.9	30.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4831	Raw goat milk	+	O157	35.7	39.4	30.2	30.0	31.7	+	36.5	31.3	0.0	31.6	0.0	29.2	STEC O157 STEC O103 STEC O145	-	-	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	2	a	
4832	Raw goat milk	+	O157	32.7	34.2	0.0	36.6	31.8	+	32.2	29.8	0.0	0.0	0.0	30.4	STEC O157 STEC O103	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	2	a	
4982	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	30.5	35.5	30.5	-	29.1	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4983	Raw cow milk	-	/	36.5	0.0	31.1	36.4	32.6	+	37.1	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
5110	Raw goat milk	-	/	20.6	0.0	28.8	0.0	31.2	+	38.2	30.2	25.7	0.0	0.0	30.5	STEC O103 STEC O111	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PD	2	a	
5111	Raw goat milk	-	/	27.8	0.0	0.0	0.0	31.6	-	29.7	0.0	0.0	0.0	29.7	29.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
5112	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	37.8	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
5573	Raw goat milk	+	O26	17.9	0.0	18.5	0.0	31.1	+	19.6	0.0	0.0	0.0	19.6	29.5	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	2	a	
5574	Raw goat milk	-	/	18.7	0.0	19.8	0.0	32.1	+	18.5	0.0	0.0	0.0	20.9	30.2	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a	
5575	Raw goat milk	+	O103	16.8	0.0	15.7	0.0	31.3	+	0.0	19.0	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	2	a	
5576	Raw goat milk	+	O103	20.0	0.0	19.4	0.0	31.9	+	20.1	22.3	0.0	0.0	0.0	29.1	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	2	a	
5577	Raw cow milk	+	O26	30.7	0.0	30.4	0.0	31.7	+	23.9	27.6	0.0	28.7	31.3	29.6	STEC O26 STEC O103 STEC O145	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PA	2	a	
5578	Raw cow milk	+	O26 O103	28.3	0.0	27.6	0.0	32.0	+	29.5	0.0	0.0	0.0	28.5	29.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	2	a	
5579	Raw cow milk	-	/	29.6	29.4	29.3	0.0	31.7	+	25.2	30.2	0.0	31.4	0.0	29.5	STEC O103 STEC O145 STEC O157	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PD	2	a	
5580	Raw cow milk	-	/	34.8	33.5	33.2	0.0	31.5	+	26.6	31.6	0.0	30.6	0.0	29.7	STEC O103 STEC O145 STEC O157	-	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	2	a	
5581	Raw ewe milk	-	/	19.4	0.0	19.6	0.0	31.5	+	0.0	0.0	0.0	0.0	20.9	29.9	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a	
5582	Raw ewe milk	-	/	17.2	0.0	17.7	0.0	31.4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19.2	29.5	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a	
5583	Raw ewe milk	-	/	16.9	0.0	16.7	0.0	30.9	+	0.0	20.4	0.0	0.0	0.0	29.9	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	2	a	
5852	Raw ewe milk	+	O111	17.4	0.0	16.8	18.5	31.9	+	0.0	0.0	17.9	0.0	0.0	30.0	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	2	a	
5853	Raw ewe milk	+	O145	17.0	0.0	17.1	18.6	31.5	+	0.0	0.0	0.0	18.8	0.0	29.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	2	a	
6093	Raw cow milk	-	/	23.1	0.0	0.0	0.0	32.2	-	24.3	0.0	0.0	30.0	0.0	30.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
6152	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.2	-	25.2	38.6	0.0	34.5	0.0	30.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
6234	Goat milk	-	/	0.0	0.0	43.5	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
6235	Goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
6236	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW DAIRY PRODUCTS																											
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type			
				PCR Result STEC															Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests			Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC 8h +GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC					GeneDisc® Plate EHEC 5ID					Final result PCR	Global result		Sero-group										
				Global result	Serogroup	eeae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103		O111	O145		O26							IC	Global result	
6237	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
6238	Ewe milk	-	/	35.8	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
6239	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4833	Raw goat milk cheese	-	/	33.6	0.0	31.8	35.0	32.7	+	33.5	35.1	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O103	-	-	-	-	-	-	/	PPNA	2	b	
4834	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	30.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4835	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	28.4	29.3	31.5	-	31.1	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4836	Raw goat milk cheese	-	/	36.9	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4837	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4838	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4970	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	21.5	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4971	Raw ewe milk cheese	-	/	30.1	0.0	0.0	0.0	32.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4972	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	39.9	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4973	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	26.3	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4974	Raw ewe milk cheese	-	/	37.5	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4975	Raw ewe milk cheese	-	/	36.8	0.0	0.0	0.0	31.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4976	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	31.7	0.0	0.0	0.0	0.0	28.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4977	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	36.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4978	Raw ewe milk cheese	-	/	34.7	0.0	0.0	0.0	31.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	37.7	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4979	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	0.0	0.0	0.0	38.9	0.0	29.8	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
4980	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5106	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	26.6	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5107	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	27.7	0.0	0.0	31.3	-	38.5	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5108	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5109	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	28.8	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5417	Raw goat milk cheese	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	25.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.2	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	2	b	
5418	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.5	-	37.4	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5419	Raw cow milk cheese	-	/	19.6	0.0	0.0	21.4	31.5	+	0.0	0.0	0.0	0.0	23.1	29.6	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	-	-	+	O26	PD	2	b
5420	Raw goat milk cheese	+	O103	29.6	0.0	29.1	33.6	31.6	+	30.3	32.8	0.0	32.8	34.0	29.6	STEC O26 STEC O103 STEC O145	-	-	-	-	-	-	/	PPND	2	b	
5421	Raw cow milk cheese	-	/	31.7	32.5	0.0	0.0	32.0	-	30.6	35.8	0.0	31.1	0.0	30.2	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5422	Raw cow milk cheese	-	/	25.9	0.0	0.0	29.4	32.1	+	27.9	0.0	0.0	0.0	26.2	29.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	-	-	+	O26	PD	2	b
5423	Raw goat milk cheese	+	O103	0.0	0.0	36.8	0.0	32.3	-	0.0	37.8	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-	STEC O103	-	STEC O103	-	-	-	/	ND	2	b
5424	Raw cow milk cheese	+	O103	25.4	0.0	24.8	0.0	33.8	+	0.0	26.6	0.0	0.0	0.0	30.3	STEC O103	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	-	-	+	O103	PA	2	b
5425	Raw goat milk cheese	+	O103	36.3	0.0	32.2	0.0	32.3	+	38.3	32.4	0.0	0.0	0.0	30.1	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	-	-	+	O103	PA	2	b
5426	Raw ewe milk cheese	+	O103	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	26.8	0.0	0.0	34.8	0.0	29.8	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	2	b	
5427	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	32.9	0.0	0.0	0.0	31.1	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5854	Raw goat milk cheese	+	O157	22.4	23.6	0.0	23.8	31.8	+	23.6	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	-	-	+	O157	PA	2	b
5855	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	
5856	Raw cow milk cheese	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	2	b	
5857	Raw cow milk cheese	+	O157	18.7	20.6	0.0	20.0	32.5	+	20.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	-	-	+	O157	PA	2	b
5858	Raw ewe milk cheese	-	/	21.4	0.0	21.8	24.1	31.8	+	0.0	0.0	22.0	0.0	0.0	30.9	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	-	-	+	O111	PD	2	b
5859	Raw ewe milk cheese	+	O145	37.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	2	b	
5860	Raw ewe milk cheese	-	/	21.7	24.9	0.0	22.9	32.3	+	23.2	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	-	-	+	O157	PD	2	b
5861	Raw ewe milk cheese	+	O111	24.7	0.0	24.5	26.1	31.5	+	0.0	0.0	25.6	0.0	0.0	29.9	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	-	-	+	O111	PA	2	b
5862	Raw ewe milk cheese	-	/	22.7	0.0	23.5	25.6	31.7	+	0.0	0.0	0.0	24.8	0.0	30.1	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	-	-	+	O145	PD	2	b
6006	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	36.1	-	0.0	39.2	0.0	0.0	0.0	33.4	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b	

VEGETABLES																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																				Category	Type
				PCR Result STEC												Final result PCR	Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC 8h +GeneDisc® EHEC 5ID		
				GeneDisc® Plate STEC						GeneDisc® Plate EHEC 5ID											Global result	Sero-group			
				Global result	Serogroup	eae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145										
1733	Sprouts (Radish)	+	O111	30,7	0,0	30,6	32,5	32	+	0,0	0,0	30,9	0,0	0,0	30,8	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PA	3	a
1734	Sprouts (Radish)	-	/	34,9	0,0	35,9	0,0	31,2	+	0,0	0,0	35,6	0,0	0,0	31,3	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	3	a
1735	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	35,4	0,0	38,1	0,0	31,2	+	31,3	0,0	34,5	37,8	0,0	30,7	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	3	a
1736	Sprouts (Leeks)	-	/	36,3	0,0	0,0	0,0	31,7	-	29,9	0,0	0,0	36,8	0,0	30,9	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
1940	Sprouts (Roquette, alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	31,4	0,0	0,0	0,0	38,4	31,1	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
1941	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0,0	0,0	36,1	0,0	30,6	-	28,8	42,1	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
1942	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	34,4	0,0	36	0,0	30,7	+	29	0,0	0,0	0,0	36,6	30,8	STEC O26	-	-	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	3	a
1943	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	30,5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,8	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2126	Sprouts (Alfalfa)	-	/	37,5	0,0	0,0	0,0	31,1	-	38,8	0,0	0,0	0,0	0,0	30,7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2127	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	37,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,9	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2128	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	27,9	0,0	0,0	0,0	31,3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,4	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2129	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	40,3	0,0	0,0	0,0	31,8	-	37,8	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2490	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	-	0,0	0,0	0,0	39,6	0,0	31,2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2491	Sprouts (Alfalfa)	-	/	35,2	36,1	0,0	0,0	30,9	-	36,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2492	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,5	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2493	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	32,3	34,1	0,0	0,0	31,1	-	32,9	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2494	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	37,1	0,0	0,0	0,0	31,7	-	0,0	0,0	0,0	36,3	0,0	30,7	-	-	-	STEC O145	STEC O145	-	/	NA	3	a
2495	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	+	O145	33,0	0,0	0,0	33,1	32,2	+	0,0	0,0	0,0	31,8	0,0	29,2	STEC O145	-	-	STEC O145	STEC O145	+	O145	PA	3	a
2496	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	42,5	0,0	0,0	37,6	31,4	+	30,8	0,0	0,0	37,2	0,0	31,3	STEC O145	-	-	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	3	a
3725	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	/	37,1	0,0	0,0	0,0	31,4	-	0,0	38,8	0,0	0,0	0,0	30,2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3726	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	38,6	0,0	36,2	0,0	31,5	+	0,0	38,0	0,0	0,0	0,0	30,7	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	3	a
3727	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	38,1	0,0	37,0	0,0	0,0	31,0	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3728	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	36,8	0,0	0,0	0,0	31,3	-	0,0	39,4	0,0	0,0	0,0	31,0	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3729	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	36,8	0,0	30,5	0,0	38,1	30,7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3730	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	35,9	0,0	0,0	0,0	31,8	-	35,3	0,0	29,9	0,0	37,0	30,4	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3731	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3732	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	0,0	37,6	0,0	31,6	-	0,0	0,0	37,5	0,0	0,0	31,7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

VEGETABLES																										
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type		
				PCR Result STEC												Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC 8h +GeneDisc® EHEC 5ID				
				GeneDisc® Plate STEC						GeneDisc® Plate EHEC 5ID										Final result PCR	Global result				Sero-group	
				eeae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC											
3733	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	37.1	0.0	35.7	37.1	31.3	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
3734	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	/	37.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
3735	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	42.3	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
3736	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
4713	Sprouts	-	/	35.2	0.0	32.6	0.0	31.7	+	0.0	0.0	0.0	0.0	34.8	29.8	STEC O26	-	STEC O26	-	STEC O26	-	+	O26	PD	3	a
4714	Sprouts	-	/	36.6	0.0	35.8	0.0	30.8	+	0.0	0.0	30.0	0.0	37.1	30.3	STEC O111 STEC O26	-	-	-	STEC O26 (AP ISO)	-	+	O26	PD	3	a
4715	Sprouts	+	O26	34.9	0.0	33.6	0.0	31.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	36.9	29.9	STEC O26	-	-	STEC O26	STEC O26	-	+	O26	PA	3	a
4716	Sprouts	+	O26	34.2	0.0	32.5	0.0	31.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	34.7	29.6	STEC O26	-	STEC O26	-	STEC O26	-	+	O26	PA	3	a
4717	Sprouts	-	/	33.5	0.0	33.2	0.0	31.8	+	0.0	35.7	0.0	0.0	0.0	29.9	STEC O103	-	-	-	-	-	-	/	PPNA	3	a
4718	Sprouts	-	/	0.0	0.0	36.5	0.0	31.6	-	0.0	38.6	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
4719	Sprouts	-	/	33.5	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	36.5	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
5664	Sprouts (Alfalfa)	-	/	35.8	36.3	0.0	0.0	32.0	-	37.9	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
5665	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0.0	37.9	0.0	0.0	31.5	-	38.1	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
5666	Sprouts (Radish)	-	/	35.1	36.2	35.6	0.0	32.4	+	35.5	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157	-	-	-	STEC O157 (AP ISO)	-	+	O157	PD	3	a
5667	Sprouts (Lentils)	+	O157	37.5	37.5	35.3	0.0	31.9	+	37.7	0.0	33.7	0.0	0.0	29.5	STEC O157 STEC O111	-	-	-	STEC O157 (AP ISO)	-	+	O157	PA	3	a
5668	Sprouts (Mung beans, leek)	-	/	36.7	0.0	0.0	39.2	31.6	+	0.0	0.0	32.4	0.0	0.0	30.1	STEC O111	-	-	-	-	-	-	/	PPNA	3	a
1740	Baby leaves	+	O111	19.8	0.0	20.1	0	31.2	+	0.0	0.0	20.4	0.0	0.0	30.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	-	+	O111	PA	3	b
1741	Baby leaves	+	O111	20.3	0.0	20.2	21.8	31.3	+	0.0	0.0	21.2	0.0	0.0	31	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	-	+	O111	PA	3	b
1742	Baby leaves	+	O111	22.9	0.0	23.2	0.0	30.8	+	0.0	0.0	24	0.0	0.0	30.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	-	+	O111	PA	3	b
1743	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	b
1944	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	b
1945	Baby leaves (Mesclun, roquette, chervil, red and green lettuce)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	b
1946	Baby leaves (Spinach)	+	O26	18.3	0.0	18.5	0.0	30.9	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19.8	31.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	-	+	O26	PA	3	b
1947	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	+	O26 O123	24.7	0.0	24.7	0.0	30.8	+	0.0	23.4	0.0	0.0	19.1	30.6	STEC O26/O103	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	-	+	O103	PA	3	b
2130	Baby leaves (Mâche, spinach, red and green lettuce)	+	O145	19.5	0.0	0.0	20.9	31.5	+	0.0	0.0	0.0	20.7	0.0	30.7	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	-	+	O145	PA	3	b
2131	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	+	O157	22.3	23.6	23.4	0.0	31.1	STEC O157	23.9	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	-	+	O157	PA	3	b
2132	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	+	O145	24.1	0.0	0.0	25.4	32.9	+	0.0	0.0	0.0	25.1	0.0	30.7	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	-	+	O145	PA	3	b
2497	Baby leaves	+	O26	25.0	27.5	0.0	28.0	31.9	STEC O157	27.8	0.0	0.0	0.0	27.0	30.9	STEC O157+ O26	STEC O157	STEC O26	-	STEC O26 STEC O157	-	+	O26 O157	PA	3	b
2498	Baby leaves	+	O111	23.4	0.0	23.2	25.0	30.7	+	0.0	0.0	23.3	0.0	0.0	31.0	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	-	+	O111	PA	3	b
2499	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	b
3737	Baby leaves	-	/	18.4	19.7	0.0	0.0	31.6	-	20.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	b
3738	Baby leaves	+	O157	26.7	27.8	0.0	31.2	30.9	+	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	-	-	-	-	/	ND	3	b
6009	Baby leaves	-	/	31.8	0.0	0.0	0.0	32.1	-	28.4	36.0	0.0	28.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	b

VEGETABLES																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
				PCR Result STEC												Final result PCR	Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC +GeneDisc® EHEC 5ID				Agreement GeneDisc® STEC 8h +GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC						GeneDisc® Plate EHEC 5ID											Global result	Sero-group			
				Global result	Serogroup	eae	O157	stx 1	stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145										
6010	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	27.3	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	b
6011	Baby leaves	-	/	28.3	0.0	0.0	0.0	32.3	-	29.3	35.1	0.0	36.6	33.8	30.1	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	b
6012	Baby leaves	-	/	31.7	0.0	0.0	0.0	31.4	-	28.7	33.8	30.3	34.7	33.7	30.0	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	b
1737	Pineapple	+	O111	16,9	0.0	16,7	17,9	31	+	0.0	0.0	17,2	0.0	0.0	30,9	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	c
1738	Grated carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32,1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,8	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
1739	Grated red cabbage	+	O111	17,9	0.0	17,9	19,3	31,3	+	0.0	0.0	18,3	0.0	0.0	30,9	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	c
1948	Apple	+	O26	16,3	0.0	16,7	0.0	31,1	+	0.0	0.0	0.0	0.0	18	30,7	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PA	3	c
1949	Eggplant	+	O103	16,3	0.0	16,5	0.0	31	+	0.0	19,1	0.0	0.0	0.0	30,3	STEC 103	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PA	3	c
1950	Celery	+	O26	19,6	0.0	20,5	0.0	30,6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	21,8	31,1	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PA	3	c
2133	Mango	+	O145	19,3	0.0	0.0	21,6	31,6	+	0.0	0.0	0.0	21,0	0.0	30,8	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PA	3	c
2134	Pear	+	O157	16,2	17,5	16,3	0.0	31,9	STEC O157	17,7	0.0	0.0	0.0	0.0	31,3	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	3	c
2135	Grated carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31,3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,8	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
2136	Vegetable mix (White cabbage, carrots, salad, red pepper)	+	O157	22,1	23,6	23,3	0.0	30,7	STEC O157	24,6	0.0	0.0	0.0	0.0	30,9	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	3	c
3328	Frozen mushrooms	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31,3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,7	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
3329	Frozen Green beans	+	O111	17,9	0.0	18,1	0.0	31,1	+	0.0	0.0	18,8	0.0	0.0	30,5	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	c
3330	Frozen vegetable mix	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31,0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31,0	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
3331	Frozen vegetable mix	+	O111	21,2	0.0	21,3	0.0	32,0	+	0.0	0.0	21,8	0.0	0.0	30,8	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	c
6007	Frozen carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31,9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,8	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
6008	Frozen sliced pepper	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32,4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,9	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
6013	Carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31,9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,0	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
6014	Vegetable mix (carots, cabbage, salad)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32,0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,0	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
6015	Mushrooms	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31,9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,2	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
6016	Zucchini	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,8	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c
6230	Radish	+	O103	23,0	0.0	23,6	0.0	31,7	+	0.0	25,0	0.0	0.0	0.0	30,3	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	3	c
6231	Vegetable mix	+	O103	34,7	0.0	0.0	0.0	31,7	-	0.0	36,6	0.0	0.0	0.0	29,2	-	-	-	STEC O103	STEC O103	-	/	ND	3	c
6232	Carrots	+	O103	21,7	0.0	21,6	0.0	31,6	+	0.0	24,4	0.0	0.0	0.0	30,2	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	3	c
6233	Roots and carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31,6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,1	-	-	-	-	-	-	-	NA	3	c

RAW DAIRY PRODUCTS																										
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																		Category	Type			
				PCR												Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID				Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID		
		GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.						GeneDisc® Plate EHEC 5ID						Final result PCR	Global result					Serogroup						
		eae	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC													
4136	Raw cow milk	+	O103	30.0	0.0	0.0	30.3	31.4	+	31.8	33.7	0.0	0.0	31.6	29.7	STEC O26 STEC O103	STEC O26 STEC O103	STEC O26 STEC O103		STEC O26 STEC O103	+	O26 O103	PA	2	a	
4177	Raw cow milk	-	/	26.8	33.3	0.0	0.0	30.3	-	22.9	32.3	0.0	26.6	29.6	29.8	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4828	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	0.0	28.2	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4829	Raw goat milk	+	O157	28.9	31.7	0.0	31.0	30.0	+	27.7	28.7	0.0	29.5	0.0	29.4	STEC O157 STEC O103 STEC O145	-	STEC O157	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	2	a	
4830	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	25.9	30.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4831	Raw goat milk	+	O157	34.6	39.7	0.0	28.5	29.9	+	36.5	31.3	0.0	31.6	0.0	29.2	STEC O157 STEC O103 STEC O145	-	-	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	2	a	
4832	Raw goat milk	+	O157	32.9	35.3	0.0	33.6	30.3	+	32.2	29.8	0.0	0.0	0.0	30.4	STEC O157 STEC O103	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	2	a	
4982	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	0.0	31.2	29.8	-	29.1	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
4983	Raw cow milk	-	/	39.8	0.0	0.0	28.6	29.5	+	37.1	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
5110	Raw goat milk	-	/	20.6	0.0	0.0	28.3	30.4	+	38.2	30.2	25.7	0.0	0.0	30.5	STEC O103 STEC O111	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PD	2	a	
5111	Raw goat milk	-	/	27.6	0.0	0.0	0.0	29.7	-	29.7	0.0	0.0	0.0	29.7	29.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
5112	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	0.0	37.8	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a	
5573	Raw goat milk	+	O26	18.9	0.0	0.0	18.9	30.9	+	19.6	0.0	0.0	0.0	19.6	29.5	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	2	a	
5574	Raw goat milk	-	/	19.6	0.0	0.0	20.6	31.0	+	18.5	0.0	0.0	0.0	20.9	30.2	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a	
5575	Raw goat milk	+	O103	17.1	0.0	0.0	16.1	29.8	+	0.0	19.0	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	2	a	
5576	Raw goat milk	+	O103	20.4	0.0	0.0	19.0	30.3	+	20.1	22.3	0.0	0.0	0.0	29.1	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	2	a	
5577	Raw cow milk	+	O26	0.0	0.0	0.0	30.9	32.0	-	23.9	27.6	0.0	28.7	31.3	29.6	-	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	/	ND	2	a
5578	Raw cow milk	+	O26 O103	27.5	0.0	0.0	28.7	31.1	+	29.5	0.0	0.0	0.0	28.5	29.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	2	a	
5579	Raw cow milk	-	/	30.1	29.9	0.0	29.5	30.6	+	25.2	30.2	0.0	31.4	0.0	29.5	STEC O103 STEC O145 STEC O157	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PD	2	a	
5580	Raw cow milk	-	/	33.1	32.7	0.0	32.6	30.4	+	26.6	31.6	0.0	30.6	0.0	29.7	STEC O103 STEC O145 STEC O157	-	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	2	a	
5581	Raw ewe milk	-	/	19.5	0.0	24.2	20.1	31.1	+	0.0	0.0	0.0	0.0	20.9	29.9	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a	
5582	Raw ewe milk	-	/	17.4	0.0	20.5	17.9	30.7	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19.2	29.5	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW DAIRY PRODUCTS																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
				PCR											Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID				
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.					GeneDisc® Plate EHEC 5ID										Final result PCR	Global result		Serogroup			
		eae	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O10 3	O11 1	O14 5	O26	IC												
5583	Raw ewe milk	-	/	17.5	0.0	27.4	16.9	30.3	+	0.0	20.4	0.0	0.0	0.0	29.9	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	2	a
5852	Raw ewe milk	+	O111	17.3	0.0	18.7	16.6	30.1	+	0.0	0.0	17.9	0.0	0.0	30.0	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	2	a
5853	Raw ewe milk	+	O145	17.4	0.0	18.5	16.7	30.1	+	0.0	0.0	0.0	18.8	0.0	29.9	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	2	a
6093	Raw cow milk	-	/	23.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	24.3	0.0	0.0	30.0	0.0	30.3	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
6152	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	25.2	38.6	0.0	34.5	0.0	30.2	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
6234	Goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
6235	Goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
6236	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	18.6	0.0	29.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
6237	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	19.4	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
6238	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
6239	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-		-	-	/	NA	2	a
4833	Raw goat milk cheese	-	/	33.1	0.0	0.0	29.9	30.4	+	33.5	35.1	0.0	0.0	0.0	29.8	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	2	b
4834	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	30.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4835	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	26.9	30.3	-	31.1	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4836	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	36.1	30.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4837	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4838	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4970	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	21.3	29.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4971	Raw ewe milk cheese	-	/	29.3	0.0	0.0	0.0	29.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4972	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	35.5	0.0	30.4	-	0.0	39.9	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4973	Raw caw milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	26.3	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4974	Raw ewe milk cheese	-	/	34.3	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4975	Raw ewe milk cheese	-	/	35.6	0.0	0.0	0.0	30.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4976	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	31.7	0.0	0.0	0.0	0.0	28.9	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4977	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	36.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4978	Raw ewe milk cheese	-	/	34.8	0.0	0.0	0.0	30.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	37.7	29.9	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4979	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	38.9	0.0	29.8	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
4980	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.4	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
5106	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	26.4	0.0	0.0	29.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
5107	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	27.5	0.0	0.0	29.7	-	38.5	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
5108	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
5109	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	27.8	29.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-	-		-	-	/	NA	2	b
5417	Raw goat milk cheese	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	25.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.2	-	-	-		-	-	/	ND	2	b
5418	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	37.4	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	-	-		-	-	/	NA	2	b

RAW DAIRY PRODUCTS																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
				PCR												Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID			
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.						GeneDisc® Plate EHEC 5ID										Final result PCR	Global result				Serogroup
				eae	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC										
5419	Raw cow milk cheese	-	/	19.4	0.0	0.0	20.1	30.7	+	0.0	0.0	0.0	0.0	23.1	29.6	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	b
5420	Raw goat milk cheese	+	O103	30.1	0.0	0.0	28.9	30.6	+	30.3	32.8	0.0	32.8	34.0	29.6	STEC O26 STEC O103 STEC O145	-	-	-	-	-	/	PPND	2	b
5421	Raw cow milk cheese	-	/	31.9	32.1	0.0	0.0	31.0	-	30.6	35.8	0.0	31.1	0.0	30.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
5422	Raw cow milk cheese	-	/	25.7	0.0	0.0	26.5	31.1	+	27.9	0.0	0.0	0.0	26.2	29.7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	b
5423	Raw goat milk cheese	+	O103	34.9	0.0	0.0	35.6	30.4	+	0.0	37.8	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O103	-	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	2	b
5424	Raw cow milk cheese	+	O103	24.3	0.0	0.0	25.5	32.3	+	0.0	26.6	0.0	0.0	0.0	30.3	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	2	b
5425	Raw goat milk cheese	+	O103	38.5	0.0	0.0	31.9	30.9	+	38.3	32.4	0.0	0.0	0.0	30.1	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	2	b
5426	Raw ewe milk cheese	+	O103	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	26.8	0.0	0.0	34.8	0.0	29.8	-	-	-	-	-	-	/	ND	2	b
5427	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	32.9	-	0.0	32.9	0.0	0.0	0.0	31.1	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
5854	Raw goat milk cheese	+	O157	22.5	24.2	0.0	22.7	30.3	+	23.6	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	2	b
5855	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
5856	Raw cow milk cheese	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	-	-	-	-	-	-	/	ND	2	b
5857	Raw cow milk cheese	+	O157	18.9	20.0	0.0	18.8	31.0	+	20.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	2	b
5858	Raw ewe milk cheese	-	/	21.3	0.0	0.0	20.5	30.9	+	0.0	0.0	22.0	0.0	0.0	30.9	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PD	2	b
5859	Raw ewe milk cheese	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	-	-	-	-	-	/	ND	2	b
5860	Raw ewe milk cheese	-	/	20.9	23.3	0.0	20.1	30.6	+	23.2	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PD	2	b
5861	Raw ewe milk cheese	+	O111	24.8	0.0	0.0	24.9	30.4	+	0.0	0.0	25.6	0.0	0.0	29.9	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	2	b
5862	Raw ewe milk cheese	-	/	21.8	0.0	0.0	23.3	30.6	+	0.0	0.0	0.0	24.8	0.0	30.1	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PD	2	b
6006	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	34.7	-	0.0	39.2	0.0	0.0	0.0	33.4	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b

VEGETABLES																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																				Category	Type
				PCR												Final result PCR	Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID		Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID		
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.						GeneDisc® Plate EHEC 5ID											Global result	Serogroup			
				eae	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC										
1733	Sprouts (Radish)	+	O111	30	0	0.0	28,9	30,7	+	0.0	0.0	30,9	0.0	0.0	30,8	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PA	3	a
1734	Sprouts (Radish)	-	/	36,5/0,0/36,3	0,0/0,0/0,0	0,0/0,0/0,0	0,0/0,0/0,0	30,5/30,4/32,1	-/-	0.0	0.0	35,6	0.0	0.0	31,3	-	-	-	STEC O111	STEC O111	-	/	NA	3	a
1735	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	33,8	0	0.0	35,1	30,2	+	31,3	0.0	34,5	37,8	0.0	30,7	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	3	a
1736	Sprouts (Leeks)	-	/	0	0	0.0	0	30,3	-	29,9	0.0	0.0	36,8	0.0	30,9	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
1940	Sprouts (Roquette, alfalfa)	-	/	40,9	0	0.0	0	30,9	-	31,4	0.0	0.0	0.0	38,4	31,1	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
1941	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0	0	0.0	0	30,2	-	28,8	42,1	0.0	0.0	0.0	32,2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
1942	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	34,9/35,3/36,2	0,0/0,0/0,0	0,0/0,0/0,0	0,0/35,7/0,0	30,8/31,0/29,8	-/+	29	0.0	0.0	0.0	36,6	30,8	-	-	-	STEC O26	STEC O26	-	/	NA	3	a
1943	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0	0	0.0	0	30,6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,8	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2126	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0.0	0.0	0.0	36.1	30.2	-	38.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2127	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	37.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2128	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	30.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2129	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	37.8	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2490	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	0.0	0.0	0.0	39.6	0.0	31.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2491	Sprouts (Alfalfa)	-	/	33.7	35.2	0.0	0.0	29.9	-	36.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2492	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2493	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	31.8	33.4	0.0	0.0	30.1	-	32.9	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
2494	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0.0	0.0	0.0	36.6	30.6	-	0.0	0.0	0.0	36.3	0.0	30.7	-	-	-	STEC O145	STEC O145	-	/	NA	3	a
2495	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	+	O145	31.6	0.0	0.0	30.7	30.1	+	0.0	0.0	0.0	31.8	0.0	29.2	STEC O145	-	-	STEC O145	STEC O145	+	O145	PA	3	a
2496	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	36.4	0.0	0.0	37.8	30.5	+	30.8	0.0	0.0	37.2	0.0	31.3	STEC O145	-	-	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	3	a
3725	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	0.0	38.8	0.0	0.0	0.0	30.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3726	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	0.0	38.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3727	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	38.1	0.0	37.0	0.0	0.0	31.0	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3728	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	36.3	0.0	37.3	0.0	30.9	+	0.0	39.4	0.0	0.0	0.0	31.0	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3729	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	36.7	0.0	0.0	0.0	31.7	-	36.8	0.0	30.5	0.0	38.1	30.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3730	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	35.3	0.0	29.9	0.0	37.0	30.4	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3731	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3732	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	37.5	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a
3733	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	36.8	0.0	0.0	0.0	31.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	3	a

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

VEGETABLES																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																		Category	Type		
				PCR												Final result PCR	Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID			Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID	
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.						GeneDisc® Plate EHEC 5ID											Global result				Serogroup
				eae	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC										
3734	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	/	0.0	37.6	0.0	0.0	31.2	-	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-			-	-	/	NA	3	a	
3735	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	36.8	0.0	0.0	0.0	30.7	-	42.3	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-			-	-	/	NA	3	a	
3736	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	-			-	-	/	NA	3	a	
4713	Sprouts	-	/	34.1	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	-	STEC O26		STEC O26	-	/	NA	3	a	
4714	Sprouts	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	30.0	0.0	30.3	-	-	-		STEC O26 (AP ISO)	-	/	NA	3	a	
4715	Sprouts	+	O26	34.7	0.0	0.0	34.6	31.0	+	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	STEC O26	-	-	STEC O26	STEC O26	+	O26	PA	3	a	
4716	Sprouts	+	O26	33.2	0.0	0.0	33.2	31.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	STEC O26	-	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	3	a	
4717	Sprouts	-	/	33.7	0.0	0.0	33.6	31.4	+	0.0	35.7	0.0	0.0	29.9	STEC O103	-	-		-	-	/	PPNA	3	a	
4718	Sprouts	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	38.6	0.0	0.0	29.6	-	-	-		-	-	/	NA	3	a	
4719	Sprouts	-	/	35.2	0.0	0.0	34.2	30.7	+	0.0	36.5	0.0	0.0	29.9	STEC O103	-	-		-	-	/	PPNA	3	a	
5664	Sprouts (Alfalfa)	-	/	36.9	36.5	0.0	35.0	30.0	+	37.9	0.0	0.0	0.0	29.6	STEC O157	-	-		-	-	/	PPNA	3	a	
5665	Sprouts (Alfalfa)	-	/	36.4	37.4	0.0	0.0	29.8	-	38.1	0.0	0.0	0.0	29.7	-	-	-		-	-	/	NA	3	a	
5666	Sprouts (Radish)	-	/	35.2	36.0	0.0	34.8	30.1	+	35.5	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157	-	-		STEC O157 (AP ISO)	+	O157	PD	3	a	
5667	Sprouts (Lentils)	+	O157	35.8	37.4	0.0	35.5	30.5	+	37.7	0.0	33.7	0.0	29.5	STEC O157 STEC O111	-	-		STEC O157 (AP ISO)	+	O157	PA	3	a	
5668	Sprouts (Mung beans, leek)	-	/	36.7	38.6	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	32.4	0.0	30.1	-	-	-		-	-	/	NA	3	a	
1740	Baby leaves	+	O111	19,4	0	0.0	19,6	30,2	+	0.0	0.0	20,4	0.0	30,7	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	b	
1741	Baby leaves	+	O111	20,2	0	0.0	19,6	30,6	+	0.0	0.0	21,2	0.0	31	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	b	
1742	Baby leaves	+	O111	22,9	0	0.0	23,2	29,8	+	0.0	0.0	24	0.0	30,7	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	b	
1743	Baby leaves	-	/	0	0	0.0	0	29,7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	31	-	-	-		-	-	/	NA	3	b	
1944	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	-	/	0	0	0.0	0	30,3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30,8	-	-	-		-	-	/	NA	3	b	
1945	Baby leaves (Mesclun, roquette, chervil, red and green lettuce)	-	/	0	0	0.0	0	31	-	0.0	0.0	0.0	0.0	31,3	-	-	-		-	-	/	NA	3	b	
1946	Baby leaves (Spinach)	+	O26	18,8	0	0.0	18,8	31,2	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19,8	31,4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	3	b
1947	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	+	O26 O123	25,2	0	0.0	25,3	30,8	+	0.0	23,4	0.0	0.0	19,1	30,6	STEC O26/O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	3	b
2130	Baby leaves (Mâche, spinach, red and green lettuce)	+	O145	19,7	0.0	0.0	21,9	30,4	+	0.0	0.0	0.0	20,7	0.0	30,7	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	3	b
2131	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	+	O157	22,8	24,2	0.0	24,3	30,2	STEC O157	23,9	0.0	0.0	0.0	30,5	30,5	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	3	b
2132	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	+	O145	23,7	0.0	0.0	23,7	31,2	+	0.0	0.0	0.0	25,1	0.0	30,7	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	3	b
2497	Baby leaves	+	O26	24,8	27,5	0.0	25,8	30,3	STEC O157	27,8	0.0	0.0	0.0	27,0	30,9	STEC O157 +O26	STEC O157	STEC O26		STEC O26 STEC O157	+	O26 O157	PA	3	b
2498	Baby leaves	+	O111	23,0	0.0	0.0	22,6	29,5	+	0.0	0.0	23,3	0.0	31,0	31,0	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	b
2499	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30,8	-	-	-		-	-	/	NA	3	b	
3737	Baby leaves	-	/	18,2	19,6	0.0	0.0	31,0	-	20,8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	-	-		-	-	/	NA	3	b	
3738	Baby leaves	+	O157	26,5	27,9	0.0	29,4	30,0	+	0.0	0.0	0.0	0.0	32,1	32,1	-	-		-	-	/	ND	3	b	
6009	Baby leaves	-	/	32,9	0.0	0.0	0.0	30,5	-	28,4	36,0	0.0	28,0	29,9	29,9	-	-		-	-	/	NA	3	b	
6010	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,7	-	27,3	0.0	0.0	0.0	30,2	30,2	-	-		-	-	/	NA	3	b	
6011	Baby leaves	-	/	27,9	0.0	0.0	0.0	30,6	-	29,3	35,1	0.0	36,6	33,8	30,1	30,1	-	-		-	-	/	NA	3	b
6012	Baby leaves	-	/	31,7	37,3	0.0	0.0	30,8	-	28,7	33,8	30,3	34,7	33,7	30,0	30,0	-	-		-	-	/	NA	3	b
1737	Pineapple	+	O111	16,7	0	0.0	15,8	29,5	+	0.0	0.0	17,2	0.0	30,9	30,9	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	c
1738	Grated carrots	-	/	0	0	0.0	0	29,8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	29,8	29,8	-	-	-		-	-	/	NA	3	c

VEGETABLES																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136♦		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category	Type	
				PCR												Final result PCR	Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC & Salmonella spp. +GeneDisc® EHEC 5ID				Agreement GeneDisc® STEC & Salmonella spp. 8h +GeneDisc® EHEC 5ID
				GeneDisc® Plate STEC & Salmonella spp.						GeneDisc® Plate EHEC 5ID											Global result	Serogroup			
				eae	O157	Salmonella	stx1 stx 2	IC	Final result	H7	O103	O111	O145	O26	IC										
1739	Grated red cabbage	+	O111	17,2	0	0.0	16,7	30,1	+	0.0	0.0	18,3	0.0	0.0	30,9	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	c
1948	Apple	+	O26	16,9	0	0.0	16,8	30,6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	18	30,7	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	3	c
1949	Eggplant	+	O103	17,3	0	0.0	17,6	30,2	+	0.0	19,1	0.0	0.0	0.0	30,3	STEC 103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	3	c
1950	Celery	+	O26	20,1	0	0.0	21,2	29,4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	21,8	31,1	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	3	c
2133	Mango	+	O145	18,3	0.0	0.0	20,2	30,8	+	0.0	0.0	0.0	21,0	0.0	30,8	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	3	c
2134	Pear	+	O157	17,4	18,3	0.0	16,7	30,9	STEC O157	17,7	0.0	0.0	0.0	0.0	31,3	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	3	c
2135	Grated carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,8	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
2136	Vegetable mix (White cabbage, carrots, salad, red pepper)	+	O157	22,1	23,5	0.0	24,6	29,3	STEC O157	24,6	0.0	0.0	0.0	0.0	30,9	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	3	c
3328	Frozen mushrooms	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29,6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,7	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
3329	Frozen Green beans	+	O111	17,8	0.0	33,3	18,1	0.0	+	0.0	0.0	18,8	0.0	0.0	30,5	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	c
3330	Frozen vegetable mix	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29,9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31,0	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
3331	Frozen vegetable mix	+	O111	19,9	0.0	0.0	20,6	28,7	+	0.0	0.0	21,8	0.0	0.0	30,8	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	c
6007	Frozen carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29,6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,8	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6008	Frozen sliced pepper	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,9	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6013	Carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,0	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6014	Vegetable mix (carrots, cabbage, salad)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,0	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6015	Mushrooms	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30,2	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6016	Zucchini	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	29,2	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,8	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6230	Radish	+	O103	22,6	0.0	0.0	22,8	29,9	+	0.0	25,0	0.0	0.0	0.0	30,3	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	3	c
6231	Vegetable mix	+	O103	35,2	0.0	0.0	0.0	29,8	-	0.0	36,6	0.0	0.0	0.0	29,2	-	-	-	STEC O103	STEC O103	-	/	ND	3	c
6232	Carrots	+	O103	22,3	0.0	0.0	22,8	30,2	+	0.0	24,4	0.0	0.0	0.0	30,2	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	3	c
6233	Roots and carrots	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	30,5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29,1	-	-	-		-	-	/	NA	3	c

RAW DAIRY PRODUCTS																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																			Category		
				PCR result													Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC TOP7			Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h	
		GeneDisc® Plate STEC TOP7													Global result	Serogroup									
		Global result	Serogroup	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145-O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45-O103-O121)			IC	Final result							
4136	Raw cow milk	+	O103	32.0	0.0	0.0	0.0	28.6	0.0	27.1	0.0	0.0	28.7	31.5	31.4	STEC O26	STEC O26 STEC O103	STEC O26 STEC O103		STEC O26 STEC O103	+	O26	PA	2	a
4177	Raw cow milk	-	/	33.3	0.0	27.5	33.7	28.1	25.2	0.0	0.0	0.0	27.6	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
4828	Raw goat milk	-	/	26.3	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
4829	Raw goat milk	+	O157	26.6	0.0	30.7	31.8	0.0	26.9	30.3	0.0	30.5	30.6	0.0	31.6	-	-	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	/	ND	2	a
4830	Raw goat milk	-	/	28.3	0.0	0.0	0.0	0.0	32.3	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
4831	Raw goat milk	+	O157	29.8	0.0	32.5	36.2	0.0	28.6	28.0	0.0	35.7	0.0	0.0	31.4	STEC O145 STEC O157	-	-	STEC O157	STEC O157	+	O157	PA	2	a
4832	Raw goat milk	+	O157	28.9	0.0	0.0	34.7	0.0	27.6	32.6	0.0	32.4	0.0	0.0	31.5	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	2	a
4982	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
4983	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	27.1	34.9	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
5110	Raw goat milk	-	/	28.7	25.0	0.0	0.0	0.0	0.0	28.9	25.1	28.9	0.0	35.7	32.9	STEC O103 STEC O111	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PD	2	a
5111	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	27.6	0.0	0.0	0.0	0.0	27.8	0.0	31.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
5112	Raw goat milk	-	/	36.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
5573	Raw goat milk	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	18.0	0.0	17.6	0.0	0.0	18.2	0.0	31.0	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	2	a
5574	Raw goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	19.1	0.0	18.5	0.0	0.0	19.2	0.0	31.4	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a
5575	Raw goat milk	+	O103	17.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	15.4	0.0	0.0	17.8	0.0	31.6	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O26	PA	2	a
5576	Raw goat milk	+	O103	21.1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.7	0.0	0.0	21.2	0.0	31.2	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O26	PA	2	a
5577	Raw cow milk	+	O26	26.1	0.0	28.9	0.0	30.9	28.9	29.5	0.0	0.0	31.0	0.0	30.7	STEC O26	-	STEC O26	STEC O26	STEC O26	+	O26	PA	2	a
5578	Raw cow milk	+	O26 O103	0.0	0.0	0.0	0.0	27.4	0.0	26.6	29.2	0.0	27.9	0.0	31.1	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	2	a
5579	Raw cow milk	-	/	28.0	0.0	32.4	29.1	0.0	31.0	27.6	0.0	0.0	36.6	31.6	31.2	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PD	2	a
5580	Raw cow milk	-	/	29.5	0.0	31.5	32.3	0.0	0.0	31.7	0.0	0.0	35.6	30.7	30.7	STEC O103	-	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	2	a
5581	Raw ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	19.7	0.0	19.4	0.0	0.0	19.8	0.0	30.8	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a
5582	Raw ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	17.6	0.0	17.1	0.0	0.0	17.6	0.0	31.5	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PD	2	a
5583	Raw ewe milk	-	/	18.6	0.0	0.0	0.0	35.9	0.0	16.1	0.0	0.0	18.4	30.7	30.7	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PD	2	a
5852	Raw ewe milk	+	O111	0.0	17.2	0.0	0.0	0.0	0.0	16.3	18.5	0.0	0.0	0.0	30.9	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	2	a
5853	Raw ewe milk	+	O145	0.0	0.0	20.0	0.0	0.0	0.0	16.4	0.0	17.3	37.7	0.0	31.6	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	2	a
6093	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	37.3	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	36.0	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
6152	Raw cow milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
6234	Goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
6235	Goat milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.8	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
6236	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	38.9	32.1	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
6237	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
6238	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	35.4	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
6239	Ewe milk	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	a
4833	Raw goat milk cheese	-	/	34.5	0.0	0.0	0.0	0.0	34.9	29.6	0.0	0.0	34.9	30.8	30.8	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	2	b
4834	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4835	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	35.7	26.9	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4836	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4837	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.2	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4838	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.7	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4970	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	21.3	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4971	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4972	Raw ewe milk cheese	-	/	36.4	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	37.1	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b
4973	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	/	NA	2	b

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

RAW DAIRY PRODUCTS																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																		Category			
				PCR result												Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC TOP7			Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h		
		GeneDisc® Plate STEC TOP7												Global result	Serogroup										
		Global result	Serogroup	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145-O157)	eae beta (O26)							eae epsilon (O45-O103-O121)	IC			Final result	
4974	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	35.7	0.0	0.0	34.2	0.0	30.8	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
4975	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	35.1	0.0	30.7	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
4976	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
4977	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
4978	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	36.2	0.0	0.0	0.0	0.0	36.8	0.0	31.7	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
4979	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	41.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
4980	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5106	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	26.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5107	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	27.1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5108	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5109	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	28.8	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5417	Raw goat milk cheese	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-	-	-	-	-	-	ND	2	b	
5418	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5419	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	19.6	0.0	20.0	0.0	0.0	20.0	0.0	32.2	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PD	2	b
5420	Raw goat milk cheese	+	O103	31.5	0.0	35.2	0.0	32.1	0.0	28.7	31.0	0.0	33.0	0.0	31.3	STEC O26	-	-	-	-	-	PPND	2	b	
5421	Raw cow milk cheese	-	/	33.6	0.0	33.7	31.3	0.0	0.0	0.0	32.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5422	Raw cow milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	24.8	0.0	25.3	0.0	0.0	25.9	0.0	31.3	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PD	2	b
5423	Raw goat milk cheese	+	O103	38.2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	36.3	0.0	0.0	0.0	37.5	31.3	STEC O103	-	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PA	2	b
5424	Raw cow milk cheese	+	O103	25.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	23.7	0.0	0.0	0.0	24.9	32.0	STEC O103	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PA	2	b
5425	Raw goat milk cheese	+	O103	31.6	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	31.2	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-	-	-	STEC O103	STEC O103	-	-	ND	2	b
5426	Raw ewe milk cheese	+	O103	0.0	0.0	37.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	-	-	-	-	-	ND	2	b	
5427	Raw cow milk cheese	-	/	31.4	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	36.9	0.0	0.0	0.0	40.8	32.9	STEC O103	-	-	-	-	-	PPNA	2	b	
5854	Raw goat milk cheese	+	O157	0.0	0.0	0.0	23.7	0.0	0.0	23.1	30.5	22.5	0.0	0.0	31.4	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	2	b
5855	Raw goat milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	
5856	Raw cow milk cheese	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	-	-	-	-	-	ND	2	b	
5857	Raw cow milk cheese	+	O157	0.0	0.0	0.0	19.3	0.0	0.0	17.8	0.0	18.2	0.0	0.0	30.9	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	2	b
5858	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	21.3	0.0	0.0	0.0	0.0	20.4	23.2	0.0	0.0	0.0	31.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PD	2	b
5859	Raw ewe milk cheese	+	O145	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	-	-	-	-	-	ND	2	b	
5860	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	0.0	23.5	0.0	0.0	19.9	0.0	20.4	0.0	0.0	31.8	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PD	2	b
5861	Raw ewe milk cheese	+	O111	0.0	25.0	0.0	0.0	0.0	0.0	24.3	26.3	0.0	30.6	0.0	31.7	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	2	b
5862	Raw ewe milk cheese	-	/	0.0	0.0	26.9	0.0	0.0	0.0	23.2	24.6	23.5	0.0	0.0	31.0	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PD	2	b
6006	Raw cow milk cheese	-	/	37.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	-	NA	2	b	

VEGETABLES																												
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																							Category	Type
				PCR result													Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC TOP7		Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h					
		GeneDisc® Plate STEC TOP7													Global result	Serogroup												
		Global result	Serogroup	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)							IC	Final result						
1733	Sprouts (Radish)	+	O111	0	30,4	0	0	0	0	28,8	31	0	0	0	31,4	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PA	3	a			
1734	Sprouts (Radish)	-	/	0	35,6	0	0	0	0	34,7	36,6	0	0	0	31,5	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	3	a			
1735	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0	37,9	39,5	0	0	35,4	33,9	36,2	0	0	0	30,7	STEC O111	-	-	STEC O111	STEC O111	+	O111	PD	3	a			
1736	Sprouts (Leeks)	-	/	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	30,7	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
1940	Sprouts (Roquette, alfalfa)	-	/	0	0	0	0	36,6	37,6	35,8	0	0	0	0	30,9	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
1941	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	37,5	0	0	0	0	31,9	0	0	0	0	0	30,5	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
1942	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0	0	0	0	35,5	0	36,3	0	0	36,3	0	30,8	STEC O26	-	-	STEC O26	STEC O26	+	O26	PD	3	a			
1943	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31,1	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2126	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2127	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2128	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0,0	0,0	38,5	0,0	0,0	35,0	0,0	0,0	0,0	37,3	0,0	31,7	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2129	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0,0	0,0	0,0	37,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2490	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2491	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	35,1	0,0	0,0	0,0	0,0	34,9	0,0	0,0	31,5	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2492	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,8	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2493	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0,0	0,0	0,0	32,5	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	0,0	0,0	31,0	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
2494	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	0,0	36,9	0,0	0,0	35,9	34,9	0,0	36,7	0,0	0,0	30,8	STEC O145	-	-	STEC O145	STEC O145	+	O145	PD	3	a			
2495	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	+	O145	0,0	0,0	33,1	0,0	0,0	35,2	29,8	0,0	30,9	0,0	0,0	30,7	STEC O145	-	-	STEC O145	STEC O145	+	O145	PA	3	a			
2496	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0,0/0,0	0,0/0,0	0,0/0,0	0,0/0,0	0,0/0,0	34,7/35,3/34,5	36,6/36,7/0,0	0,0/0,0	0,0/35,9/0,0	0,0/0,0	0,0/0,0	31,2/30,8/31,2	-	-	-	STEC O145	STEC O145	-	/	NA	3	a			
3725	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	/	37,7	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	0,0	0,0	0,0	38,2	0,0	31,5	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3726	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,4	0,0	0,0	37,3	0,0	31,8	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3727	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	34,4	0,0	0,0	0,0	39,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3728	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	37,0	35,7	0,0	0,0	37,5	0,0	32,0	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3729	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0,0	30,6	0,0	0,0	0,0	36,1	37,8	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3730	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	28,8	0,0	0,0	0,0	34,7	35,8	0,0	0,0	37,2	0,0	32,3	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3731	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3732	Sprouts (Alfalfa, lentils, leeks)	-	/	0,0	36,6	0,0	0,0	0,0	35,8	34,3	0,0	36,1	0,0	0,0	31,8	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3733	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	36,1	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				
3734	Sprouts (Green peas, lentils, soy)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	-	-	/	NA	3	a				

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation
 ADRIA Développement
 Summary report (Version 0)
 GeneDisc STEC

VEGETABLES																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																	Category	Type			
				PCR result													Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests			Final result GeneDisc® STEC TOP7		Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h
		GeneDisc® Plate STEC TOP7													Global result	Serogroup									
		Global result	Serogroup	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)	eae epsilon (O45 - O103 - O121)									IC	Final result	
3735	Sprouts (Alfalfa, radish, fennel)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	36.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
3736	Sprouts (Alfalfa, roquette)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
4713	Sprouts	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	34.6	29.0	32.4	0.0	0.0	35.8	0.0	30.8	STEC O26	-	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PD	3	a
4714	Sprouts	-	/	0.0	29.2	0.0	0.0	37.5	35.7	35.1	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	-	-	-	-	STEC O26 (AP ISO)	-	/	NA	3	a
4715	Sprouts	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	34.7	0.0	34.6	0.0	0.0	34.4	0.0	31.6	STEC O26	-	-	STEC O26	STEC O26	+	O26	PA	3	a
4716	Sprouts	+	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	32.3	0.0	31.6	0.0	0.0	33.2	0.0	31.7	STEC O26	-	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PA	3	a
4717	Sprouts	-	/	33.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.7	0.0	0.0	33.3	30.8	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	3	a	
4718	Sprouts	-	/	36.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	34.5	0.0	0.0	36.1	31.3	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	3	a	
4719	Sprouts	-	/	35.0	0.0	0.0	0.0	0.0	28.1	33.2	0.0	0.0	34.3	31.4	STEC O103	-	-	-	-	-	/	PPNA	3	a	
5664	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0.0	0.0	0.0	36.5	0.0	38.7	0.0	0.0	35.8	0.0	0.0	31.2	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
5665	Sprouts (Alfalfa)	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	39.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
5666	Sprouts (Radish)	-	/	0.0	0.0	0.0	35.6	0.0	0.0	34.1	0.0	35.2	0.0	0.0	31.6	STEC O157	-	-	-	STEC O157 (AP ISO)	+	O157	PD	3	a
5667	Sprouts (Lentils)	+	O157	0.0	32.6	0.0	0.0	0.0	0.0	36.0	0.0	36.7	0.0	0.0	30.7	-	-	-	-	STEC O157 (AP ISO)	-	/	ND	3	a
5668	Sprouts (Mung beans, leek)	-	/	0.0	31.6	0.0	0.0	0.0	38.9	36.4	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	-	-	-	-	/	NA	3	a	
1740	Baby leaves	+	O111	0	19,7	0	0	0	0	19,3	20,5	0	0	0	30,8	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	b
1741	Baby leaves	+	O111	0	20,5	0	0	0	0	19,9	21,1	0	0	0	30,5	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	b
1742	Baby leaves	+	O111	0	23,2	0	0	0	0	22,9	25,1	0	0	0	31,1	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	b
1743	Baby leaves	-	/	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30,9	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
1944	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	-	/	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31,1	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
1945	Baby leaves (Mesclun, roquette, chervil, red and green lettuce)	-	/	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30,9	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
1946	Baby leaves (Spinach)	+	O26	0	0	0	0	18,7	0	18,2	0	0	19,1	0	30,6	STEC O26	STEC O26	STEC O26	-	STEC O26	+	O26	PA	3	b
1947	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	+	O26 O123	23,7	0	0	0	17,6	0	24,7	0	0	0	25,6	31	STEC O103	STEC O103	STEC O103	-	STEC O103	+	O103	PA	3	b
2130	Baby leaves (Mâche, spinach, red and green lettuce)	+	O145	0.0	0.0	20.9	0.0	0.0	0.0	19.0	0.0	19.1	0.0	0.0	31.3	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PA	3	b
2131	Baby leaves (Redchard, roquette, spinach)	+	O157	0.0	0.0	0.0	23.0	0.0	0.0	22.4	0.0	21.8	0.0	0.0	31.0	STEC O157	STEC O157	STEC O157	-	STEC O157	+	O157	PA	3	b
2132	Baby leaves (Mâche, roquette, spinach)	+	O145	0.0	0.0	25.6	0.0	0.0	0.0	23.5	0.0	23.7	0.0	0.0	31.2	STEC O145	STEC O145	STEC O145	-	STEC O145	+	O145	PA	3	b
2497	Baby leaves	+	O26	0.0	0.0	0.0	27.5	25.7	0.0	25.8	0.0	26.4	26.1	0.0	30.5	STEC O26-O157	STEC O157	STEC O26	-	STEC O26 STEC O157	+	O26 O157	PA	3	b
2498	Baby leaves	+	O111	0.0	22.8	0.0	0.0	0.0	0.0	22.0	23.7	0.0	0.0	0.0	30.6	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	b
2499	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
3737	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	19.6	0.0	0.0	0.0	0.0	20.6	0.0	0.0	32.7	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
3738	Baby leaves	+	O157	0.0	0.0	0.0	28.5	0.0	0.0	30.0	0.0	26.9	0.0	0.0	31.7	-	-	-	-	-	/	ND	3	b	
6009	Baby leaves	-	/	34.0	0.0	28.2	0.0	0.0	31.0	0.0	32.2	0.0	0.0	0.0	30.9	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
6010	Baby leaves	-	/	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.2	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
6011	Baby leaves	-	/	34.0	0.0	36.7	0.0	33.9	31.5	0.0	0.0	0.0	38.6	33.2	30.9	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
6012	Baby leaves	-	/	32.4	30.8	35.6	0.0	32.9	31.0	0.0	0.0	0.0	32.2	0.0	31.2	-	-	-	-	-	/	NA	3	b	
1737	Pineapple	+	O111	0	16,6	0	0	0	0	16	17,8	0	0	0	31,4	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	c
1738	Grated carrots	-	/	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31,1	-	-	-	-	-	/	NA	3	c	
1739	Grated red cabbage	+	O111	0	17,6	0	0	0	0	16,8	18,5	0	0	0	31,1	STEC O111	STEC O111	STEC O111	-	STEC O111	+	O111	PA	3	c

VEGETABLES																									
Sample N°	Product	Reference method : ISO/TS 13136*		Alternative methods: GeneDisc® Plate STEC method																		Category	Type		
				PCR result												Final result direct streaking	Final result IMS	Final result Alternative protocol	Final result all confirmatory tests	Final result GeneDisc® STEC TOP7				Agreement GeneDisc® STEC TOP7 8h	
		GeneDisc® Plate STEC TOP7												Global result	Serogroup										
		Global result	Serogroup	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx 1-2	eae theta (O111)	eae gamma (O145 - O157)	eae beta (O26)							eae epsilon (O45 - O103 - O121)	IC				Final result
1948	Apple	+	O26	0	0	0	0	16,9	0	16,6	0	0	16,9	0	30,3	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	3	c
1949	Eggplant	+	O103	17,3	0	0	0	0	0	16,3	0	0	0	16,8	31	STEC O103	STEC O103	STEC O103		STEC O103	+	O103	PA	3	c
1950	Celery	+	O26	0	0	0	0	20,7	0	20,1	0	0	20,7	0	30,6	STEC O26	STEC O26	STEC O26		STEC O26	+	O26	PA	3	c
2133	Mango	+	O145	0,0	0,0	21,0	0,0	0,0	0,0	19,5	0,0	18,6	0,0	0,0	30,6	STEC O145	STEC O145	STEC O145		STEC O145	+	O145	PA	3	c
2134	Pear	+	O157	0,0	0,0	0,0	17,5	0,0	0,0	16,4	0,0	16,3	0,0	0,0	31,3	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	3	c
2135	Grated carrots	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,7	0,0	0,0	30,7	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
2136	Vegetable mix (White cabbage, carrots, salad, red pepper)	+	O157	0,0	0,0	0,0	24,3	0,0	0,0	23,1	0,0	23,1	0,0	0,0	31,4	STEC O157	STEC O157	STEC O157		STEC O157	+	O157	PA	3	c
3328	Frozen mushrooms	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
3329	Frozen Green beans	+	O111	0,0	18,2	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	18,9	0,0	0,0	0,0	31,9	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	c
3330	Frozen vegetable mix	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
3331	Frozen vegetable mix	+	O111	0,0	20,8	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	21,1	0,0	0,0	0,0	32,3	STEC O111	STEC O111	STEC O111		STEC O111	+	O111	PA	3	c
6007	Frozen carrots	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6008	Frozen sliced pepper	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6013	Carrots	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,4	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6014	Vegetable mix (carots, cabbage, salad)	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6015	Mushrooms	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6016	Zucchini	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-		-	-	/	NA	3	c
6230	Radish	+	O103	23,5	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	21,7	0,0	0,0	0,0	22,9	33,3	STEC O45 STEC O103 STEC O121	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	3	c
6231	Vegetable mix	+	O103	35,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,8	0,0	0,0	0,0	35,3	32,0	STEC O103	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	3	c
6232	Carrots	+	O103	22,6	0,0	0,0	0,0	0,0	26,1	21,5	0,0	0,0	0,0	22,3	32,2	STEC O45 STEC O103 STEC O121	-	-	STEC O103	STEC O103	+	O103	PA	3	c
6233	Roots and carrots	-	/	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-		-	-	/	NA	3	c

Appendix 6 – Inclusivity and exclusivity study: raw data

INCLUSIVITY																																																						
N°	Reference	Strain	Serotype	Origin	Inoculation level	GeneDisc® Plate																				Confirmation																												
						STEC					STEC & Salmonella					EHEC 5iD					STEC TOP7					CHROMagar STEC						CT-SMAC	CT-RMAC																					
						eee	O157	stx1	stx2	IC	Result	eee	O157	Salmonella	stx1:stx2	IC	Result	H7	O103	O111	O145	O26	IC	Result	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1:stx2			Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	Result	Reading	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1:stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	Result	Reading
1	CIP 104673	E.coli	O26:H11	/	19	22.6	0.0	23.1	0.0	31.8	+	22.1	0.0	0.0	23.0	31.2	+	0.0	0.0	0.0	0.0	24.7	31.4	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	23.1	0.0	22.9	0.0	0.0	22.6	0.0	31.8	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	18.3	0.0	17.4	0.0	0.0	18.0	0.0	32.1	STEC O26		+	
2	Ad1741	E.coli	O26	Raw milk cheese	19	21.1	0.0	22.2	0.0	31.2	+	21.2	0.0	0.0	22.6	30.7	+	0.0	0.0	0.0	0.0	24.1	31.6	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	22.7	0.0	22.0	0.0	0.0	22.4	0.0	31.8	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	15.4	0.0	14.7	0.0	0.0	15.6	0.0	32.6	STEC O26		+	
3	Ad2298	E.coli	O26	Dairy product	21	21.7	0.0	22.6	0.0	30.7	+	21.9	0.0	0.0	23.3	30.8	+	0.0	0.0	0.0	0.0	24.2	31.7	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	23.3	0.0	22.3	0.0	0.0	22.9	0.0	31.9	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	16.8	0.0	16.1	0.0	0.0	16.4	0.0	31.7	STEC O26		+	
4	Ad2303	E.coli	O26	Raw milk cheese	28	22.1	0.0	23.4	0.0	31.3	+	23.0	0.0	0.0	23.7	30.6	+	0.0	0.0	0.0	0.0	25.5	30.9	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	24.3	0.0	23.4	0.0	0.0	23.1	0.0	31.5	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	16.0	0.0	15.6	0.0	0.0	15.5	0.0	32.2	STEC O26		+	
5	Ad2671	E.coli	O26	Dairy product	10	19.7	0.0	0.0	21.4	31.4	+	19.3	0.0	0.0	23.0	30.7	+	0.0	0.0	0.0	0.0	22.3	32.4	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	20.8	0.0	19.8	0.0	0.0	20.5	0.0	31.7	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	17.0	0.0	16.1	0.0	0.0	16.3	0.0	32.8	STEC O26		+	
6	Ad2675	E.coli	O26	Raw milk cheese	23	18.9	0.0	0.0	21.4	30.5	+	20.6	0.0	0.0	20.5	30.4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	17.6	29.5	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	16.5	0.0	16.6	0.0	0.0	17.0	0.0	31.8	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	15.6	0.0	15.2	0.0	0.0	15.8	0.0	31.7	STEC O26		+	
7	Ad2678	E.coli	O26	Dairy product	25	20.6	0.0	21.9	0.0	31.6	+	20.7	0.0	0.0	21.5	31.3	+	0.0	0.0	0.0	0.0	23.5	31.5	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	21.9	0.0	21.0	0.0	0.0	21.5	0.0	32.1	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	15.7	0.0	15.4	0.0	0.0	15.7	0.0	32.7	STEC O26		+	
8	1377-138 LOT 3	E.coli	O26:H11	Meat	20	18.9	0.0	0.0	20.6	30.5	+	19.7	0.0	0.0	19.9	30.7	+	0.0	0.0	0.0	0.0	21.1	30.7	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	19.9	0.0	19.3	0.0	0.0	19.8	0.0	30.7	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	16.0	0.0	15.7	0.0	0.0	16.6	0.0	31.6	STEC O26		+	
9	12-62	E.coli	O26:H11	Meat	23	20.6	0.0	22.0	0.0	30.5	+	20.1	0.0	0.0	21.5	31.2	+	0.0	0.0	0.0	0.0	22.3	30.5	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	20.8	0.0	20.9	0.0	0.0	20.9	0.0	30.6	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	15.6	0.0	16.3	0.0	0.0	16.0	0.0	31.6	STEC O26		+	
10	14-53	E.coli	O26:H11	Meat	28	20.6	0.0	21.3	0.0	31.1	+	20.7	0.0	0.0	22.0	30.5	+	0.0	0.0	0.0	0.0	21.9	31.0	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	20.7	0.0	20.9	0.0	0.0	20.7	0.0	30.9	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	15.1	0.0	14.8	0.0	0.0	15.5	0.0	31.3	STEC O26		+	
11	1311-12	E.coli	O26:H11	Cream	38	18.9	0.0	0.0	20.7	31.3	+	19.7	0.0	0.0	19.3	30.4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	20.7	30.7	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	19.6	0.0	19.2	0.0	0.0	19.1	0.0	31.7	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	14.9	0.0	14.6	0.0	0.0	14.7	0.0	31.1	STEC O26		non typical (pink) (TOP7=STEC O26)	
12	375-122	E.coli	O26:H11	Cheese	33	21.7	0.0	22.0	23.3	30.9	+	21.2	0.0	0.0	20.7	30.4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	23.6	30.9	STEC O26	0.0	0.0	0.0	0.0	22.6	0.0	20.9	0.0	0.0	22.1	0.0	31.4	STEC O26	+	0.0	0.0	0.0	0.0	15.1	0.0	14.2	0.0	0.0	14.9	0.0	31.3	STEC O26		+	
13	Ad982	E.coli	O103	Animal malade	40	20.9	0.0	21.6	0.0	31.0	+	20.9	0.0	0.0	21.8	31.1	+	0.0	0.0	24.7	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O103	23.3	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	21.3	0.0	0.0	0.0	22.6	32.2	STEC O103	+	15.9	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	14.6	0.0	0.0	0.0	15.1	32.6	STEC O103		
14	Ad1772	E.coli	O103	/	40	20.7	0.0	21.2	0.0	30.8	+	19.8	0.0	0.0	20.5	30.8	+	0.0	0.0	22.7	0.0	0.0	0.0	31.8	STEC O103	20.9	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	19.5	0.0	0.0	0.0	20.8	31.6	STEC O103	No growth (test done from TBX)	17.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	16.3	0.0	0.0	0.0	16.9	32.1	STEC O103		
15	Ad1773	E.coli	O103:H2	Cheese	29	21.5	0.0	21.5	0.0	31.0	+	21.1	0.0	0.0	21.7	30.7	+	0.0	0.0	24.6	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O103	22.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	21.1	0.0	0.0	0.0	22.5	31.7	STEC O103	+	16.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	14.6	0.0	0.0	0.0	15.1	32.8	STEC O103		
16	1144	E.coli	O103:H2	Dairy product	34	20.2	0.0	19.0	0.0	30.7	+	20.0	0.0	0.0	18.5	30.1	+	0.0	0.0	21.7	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O103	20.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.7	0.0	0.0	0.0	20.9	30.6	STEC O103	+	15.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	14.7	0.0	0.0	0.0	15.7	31.6	STEC O103		
17	821-76	E.coli	O103:H2	Dairy product	32	20.8	0.0	21.6	22.7	31.1	+	20.9	0.0	0.0	20.4	30.3	+	0.0	0.0	23.8	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O103	22.2	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	20.1	0.0	0.0	0.0	22.0	31.0	STEC O103	+	16.1	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	14.0	0.0	0.0	0.0	15.1	31.5	STEC O103		
18	56-12	E.coli	O103:H2	Meat	23	20.2	0.0	21.1	0.0	31.6	+	19.8	0.0	0.0	20.4	30.5	+	0.0	0.0	23.3	0.0	0.0	0.0	30.1	STEC O103	21.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	20.2	0.0	0.0	0.0	20.8	30.7	STEC O103	No growth (test done from TBX-white colonies)	15.4	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	14.4	0.0	0.0	0.0	14.8	31.6	STEC O103		
19	262-03-18-1	E.coli	O103:H2	Meat	23	21.7	0.0	0.0	23.6	31.7	+	21.1	0.0	0.0	22.8	31.6	+	0.0	0.0	24.7	0.0	0.0	0.0	31.6	STEC O103	23.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	21.8	0.0	0.0	0.0	22.0	30.9	STEC O103	No growth (test done from TBX-white colonies)	14.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	13.8	0.0	0.0	0.0	13.6	31.6	STEC O103		
20	V92-362	E.coli	O103:H2	Meat	23	20.1	0.0	17.6	0.0	31.7	+	20.1	0.0	0.0	17.8	30.7	+	0.0	0.0	23.7	0.0	0.0	0.0	31.0	STEC O103	21.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.5	0.0	0.0	0.0	21.0	30.7	STEC O103	+	14.8	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	12.7	0.0	0.0	0.0	14.2	31.4	STEC O103		
21	mars-35	E.coli	O103:H2	Meat	31	21.0	0.0	22.3	0.0	30.7	+	21.0	0.0	0.0	21.7	30.0	+	0.0	0.0	25.3	0.0	0.0	0.0	30.9	STEC O103	23.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	22.0	0.0	0.0	0.0	22.7	30.8	STEC O103	+	16.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	14.8	0.0	0.0	0.0	15.9	32.7	STEC O103		
22	72-11	E.coli	O103:H2	Meat	26	20.3	0.0	19.3	0.0	30.8	+	19.7	0.0	0.0	19.5	29.5	+	0.0	0.0	23.5	0.0	0.0	0.0	30.2	STEC O103	21.3	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	19.4	0.0	0.0	0.0	21.0	31.1	STEC O103	+	16.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	15.5	0.0	0.0	0.0	16.1	31.5	STEC O103		
23	DEC8b	E.coli	O111:H8	Clinic	20	18.2	0.0	18.0	19.8	30.4	+	18.0	0.0	0.0	17.6	30.2	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19.5	0.0	30.6	STEC O111	0.0	18.8	0.0	0.0	0.0	0.0	17.3	19.7	0.0	0.0	0.0	31.5	STEC O111	+	0.0	15.6	0.0	0.0	0.0	0.0	15.0	16.1	0.0	0.0	0.0	32.8	STEC O111		
24	Ad981	E.coli	O111	Animal	27	18.3	0.0	18.3	0.0	30.6	+	17.9	0.0	0.0	18.1	29.4	+	0.0	0.0	0.0	0.0	20.0	0.0	30.0	STEC O111	0.0	18.6	0.0	0.0	0.0	0.0	18.9	19.3	0.0	0.0	0.0	31.8	STEC O111	+	0.0	14.9	0.0	0.0	0.0	0.0	15.2	15.8	0.0	0.0	0.0	33.1	STEC O111		
25	1251-31	E.coli	O111:H8	Dairy product	30	18.6	0.0	18.6	18.7	31.4	+	18.9	0.0	0.0	17.3	30.1	+	0.0	0.0	0.0	0.0	18.7	0.0	30.4	STEC O111	0.0	18.7	0.0	0.0	0.0	0.0	17.9	19.9	0.0	0.0	0.0	31.2	STEC O111	+	0.0	14.9	0.0	0.0	0.0	0.0	14.5	15.8	0.0	0.0	0.0	32.0	STEC O111		
26	1391-40	E.coli	O111:H8	Dairy product	26	18.6	0.0	19.1	0.0	30.3	+	18.9	0.0	0.0	19.7	30.0	+	0.0	0.0	0.0	0.0	19.0	0.0	31.1	STEC O111	0.0	18.7	0.0	0.0	0.0	0.0	18.3	19.5	0.0	0.0	0.0	31.8	STEC O111	+	0.0														

INCLUSIVITY																																																						
N°	Reference	Strain	Serotype	Origin	Inoculation level	GeneDisc® Plate																				Confirmation																												
						STEC						STEC & Salmonella				EHEC sID				STEC TOP7						CHROMagar STEC							CT-SMAC																					
						eee	O157	six1	six2	IC	Result	eee	O157	Salmonella	six1:six2	IC	Result	H7	O103	O111	O145	O26	IC	Result	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	six1:six2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	Result	Reading	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	six1:six2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	Result	Reading	CT-RMAC	
27	577-54	E.coli	O111:H8	Dairy product	20	19.6	0.0	19.7	20.1	31.1	+	18.9	0.0	0.0	18.9	30.8	+	0.0	0.0	20.0	0.0	0.0	30.4	STEC O111	0.0	19.0	0.0	0.0	0.0	0.0	18.2	20.4	0.0	0.0	0.0	31.5	STEC O111	+	0.0	16.1	0.0	0.0	0.0	0.0	15.9	17.2	0.0	0.0	0.0	32.4	STEC O111			
28	593-95	E.coli	O111:H8	Dairy product	27	19.1	0.0	19.5	20.0	31.3	+	19.8	0.0	0.0	17.4	30.1	+	0.0	0.0	19.3	0.0	0.0	30.9	STEC O111	0.0	18.9	0.0	0.0	0.0	0.0	18.0	20.3	0.0	0.0	0.0	31.2	STEC O111	+	0.0	16.7	0.0	0.0	0.0	0.0	14.3	17.8	0.0	0.0	0.0	31.8	STEC O111			
29	622-4	E.coli	O111:H8	Dairy product	16	19.2	0.0	19.9	20.1	31.4	+	18.8	0.0	0.0	18.2	30.0	+	0.0	0.0	19.7	0.0	0.0	31.3	STEC O111	0.0	19.0	0.0	0.0	0.0	0.0	18.0	20.3	0.0	0.0	0.0	30.6	STEC O111	+	0.0	15.7	0.0	0.0	0.0	0.0	15.7	16.4	0.0	0.0	0.0	32.4	STEC O111			
30	Ad983	E.coli	O145	Animal	45	19.8	0.0	0.0	20.4	32.1	+	19.7	0.0	0.0	19.7	31.2	+	0.0	0.0	0.0	20.1	0.0	0.0	30.6	STEC O145	0.0	0.0	20.9	0.0	0.0	0.0	19.2	0.0	18.8	0.0	0.0	32.6	STEC O145	+	0.0	0.0	18.6	0.0	0.0	0.0	17.0	0.0	17.1	0.0	0.0	32.9	STEC O145		
31	Ad2310	E.coli	O145	Unknown	47	19.7	0.0	20.2	22.5	32.2	+	18.6	0.0	0.0	19.3	31.0	+	0.0	0.0	0.0	20.3	0.0	0.0	31.0	STEC O145	0.0	0.0	20.4	0.0	0.0	0.0	18.4	0.0	19.0	0.0	0.0	32.0	STEC O145	+	0.0	0.0	18.9	0.0	0.0	0.0	17.0	0.0	17.8	0.0	0.0	32.6	STEC O145		
32	2305-1	E.coli	O145:H28	Meat	20	17.9	0.0	0.0	18.8	31.9	+	18.0	0.0	0.0	17.9	30.2	+	0.0	0.0	0.0	19.8	0.0	0.0	30.5	STEC O145	0.0	0.0	20.8	0.0	0.0	0.0	17.0	0.0	17.6	0.0	0.0	31.2	STEC O145	+	0.0	0.0	17.8	0.0	0.0	0.0	14.9	0.0	14.9	0.0	0.0	32.0	STEC O145		
33	1331-100	E.coli	O145:H28	Meat	18	18.9	0.0	0.0	20.5	31.8	+	18.6	0.0	0.0	18.8	30.4	+	0.0	0.0	0.0	20.6	0.0	0.0	30.8	STEC O145	0.0	0.0	21.1	0.0	0.0	0.0	18.7	0.0	18.6	0.0	0.0	30.9	STEC O145	+small	0.0	0.0	19.4	0.0	0.0	0.0	15.6	0.0	16.0	0.0	0.0	31.6	STEC O145		
34	1502-105	E.coli	O145:H28	Meat	22	18.5	0.0	0.0	18.3	31.5	+	17.8	0.0	0.0	16.9	30.9	+	0.0	0.0	0.0	19.9	0.0	0.0	30.4	STEC O145	0.0	0.0	20.7	0.0	0.0	0.0	15.9	0.0	17.9	0.0	0.0	30.5	STEC O145	+	0.0	0.0	15.2	0.0	0.0	0.0	15.1	0.0	14.4	0.0	0.0	30.8	STEC O145		
35	1867-177	E.coli	O145:H28	Meat	29	17.6	0.0	0.0	16.3	32.0	+	17.6	0.0	0.0	15.5	30.6	+	0.0	0.0	0.0	19.0	0.0	0.0	30.7	STEC O145	0.0	0.0	19.9	0.0	0.0	0.0	15.2	0.0	17.6	0.0	0.0	31.1	STEC O145	+	0.0	0.0	18.7	0.0	0.0	0.0	16.1	0.0	16.1	0.0	0.0	31.5	STEC O145		
36	092-4	E.coli	O145:H28	Meat	33	18.6	35.0 (NC)	0.0	17.9	31.3	+	18.0	0.0	0.0	17.0	31.0	+	0.0	0.0	0.0	20.1	0.0	0.0	30.7	STEC O145	0.0	0.0	21.0	0.0	0.0	0.0	16.7	0.0	18.6	0.0	0.0	31.1	STEC O145	+	0.0	0.0	16.9	0.0	0.0	0.0	14.4	0.0	14.8	0.0	0.0	30.9	STEC O145		
37	769	E.coli	O157:H7	Ground beef	36	17.2	19.3	0.0	17.4	30.7	+	17.6	19.7	0.0	16.3	29.0	+	20.1	0.0	0.0	0.0	0.0	31.0	STEC O157	0.0	0.0	0.0	19.7	0.0	0.0	16.6	0.0	17.8	0.0	0.0	31.3	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	16.9	0.0	0.0	0.0	15.3	0.0	15.9	0.0	0.0	31.6	STEC O157	+	
38	803	E.coli	O157:H7	Meat	18	17.1	18.9	0.0	18.8	29.8	+	16.7	18.7	0.0	17.0	29.2	+	19.9	0.0	0.0	0.0	0.0	29.9	STEC O157	0.0	0.0	0.0	18.4	0.0	0.0	17.6	0.0	16.7	0.0	0.0	30.7	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	16.0	0.0	0.0	0.0	15.0	0.0	15.0	0.0	0.0	32.0	STEC O157	+	
39	1043	E.coli	O157:H7	VHS beef	25	21.5	23.6	22.8	23.2	32.4	+	21.6	23.9	0.0	20.7	30.0	+	24.1	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	STEC O157	0.0	0.0	0.0	23.7	0.0	0.0	20.7	0.0	21.0	0.0	0.0	32.2	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	18.5	0.0	0.0	0.0	16.8	0.0	17.3	0.0	0.0	32.7	STEC O157	+	
40	1211-1	E.coli	O157:H7	VHS beef	32	19.0	20.9	0.0	17.6	31.6	+	19.5	21.3	0.0	15.7	30.3	+	20.5	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	STEC O157	0.0	0.0	0.0	19.9	0.0	0.0	15.5	0.0	18.0	0.0	0.0	31.7	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	19.6	0.0	0.0	0.0	18.3	0.0	18.8	0.0	0.0	32.4	STEC O157	+	
41	52-33 N°34	E.coli	O157:H7	VHS	48	19.5	21.8	0.0	20.5	31.6	+	18.8	21.6	0.0	18.1	30.4	+	19.8	0.0	0.0	0.0	0.0	29.5	STEC O157	0.0	0.0	0.0	21.4	0.0	0.0	18.3	0.0	18.8	0.0	0.0	31.9	STEC O157	No growth	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	/	- (atypical colonies) small medium + PCR TOP7		
45	ET8	E.coli	O157:H7	Water treatment plant	41	20.4	21.2	0.0	20.1	31.8	+	18.7	20.6	0.0	18.5	30.8	+	20.7	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O157	0.0	0.0	0.0	20.0	0.0	0.0	17.1	0.0	18.3	0.0	0.0	32.0	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	18.3	0.0	0.0	0.0	16.9	0.0	16.9	0.0	0.0	32.6	STEC O157	+	
44	Ad489	E.coli	O157:H7	Frozen beef balls	34	19.0	21.1	0.0	18.8	32.3	+	19.0	21.0	0.0	18.1	30.8	+	20.6	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O157	0.0	0.0	0.0	20.2	0.0	0.0	16.6	0.0	18.3	0.0	0.0	32.3	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	17.8	0.0	0.0	0.0	16.2	0.0	16.8	0.0	0.0	32.3	STEC O157	+	
42	Ad683	E.coli	O157:H7	Ground beef	31	18.7	19.7	19.7	19.3	31.3	+	19.4	20.4	0.0	17.4	31.0	+	20.9	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	STEC O157	0.0	0.0	0.0	19.6	0.0	0.0	17.1	0.0	19.1	0.0	0.0	32.5	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	18.2	0.0	0.0	0.0	17.3	0.0	17.4	0.0	0.0	32.1	STEC O157	+	
43	Ad685	E.coli	O157:H7	Beef industry environment	45	18.6	20.2	0.0	22.7	31.9	+	19.6	20.9	0.0	22.3	31.6	+	21.6	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	STEC O157	0.0	0.0	0.0	20.0	0.0	0.0	20.7	0.0	18.6	0.0	0.0	31.9	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	18.9	0.0	0.0	0.0	17.9	0.0	18.1	0.0	0.0	31.8	STEC O157	+	
46	Ad924	E.coli	O157:H7	Ground beef	52	19.0	20.6	0.0	19.1	32.1	+	18.6	20.1	0.0	18.1	31.2	+	20.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	STEC O157	0.0	0.0	0.0	19.8	0.0	0.0	17.1	0.0	18.8	0.0	0.0	31.0	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	18.9	0.0	0.0	0.0	17.8	0.0	17.9	0.0	0.0	32.9	STEC O157	+	
47	Ad1071	E.coli	O157:H7	Ground beef	29	18.2	19.4	0.0	17.6	32.0	+	19.2	20.3	0.0	17.6	30.9	+	19.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O157	0.0	0.0	0.0	19.1	0.0	0.0	16.4	0.0	17.8	0.0	0.0	31.6	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	17.8	0.0	0.0	0.0	16.8	0.0	16.9	0.0	0.0	32.3	STEC O157	+	
48	Ad1174	E.coli	O157:H7	Frozen ground beef	36	17.3	18.5	0.0	18.1	30.6	+	17.6	18.7	0.0	17.6	29.6	+	19.7	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	STEC O157	0.0	0.0	0.0	19.0	0.0	0.0	16.3	0.0	18.1	0.0	0.0	31.9	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	18.2	0.0	0.0	0.0	17.4	0.0	17.7	0.0	0.0	32.3	STEC O157	+	
49	Ad1745	E.coli	O157:H7	Raw cheese	46	17.4	18.9	0.0	19.5	30.6	+	17.8	19.4	0.0	19.0	30.1	+	19.8	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	STEC O157	0.0	0.0	0.0	18.7	0.0	0.0	17.9	0.0	17.2	0.0	0.0	32.3	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	18.4	0.0	0.0	0.0	17.3	0.0	17.4	0.0	0.0	32.3	STEC O157	+	
50	Ad2222	E.coli	O157:H7	Ground beef	29	19.4	20.1	0.0	17.8	32.1	+	19.8	20.6	0.0	15.9	30.5	+	21.3	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	STEC O157	0.0	0.0	0.0	20.0	0.0	0.0	16.0	0.0	18.8	0.0	0.0	32.6	STEC O157	+	0.0	0.0	0.0	17.3	0.0	0.0	0.0	16.2	42.1	16.2	0.0	0.0	33.0	STEC O157	+	

LNR strains
ADRIA Strains

EXCLUSIVITY																																					
N°	Reference	Strain	Serotype	Origin	Inoculation level	GeneDisc® Plate																															
						STEC						STEC & Salmonella						EHEC 5ID						STEC TOP7													
						eee	O157	stx1	stx2	IC	Result	eee	O157	Salmonella	stx1:stx2	IC	Result	H7	O103	O111	O145	O26	IC	Result	O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1:stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	Result
1	AEEC 335	<i>Escherichia coli</i>	O26:H11	Dairy product	3,0.10 ⁵	17.2	0.0	0.0	0.0	31.9	-	16.6	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	18.6	30.1	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	17.3	0.0	0.0	0.0	0.0	17.2	0.0	32.7	O26
2	AEEC 561	<i>Escherichia coli</i>	O157:H26	Meat product	3,3.10 ⁵	16.7	17.8	0.0	0.0	32.1	-	17.5	18.3	0.0	0.0	30.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.7	-	0.0	0.0	0.0	17.6	0.0	0.0	0.0	0.0	16.9	0.0	31.6	O157	
3	AEEC 1387-177	<i>Escherichia coli</i>	O145:H28	Dairy product	4,0.10 ⁵	16.8	0.0	0.0	0.0	32.2	-	17.4	0.0	0.0	0.0	31.2	-	0.0	0.0	0.0	17.6	0.0	29.3	O145	0.0	0.0	17.8	0.0	0.0	0.0	0.0	16.5	0.0	0.0	33.9	O145	
4	529-64	<i>Escherichia coli</i>	O145:H28-	Meat product	3,2.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	32.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	18.1	0.0	29.3	O145	0.0	0.0	17.9	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	O145		
5	236-9	<i>Escherichia coli</i>	O145:H28-	Dairy product	3,6.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.3	-	0.0	0.0	0.0	19.4	0.0	29.6	O145	0.0	0.0	20.6	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	O145		
6	13482	<i>Escherichia coli</i>	O91:H21	Dairy product	4,7.10 ⁵	0.0	0.0	16.7	16.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	14.8	30.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	15.1	0.0	0.0	0.0	0.0	32.6	-	
7	STEC-19-50	<i>Escherichia coli</i>	O113:H21	Meat product	2,9.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	16.1	31.4	-	0.0	0.0	0.0	15.1	29.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	15.4	0.0	0.0	0.0	0.0	32.5	-	
8	Ad513	<i>Escherichia coli</i>	O111:H2	Clinic	3,3.10 ⁵	16.1	0.0	0.0	0.0	30.5	-	16.8	0.0	0.0	0.0	30.4	-	0.0	0.0	17.0	0.0	0.0	30.5	O111	0.0	16.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.1	0.0	30.8	O111		
9	Ad1774	<i>Escherichia coli</i>	O111	Clinic	3,3.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	17.2	31.4	-	0.0	0.0	0.0	16.7	30.1	-	0.0	0.0	16.9	0.0	0.0	30.8	O111	0.0	16.5	0.0	0.0	0.0	0.0	16.0	0.0	0.0	0.0	30.8	O111	
10	Ad1743	<i>Escherichia coli</i>	O103	Meat product	3,2.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	18.8	0.0	0.0	0.0	30.4	O103	17.5	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	O103		
11	Ad1862	<i>Escherichia coli</i>	O103	Dairy product	4,0.10 ⁵	15.9	0.0	0.0	0.0	31.4	-	15.7	0.0	0.0	0.0	29.8	-	0.0	18.5	0.0	0.0	0.0	30.4	O103	18.7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	16.5	0.0	31.4	O103	
12	Ad1739	<i>Escherichia coli</i>	O26	Dairy product	2,4.10 ⁵	16.5	0.0	0.0	0.0	31.3	-	17.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	18.0	30.6	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	16.9	0.0	0.0	0.0	17.3	0.0	31.1	O103	
13	Ad1864	<i>Escherichia coli</i>	O26	Meat product	2,6.10 ⁵	15.7	0.0	0.0	0.0	30.6	-	16.9	0.0	0.0	0.0	30.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	17.2	30.9	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	16.6	0.0	0.0	0.0	16.8	0.0	30.7	O26	
14	Ad2677	<i>Escherichia coli</i>	O26	Dairy product	3,3.10 ⁵	16.4	0.0	0.0	0.0	31.5	-	16.4	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	18.1	29.5	O26	0.0	0.0	0.0	0.0	16.9	0.0	0.0	0.0	17.0	0.0	31.9	O26	
15	ENV177	<i>Escherichia coli</i>	O157:H7	Environment	2,7.10 ⁵	16.6	17.9	0.0	0.0	30.0	-	16.1	17.5	0.0	0.0	30.6	-	17.7	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	O157:H7	0.0	0.0	0.0	17.1	0.0	0.0	0.0	16.1	0.0	0.0	31.1	O157	
16	Ad2301	<i>Escherichia coli</i>	O157:H7	Environment	2,8.10 ⁵	16.1	17.4	0.0	0.0	30.4	-	16.7	17.7	0.0	0.0	30.2	-	17.6	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	O157:H7	0.0	0.0	0.0	17.2	0.0	0.0	0.0	16.6	0.0	0.0	31.8	O157	
17	Ad503	<i>Escherichia coli</i>	O92:H33	Clinic	2,6.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.5	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-		
18	ATCC 35401	<i>Escherichia coli</i>	O78:H11	Clinic	1,8.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	30.0	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.6	-		
19	Ad506	<i>Escherichia coli</i>	O6:H6	Clinic	3,3.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	29.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-		
20	Ad507	<i>Escherichia coli</i>	O6:H10	Clinic	3,3.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.9	-		
21	Ad509	<i>Escherichia coli</i>	O86:H43	Elephant	3,2.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	31.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.1	-		
22	Ad512	<i>Escherichia coli</i>	O128:H2	Clinic	2,1.10 ⁵	16.1	0.0	0.0	0.0	30.5	-	16.8	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.3	0.0	31.9	-		
23	ATCC 43896	<i>Escherichia coli</i>	O78:H12	Clinic	4,0.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	31.3	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.2	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.5	-		
24	Ad516	<i>Escherichia coli</i>	O104:H21	Clinic	3,3.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.7	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-		
25	Ad518	<i>Escherichia coli</i>	O55:H7	Clinic	2,1.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	17.1	0.0	0.0	0.0	30.8	-	18.1	0.0	0.0	0.0	0.0	30.8	H7	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	16.0	0.0	0.0	31.5	-		
26	Ad520	<i>Escherichia coli</i>	O127:H6	Clinic	1,9.10 ⁵	16.2	0.0	0.0	0.0	31.4	-	17.2	0.0	0.0	0.0	30.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.1	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	31.7	-		
27	Ad1776	<i>Escherichia coli</i>	O126	Clinic	2,3.10 ⁵	0.0	0.0	0.0	0.0	34.9	-	0.0	0.0	0.0	0.0	31.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	30.4	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	32.7	-		
28	Ad1778	<i>Escherichia coli</i>	O45:H2	Unknown	1,7.10 ⁵	16.9	0.0	17.1	0.0	30.8	STEC	17.1	0.0	0.0	17.7	31.3	STEC	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	29.6	-	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	17.7	16.6	0.0	0.0	0.0	17.8	31.9	STEC O45

Appendix 7 - Results obtained by the collaborative laboratories and the expert laboratory

7. 1 - GLOBAL RESULTS.....	112
7. 2 - REFERENCE METHOD RESULTS.....	127
7. 3 - ALTERNATIVE METHOD RESULTS - <i>Enrichment</i>	142
7. 4 - ALTERNATIVE METHOD RESULTS - <i>IMS</i>	157
7. 5 - ALTERNATIVE METHOD RESULTS - <i>Confirmation</i>	172

7. 1 - GLOBAL RESULTS

Laboratory **A1**
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation		Confirmation result	Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation		Confirmation result	Final result	
		Characteristic colonies (+/-)	CHROMagar STEC					CT-RMAC	Characteristic colonies (+/-)			
A1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A3	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A5	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A12	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A15	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A18	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A21	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A24	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A4	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A7	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
A10	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A11	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
A14	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A16	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
A20	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
A22	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A13	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **A2**
 Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁴ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
A27	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A30	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A32	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A34	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A37	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A41	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A43	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A47	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A26	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A29	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A31	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
A33	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
A35	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
A40	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
A44	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A45	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A25	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A28	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A36	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A38	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A39	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A42	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A46	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
A48	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **B1**
 Aerobic mesophilic flora: $2,5 \cdot 10^4$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
B1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B3	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B5	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B12	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B15	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B18	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B21	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B24	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B4	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B7	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B10	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B11	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B14	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B16	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PD
B20	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B22	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B2	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B13	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **B2**
 Aerobic mesophilic flora: $2,3 \cdot 10^4$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
B27	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B30	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B32	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B34	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B37	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B41	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B43	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B47	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B26	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B29	-	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	PD
B31	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B33	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B35	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B40	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B44	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B45	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B25	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B28	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B36	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B38	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B39	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B42	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B46	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B48	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **B3**
Aerobic mesophilic flora: $2,6 \cdot 10^4$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
B49	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B53	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B55	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B58	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B60	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B66	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B68	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B71	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B50	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B51	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B54	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B59	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B63	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B64	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
B69	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
B72	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B52	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B56	-	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	PD
B57	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B61	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B62	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B65	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B67	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
B70	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **C**
 Aerobic mesophilic flora: $1,6 \cdot 10^5$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
	CHROMagar STEC	CT-RMAC				CHROMagar STEC	CT-RMAC					
C1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C3	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C5	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C12	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C15	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C18	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C21	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C24	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
C4	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	+	PA
C7	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C10	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C11	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C14	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C16	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
C20	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C22	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	ND
C2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C13	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
C23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **D**
 Aerobic mesophilic flora: $1,2 \cdot 10^5$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation		Confirmation result	Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation		Confirmation result	Final result	
		Characteristic colonies (+/-)						Characteristic colonies (+/-)				
		CHROMagar STEC	CT-RMAC				CHROMagar STEC	CT-RMAC				
D1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D3	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D5	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D12	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D15	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D18	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D21	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D24	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D4	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D7	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D10	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D11	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
D14	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
D16	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
D20	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D22	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	ND
D2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D13	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D17	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
D23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **E1**
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁶ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
E1	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E3	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E5	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E12	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E15	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E18	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E21	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E24	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E4	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E7	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
E10	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E11	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
E14	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E16	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
E20	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E22	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E13	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **E2**
Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁶ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
E27	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
E30	-	+	+	+	-	-	+	+	+	+	-	NA
E32	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
E34	-	-	-	-	-	-	+	-	-	-	-	NA
E37	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
E41	-	+	+	+	-	-	+	-	-	-	-	NA
E43	-	-	-	-	-	-	+	+	+	-	-	NA
E47	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
E26	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E29	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
E31	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
E33	-	+	+	+	-	+	+	+	+	-	-	NA
E35	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E40	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	ND
E44	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	NA
E45	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	-	NA
E25	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E28	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E36	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E38	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E39	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
E42	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	ND
E46	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	ND
E48	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	ND

Laboratory **F**
 Aerobic mesophilic flora: $1,4 \cdot 10^5$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
F1	-	-	-	-	-	-				-	-	NA
F3	-	-	-	-	-	-				-	-	NA
F5	-	-	-	-	-	-				-	-	NA
F12	-	-	-	-	-	+	+	- (1)	-	-	-	PPNA
F15	-	-	-	-	-	-				-	-	NA
F18	-	-	-	-	-	-				-	-	NA
F21	-	-	-	-	-	-				-	-	NA
F24	-	-	-	-	-	-				-	-	NA
F4	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
F7	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F10	-	+/-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
F11	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F14	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F16	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F20	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F22	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F13	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
F23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

(1) F12=Negative PCR on regrowth in mTSB

Laboratory **G1**
 Aerobic mesophilic flora: $2,7 \cdot 10^3$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
G1	-	+	+	+	-	+	+	-	-	-	-	NA
G3	+	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
G5	-	-	-	-	-	+	+	+	-	+	+	PD
G12	+	-	-	-	-	-	+	+	-	+	-	NA
G15	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G18	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G21	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G24	+	+	-	+	+	O103	+	+	+	+	-	ND
G4	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G7	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
G10	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G11	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G14	+	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G16	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G20	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
G22	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G13	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **G2**
 Aerobic mesophilic flora: $1,8 \cdot 10^3$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
G27	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G30	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G32	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G34	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G37	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	NA
G41	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G43	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G47	-	-	-	-	-	-	+	+	+	+	-	NA
G26	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G29	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G31	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G33	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
G35	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G40	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
G44	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	-	ND
G45	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
G25	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G28	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G36	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G38	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G39	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G42	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G46	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
G48	+	+	/	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **H**
 Aerobic mesophilic flora: 1,9.10⁵ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
H1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
H3	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
H5	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
H12	-	-	+ (2 colonies)	+	-	-	-	-	-	-	-	NA
H15	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
H18	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
H21	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
H24	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
H4	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	ND
H7	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H10	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H11	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H14	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
H16	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
H20	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H22	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H13	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
H23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory I
Aerobic mesophilic flora: 3,3.10⁸ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
	CHROMagar STEC	CT-RMAC				CHROMagar STEC	CT-RMAC					
I1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
I3	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
I5	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
I12	-	+/-	+/-	+	-	-	+	+	+	+	-	NA
I15	-	+	+/-	+	-	-	+	-	-	-	-	NA
I18	-	+/-	+/-	+	-	-	+	+	-	+	-	NA
I21	-	+	+	+	-	-	+	-	-	-	-	NA
I24	+	+/-	+/-	+	+	-	+	-	-	-	-	ND
I4	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I7	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I10	-	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	NA
I11	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I14	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I16	-	-	-	-	-	+	+	+	+	+	+	PD
I20	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I22	-	+	+	+	-	+	+	+	+	+	+	PD
I2	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I6	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I8	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I9	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I13	+	+	+	+	+	-	+	+	+	+	-	ND
I17	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I19	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA
I23	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **J (ADRIA)**
 Aerobic mesophilic flora: $9,2.10^4$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136♦					Alternative Method - GeneDisc® Plate						Agreement
	PCR Result	Confirmation			Final Result	GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads Final result	Confirmation			Final result	
		Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result				Characteristic colonies (+/-)		Confirmation result		
		CHROMagar STEC	CT-RMAC					CHROMagar STEC	CT-RMAC			
J1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
J3	-	-	-	-	-	-	-	st	-	-	-	NA
J5	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
J12	-	-	-	-	-	-	-	st	-	-	-	NA
J15	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
J18	-	-	-	-	-	-	-	st	-	-	-	NA
J21	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
J24	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	NA
J4	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J7	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J10	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J11	+	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	ND
J14	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J16	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J20	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J22	+	+	-	+	+	-	-	st	-	-	-	ND
J2	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J6	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J8	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J9	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J13	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J17	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J19	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA
J23	+	+	+	+	+	+	+	+p	+p	+	+	PA

♦ Analyses performed according to the COFRAC accreditation

7.2 - REFERENCE METHOD RESULTS

i = inhibition

* = dilution 1/10

CS= CHROMagar STEC

CT=CT-RMAC

Laboratory A1
Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁴ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation												Final Result					
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® PlateTOP7																	
										O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC				PCR on colonies	Indol	Confirmation result
A1	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
A3	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A5	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A12	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A15	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A18	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A21	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A24	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A4	32,2	-	32,2	32,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,4	0,0	18,1	0,0	0,0	20,1	0,0	31,5	+	+	+	+	+	PA
A7	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
A10	29,7	-	28,3	27,4	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,2	0,0	0,0	16,6	0,0	0,0	+	+	+	+	+	PA
A11	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
A14	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A16	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
A20	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
A22	27,6	-	27,7	26,9	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	22,7	0,0	21,8	0,0	0,0	21,7	0,0	32,8	+	+	+	+	+	PA
A2	23,8	-	23,7	23,8	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,4	0,0	18,0	0,0	0,0	19,5	0,0	31,2	+	+	+	+	+	PA
A6	24,1	-	24,1	23,3	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,7	0,0	17,8	0,0	0,0	18,0	0,0	0,0	+	+	+	+	+	PA
A8	22,5	-	23,2	22,4	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,5	0,0	18,9	0,0	0,0	19,8	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA
A9	25,3	-	25,0	25,0	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,5	0,0	16,3	0,0	0,0	17,5	0,0	0,0	+	+	+	+	+	PA
A13	20,1	-	21,2	21,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,6	0,0	18,2	0,0	0,0	18,4	0,0	0,0	+	+	+	+	+	PA
A17	25,3	-	26,4	25,8	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	21,2	0,0	0,0	20,9	0,0	32,1	+	+	+	+	+	PA
A19	26,3	-	26,2	26,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	0,0	23,8	0,0	0,0	22,7	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
A23	21,9	-	21,9	22,9	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,8	0,0	19,2	0,0	0,0	19,4	0,0	32,8	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **A2**
 Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation												Indol			Confirmation result	Final Result	
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® Plate TOP7																	
										O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC						PCR on colonies
A27	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
A30	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A32	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A34	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A37	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A41	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A43	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A47	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A26	28,1	-	27,3	27,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,6	0,0	0,0	23,7	0,0	31,1	+	+	+	+	+	PA
A29	37,0	-	34,3	36,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	28,1	0,0	27,6	0,0	0,0	28,4	0,0	31,5	+	+	+	+	+	PA
A31	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
A33	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
A35	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
A40	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
A44	26,3	-	i / 29,98*	25,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	22,9	0,0	0,0	24,0	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA
A45	24,2	-	22,5	24,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,4	0,0	17,7	0,0	0,0	20,5	0,0	32,4	+	+	+	+	+	PA
A25	22,2	-	22,1	21,8	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	20,3	0,0	0,0	19,9	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
A28	21,4	-	22,0	21,7	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,0	0,0	18,8	0,0	0,0	19,5	0,0	30,8	+	+	+	+	+	PA
A36	22,1	-	22,0	21,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	24,1	0,0	23,6	0,0	0,0	24,9	0,0	31,3	+	+	+	+	+	PA
A38	24,4	-	24,5	24,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	19,9	0,0	0,0	21,5	0,0	31,3	+	+	+	+	+	PA
A39	24,2	-	24,7	24,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,4	0,0	19,7	0,0	0,0	20,4	0,0	31,2	+	+	+	+	+	PA
A42	23,9	-	24,4	23,4	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	19,8	0,0	0,0	21,8	0,0	33,1	+	+	+	+	+	PA
A46	23,0	-	23,2	23,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	20,1	0,0	0,0	22,4	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
A48	24,3	-	24,4	24,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	27,1	0,0	26,1	0,0	0,0	27,9	0,0	31,5	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **B1**
 Aerobic mesophilic flora: 2,5.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Final Result		
	GeneDisc® Plate TOP7													Indol	Confirmation result												
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157			O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121				IC	PCR on colonies
B1	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
B3	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B5	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B12	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B15	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B18	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B21	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B24	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B4	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B7	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B10	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B11	30,5	-	28,5	29,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,2	0,0	0,0	16,8	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
B14	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B16	-/-	-	-/38,64/-	/	-	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,2	0,0	0,0	16,9	0,0	32,7	+	+	+	-	+	PD
B20	37,7	-	33,1	36,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,2	0,0	16,8	0,0	0,0	17,3	0,0	31,3	+	+	+	+	+	PA
B22	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B2	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B6	35,9	-	31,4	34,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,5	0,0	17,5	0,0	0,0	18,8	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
B8	37,2	-	31,9	34,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,9	0,0	19,0	0,0	0,0	20,1	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
B9	35,8	-	32,7	36,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,2	0,0	16,9	0,0	0,0	17,0	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
B13	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B17	34,2	-	29,8	31,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	16,1	0,0	0,0	15,8	0,0	32,1	+	+	+	+	+	PA
B19	28,8	-	27,7	28,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	15,9	0,0	0,0	16,7	0,0	31,1	+	+	+	+	+	PA
B23	41,0	-	33,6	37,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,1	0,0	15,9	0,0	0,0	16,0	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **B2**
 Aerobic mesophilic flora: 2,3.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Final Result		
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® Plate TOP7																	
										O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR on colonies				Indol	Confirmation result
B27	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
B30	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B32	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B34	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B37	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B41	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B43	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B47	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B26	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B29	-/-	-	38,23 / 38,79 / 38,13	/	-	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	42,4	19,3	36,0	18,9	0,0	0,0	19,0	0,0	31,9	+	+	+	-	+	PD
B31	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B33	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B35	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B40	24,4	-	23,4	24,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	42,1	16,5	0,0	15,1	0,0	0,0	16,6	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
B44	32,2	-	29,8	31,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,0	0,0	0,0	16,5	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
B45	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B25	35,9	-	31,6	33,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	20,7	2,0	19,4	0,0	0,0	20,8	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
B28	32,1	-	28,4	28,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,5	0,0	18,0	0,0	0,0	18,6	0,0	32,2	+	+	+	+	+	PA
B36	31,9	-	29,4	30,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,6	0,0	17,1	0,0	0,0	18,6	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
B38	26,2	-	24,1	25,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,5	0,0	18,0	0,0	37,2	18,5	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
B39	37,1	-	34,3	35,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	39,5	18,3	0,0	18,1	0,0	0,0	18,6	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
B42	26,1	-	24,3	25,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,7	0,0	16,2	0,0	0,0	16,8	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
B46	28,0	-	25,9	27,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,1	0,0	0,0	16,5	0,0	31,4	+	+	+	+	+	PA
B48	22,1	-	19,9	21,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	15,5	0,0	0,0	16,5	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **B3**
 Aerobic mesophilic flora: 2,6.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Indol	Confirmation result	Final Result
	GeneDisc® Plate TOP7																										
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR on colonies					
B49	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
B53	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B55	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B58	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B60	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B66	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B68	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B71	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B50	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B51	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B54	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B59	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B63	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B64	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
B69	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
B72	40,9	-	36,1	39,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	15,2	0,0	0,0	17,2	0,0	32,4	+	+	+	+	+	PA
B52	27,1	-	25,4	26,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,4	0,0	18,0	0,0	0,0	17,9	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA
B56	-/-/41,35	-	36,08 / 35,59 / 38,07	/	-	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,4	0,0	18,8	0,0	0,0	18,5	0,0	31,2	+	+	+	-	+	PD
B57	34,6	-	31,2	34,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,1	0,0	0,0	20,7	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
B61	27,1	-	24,6	26,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,2	0,0	17,3	0,0	0,0	17,9	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
B62	22,5	-	20,2	22,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,5	0,0	18,2	0,0	0,0	18,2	0,0	32,1	+	+	+	+	+	PA
B65	31,5	-	28,4	30,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,8	0,0	17,4	0,0	0,0	18,7	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
B67	37,9	-	31,9	35,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	19,1	0,0	0,0	19,9	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
B70	26,4	-	24,7	25,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,2	0,0	18,1	0,0	0,0	18,0	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA

Laboratory C
 Aerobic mesophilic flora: 1,6.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Final Result		
	GeneDisc® Plate TOP7													Indol	Confirmation result												
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157			O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121				IC	PCR on colonies
C1	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
C3	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
C5	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
C12	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
C15	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
C18	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
C21	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
C24	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
C4	26,9	-	23,3	25,7	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	16,0	0,0	0,0	16,5	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
C7	34,6	-	29,0	30,6	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,2	0,0	13,8	0,0	0,0	14,6	0,0	33,0	+	+	+	+	+	PA
C10	29,4	-	26,3	27,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,6	0,0	0,0	15,6	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
C11	28,9	-	25,6	27,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	0,0	16,3	0,0	0,0	17,5	0,0	32,2	+	+	+	+	+	PA
C14	25,1	-	22,6	24,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,2	0,0	0,0	15,4	0,0	32,2	+	+	+	+	+	PA
C16	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
C20	26,0	-	22,4	24,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	13,6	0,0	0,0	14,3	0,0	32,4	+	+	+	+	+	PA
C22	32,7	-	28,1	28,7	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,6	0,0	0,0	14,3	0,0	30,9	+	+	+	+	-	ND
C2	21,6	-	19,0	21,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,6	0,0	0,0	15,6	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
C6	26,1	-	22,1	24,9	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,0	0,0	14,7	0,0	0,0	14,9	0,0	32,6	+	+	+	+	+	PA
C8	27,6	-	25,0	26,5	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,2	0,0	0,0	15,5	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
C9	23,1	-	20,2	22,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,5	0,0	0,0	15,5	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
C13	23,9	-	21,2	22,7	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,6	0,0	0,0	16,6	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA
C17	22,6	-	20,2	21,3	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,3	0,0	0,0	15,1	0,0	32,7	+	+	+	+	+	PA
C19	21,9	-	19,1	20,7	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,4	0,0	0,0	15,3	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
C23	24,1	-	22,0	23,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,8	0,0	18,3	0,0	0,0	19,6	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **D**
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Final Result		
	GeneDisc® Plate TOP7													Indol	Confirmation result												
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157			O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121				IC	PCR on colonies
D1	-	-	/	/	-	-	-															-	-	-	NA		
D3	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D5	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D12	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D15	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D18	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D21	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D24	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D4	39,4	-	36,3	40,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,3	0,0	18,4	0,0	0,0	19,8	0,0	32,2	+	+	+	+	+	PA
D7	32,0	-	28,1	29,2	+	+	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,0	0,0	13,6	0,0	0,0	15,5	0,0	33,7	+	+	+	+	+	PA
D10	27,6	-	25,1	26,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	0,0	17,0	0,0	0,0	18,1	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
D11	-	-	/	/	-	-	-																-	-	+	PD	
D14	-	-	/	/	-	-	-																-	-	+	PD	
D16	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
D20	28,3	-	25,1	26,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,4	0,0	0,0	15,2	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
D22	28,5	-	26,0	26,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,4	0,0	13,0	0,0	0,0	14,2	0,0	31,8	+	+	+	+	-	ND
D2	24,5	-	22,0	23,4	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,2	0,0	13,8	0,0	0,0	13,8	0,0	32,7	+	+	+	+	+	PA
D6	25,3	-	23,1	24,4	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,7	0,0	13,4	0,0	0,0	14,7	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
D8	25,2	-	23,0	23,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,8	0,0	13,3	0,0	0,0	14,6	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
D9	25,9	-	23,6	24,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	17,1	0,0	0,0	18,5	0,0	33,1	+	+	+	+	+	PA
D13	29,6	-	26,1	27,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,8	0,0	16,3	0,0	0,0	17,4	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
D17	32,0	-	28,0	28,7	+	-	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,9	0,0	16,1	0,0	0,0	17,6	0,0	32,9	+	+	+	+	+	PA
D19	27,7	-	25,5	26,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,4	0,0	13,6	0,0	0,0	14,8	0,0	32,2	+	+	+	+	+	PA
D23	27,6	-	24,6	26,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,9	0,0	14,7	0,0	0,0	14,6	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **E1**
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement					
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Final Result				
	GeneDisc® Plate TOP7													Indol	Confirmation result														
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157			O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121				IC	PCR on colonies		
E1	-	-	/	/	-	-	-															-	-	-	NA				
E3	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA			
E5	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA			
E12	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA			
E15	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA			
E18	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA			
E21	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA			
E24	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA			
E4	27,0	-	24,3	25,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,7	0,0	12,2	0,0	0,0	13,8	0,0	33,1	+	+	+	+	+	+	PA	
E7	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	+	+	+	PD
E10	26,1	-	23,1	25,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,5	0,0	16,9	0,0	0,0	17,3	0,0	34,1	+	+	+	+	+	+	PA	
E11	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	+	+	+	PD
E14	32,2	-	28,3	29,4	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,4	0,0	0,0	14,8	0,0	33,8	+	+	+	+	+	+	PA	
E16	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	+	+	+	PD
E20	27,8	-	25,6	26,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,2	0,0	13,8	0,0	0,0	14,4	0,0	32,8	+	+	+	+	+	+	PA	
E22	32,6	-	26,8	29,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,1	0,0	13,3	0,0	0,0	14,9	0,0	33,5	+	+	+	+	+	+	PA	
E2	28,0	-	25,0	26,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	15,1	0,0	0,0	16,0	0,0	32,3	+	+	+	+	+	+	PA	
E6	36,3	-	29,1	30,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	20,8	0,0	0,0	21,9	0,0	32,7	+	+	+	+	+	+	PA	
E8	31,3	-	25,2	28,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,5	0,0	19,1	0,0	0,0	19,6	0,0	34,3	+	+	+	+	+	+	PA	
E9	39,1	-	32,2	34,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,7	0,0	17,2	0,0	0,0	17,7	0,0	32,3	+	+	+	+	+	+	PA	
E13	28,7	-	26,2	26,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,5	0,0	0,0	15,3	0,0	33,1	+	+	+	+	+	+	PA	
E17	28,8	-	26,4	27,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,0	0,0	12,2	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	+	+	+	+	+	+	PA	
E19	26,4	-	23,9	24,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,6	0,0	0,0	15,8	0,0	33,0	+	+	+	+	+	+	PA	
E23	25,9	-	22,2	25,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	13,4	0,0	0,0	14,6	0,0	31,7	+	+	+	+	+	+	PA	

Laboratory **E2**
 Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																							Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Indol			Confirmation result	Final Result	
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® Plate TOP7																		
										O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR on colonies						
E27	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E30	-/-	-	-/-	/	-	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	15,9	0,0	0,0	16,5	0,0	33,1	+	+	+	-	-	-	NA
E32	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E34	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E37	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E41	-/-	-	-/-	/	-	+	+	CS	2	0,0	0,0	0,0	0,0	33,6	0,0	33,9	0,0	0,0	34,6	0,0	31,7	+	+	+	-	-	-	NA
E43	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E47	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E26	30,2	-	28,8	28,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,3	0,0	0,0	15,1	0,0	32,3	+	+	+	+	+	+	PA
E29	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD	
E31	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD	
E33	- / 35,42 / 34,75	-	31,44 / 32,37 / 31,61	/	-	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,8	0,0	13,6	0,0	0,0	14,6	0,0	33,0	+	+	+	-	-	-	NA
E35	28,3	-	26,8	26,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,3	0,0	0,0	15,7	0,0	31,7	+	+	+	+	+	+	PA
E40	27,4	-	26,1	26,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,5	0,0	0,0	15,8	0,0	32,9	+	+	+	+	+	-	ND
E44	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E45	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA	
E25	25,6	-	24,8	24,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,3	0,0	0,0	15,7	0,0	32,7	+	+	+	+	+	+	PA
E28	25,6	-	25,1	25,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,2	0,0	0,0	15,3	0,0	31,7	+	+	+	+	+	+	PA
E36	25,1	-	27,2	24,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	15,0	0,0	0,0	15,4	0,0	32,3	+	+	+	+	+	+	PA
E38	28,2	-	23,7	26,4	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,0	0,0	15,3	0,0	0,0	15,8	0,0	32,4	+	+	+	+	+	+	PA
E39	24,5	-	26,7	24,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,4	0,0	0,0	15,2	0,0	32,6	+	+	+	+	+	+	PA
E42	24,9	-	24,1	24,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	15,3	0,0	0,0	16,1	0,0	32,6	+	+	+	+	+	-	ND
E46	22,9	-	22,2	22,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,0	0,0	13,8	0,0	0,0	14,7	0,0	32,8	+	+	+	+	+	-	ND
E48	22,4	-	22,4	21,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	13,6	0,0	0,0	15,2	0,0	32,8	+	+	+	+	+	-	ND

Laboratory **F**
 Aerobic mesophilic flora: 1,4.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Final Result		
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® Plate TOP7																	
										O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR on colonies				Indol	Confirmation result
F1	-	-	/	/	-	-	-															-	-	-	NA		
F3	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
F5	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
F12	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	PPNA	
F15	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
F18	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
F21	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
F24	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
F4	-	-	/	/	-	-	-																-	-	+	PD	
F7	27,0	-	25,7	25,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,3	0,0	0,0	14,6	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
F10	-	-	/	/	-	+/-	-	CS	3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	16,9	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	-	+	PD
F11	23,7	-	22,7	23,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,4	0,0	0,0	16,0	0,0	32,7	+	+	+	+	+	PA
F14	27,3	-	26,1	26,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	14,1	0,0	0,0	13,6	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
F16	32,4	-	32,4	30,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,2	0,0	0,0	15,7	0,0	32,6	+	+	+	+	+	PA
F20	25,2	-	24,1	24,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,2	0,0	0,0	14,8	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
F22	23,8	-	23,1	23,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,4	0,0	0,0	15,9	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
F2	26,4	-	26,3	26,0	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	16,1	0,0	0,0	16,6	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
F6	24,1	-	23,6	23,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,3	0,0	0,0	16,4	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
F8	23,8	-	23,8	23,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	13,8	0,0	0,0	15,5	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
F9	21,3	-	20,9	21,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,4	0,0	0,0	16,0	0,0	32,9	+	+	+	+	+	PA
F13	22,6	-	23,0	22,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,2	0,0	0,0	15,8	0,0	32,8	+	+	+	+	+	PA
F17	21,8	-	21,7	21,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	15,2	0,0	0,0	16,6	0,0	33,5	+	+	+	+	+	PA
F19	25,6	-	i / 28,16*	24,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,6	0,0	0,0	15,2	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA
F23	24,1	-	24,0	23,6	+	+	+	Both	2	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	14,3	0,0	0,0	13,7	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **G1**
 Aerobic mesophilic flora: 2,7.10³ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																							Alternative Method - GeneDisc®	Agreement		
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Indol			Confirmation result	Final Result
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® Plate TOP7																	
										O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR on colonies					
G1	-	-	/	/	-	+	+	CT	1	0,0	0,0	35,3	0,0	17,6	0,0	16,1	0,0	0,0	17,5	0,0	31,9	+	+	+	-	-	NA
G3	35,5	-	37,0	34,9	+	-	-	-	-															-	-	+	PD
G5	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	+	PD
G12	32,9	-	36,1	37,3	+	-	-	-	-															-	-	-	NA
G15	37,9	-	-	36,7	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G18	36,9	-	35,2	37,8	+	-	-	-	-															-	-	-	NA
G21	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G24	36,2	-	34,9	34,9	+	+	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,3	0,0	16,3	0,0	0,0	17,1	0,0	32,1	+	+	+	+	-	ND
G4	25,2	-	24,5	24,9	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,1	0,0	0,0	16,6	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA
G7	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	+	PD
G10	23,9	-	24,1	23,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	15,6	0,0	0,0	15,8	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
G11	36,1	-	34,3	36,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	15,4	0,0	0,0	16,0	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
G14	32,5	-	33,2	33,1	+	+	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	15,3	0,0	0,0	15,5	0,0	31,5	+	+	+	+	+	PA
G16	21,4	-	21,3	21,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,2	0,0	15,4	0,0	0,0	16,6	0,0	32,1	+	+	+	+	+	PA
G20	35,9	-	39,1	-	-	-	-	-	-															-	-	+	PD
G22	24,2	-	24,6	24,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,2	0,0	17,9	0,0	0,0	17,8	0,0	32,9	+	+	+	+	+	PA
G2	18,3	-	18,8	18,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,4	0,0	16,5	0,0	0,0	17,2	0,0	32,1	+	+	+	+	+	PA
G6	17,9	-	18,1	17,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,7	0,0	16,1	0,0	0,0	16,5	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
G8	18,0	-	18,0	18,4	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	14,4	0,0	0,0	15,5	0,0	32,6	+	+	+	+	+	PA
G9	18,9	-	19,2	19,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	16,5	0,0	0,0	16,4	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
G13	19,3	-	19,6	20,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,1	0,0	0,0	16,5	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
G17	21,5	-	22,0	21,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,6	0,0	0,0	14,4	0,0	31,5	+	+	+	+	+	PA
G19	19,5	-	19,1	19,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,9	0,0	16,2	0,0	0,0	16,6	0,0	31,4	+	+	+	+	+	PA
G23	19,3	-	19,3	19,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	15,6	0,0	0,0	15,9	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA

Doubtful curves

Laboratory **G2**
 Aerobic mesophilic flora: 1,8.10³ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation												Indol			Confirmation result	Final Result	
	GeneDisc® Plate TOP7																										
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC						PCR on colonies
G27	-	-	/	/	-	-	-	-	-														-	-	-	NA	
G30	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G32	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G34	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G37	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G41	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G43	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G47	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	-	NA
G26	22,8	-	22,7	22,74	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,5	0,0	0,0	14,7	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
G29	21,7	-	21,6	22,33	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,1	0,0	0,0	13,3	0,0	30,9	+	+	+	+	+	PA
G31	27,2	-	27,8	27,04	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,7	0,0	0,0	14,9	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
G33	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	+	PD
G35	22,4	-	23,1	22,61	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	15,1	0,0	0,0	16,2	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
G40	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	+	PD
G44	25,0	-	25,4	25,16	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	14,7	0,0	0,0	16,1	0,0	32,6	+	+	+	+	-	ND
G45	-	-	/	/	-	-	-	-	-															-	-	+	PD
G25	22,4	-	22,2	22,71	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,4	0,0	0,0	14,8	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
G28	22,1	-	22,0	22,38	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,6	0,0	0,0	15,1	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
G36	19,7	-	19,5	19,64	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,2	0,0	0,0	15,4	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
G38	22,2	-	22,4	22,3	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,3	0,0	17,2	0,0	0,0	17,8	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
G39	25,7	-	25,3	25,12	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,0	0,0	14,5	0,0	0,0	14,9	0,0	32,0	+	+	+	+	+	PA
G42	24,5	-	24,7	24,69	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,2	0,0	32,2	+	+	+	+	+	PA
G46	19,8	-	19,4	20,12	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	13,1	0,0	0,0	13,8	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
G48	21,0	-	21,2	21,62	+	+	/	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	13,4	0,0	0,0	14,4	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **H**
 Aerobic mesophilic flora: 1,9.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Indol	Confirmation result	Final Result
	GeneDisc® Plate TOP7																										
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR on colonies					
H1	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
H3	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
H5	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
H12	-	-	/	/	-	-	+ (2 colonies)	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,5	0,0	13,1	0,0	0,0	13,9	0,0	32,8	+	+	+	-	-	NA
H15	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
H18	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
H21	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
H24	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
H4	24,0	-	23,9	23,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,1	0,0	0,0	14,2	0,0	32,4	+	+	+	+	-	ND
H7	31,2	-	29,3	27,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	18,1	0,0	0,0	19,3	0,0	33,5	+	+	+	+	+	PA
H10	22,4	-	22,4	22,5	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,4	0,0	0,0	15,5	0,0	33,1	+	+	+	+	+	PA
H11	22,2	-	21,9	21,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,7	0,0	13,1	0,0	0,0	14,1	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA
H14	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
H16	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	+	PD
H20	34,9	-	33,6	33,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,2	0,0	0,0	15,6	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA
H22	25,6	-	25,2	25,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,4	0,0	0,0	14,1	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
H2	22,8	-	22,5	23,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,3	0,0	12,2	0,0	0,0	13,7	0,0	33,4	+	+	+	+	+	PA
H6	25,3	-	25,2	24,3	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	20,1	0,0	0,0	22,2	0,0	35,2	+	+	+	+	+	PA
H8	26,2	-	25,2	25,2	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	20,0	0,0	0,0	20,6	0,0	34,3	+	+	+	+	+	PA
H9	20,4	-	20,6	20,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,6	0,0	17,4	0,0	0,0	19,0	0,0	33,0	+	+	+	+	+	PA
H13	23,7	-	23,3	22,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	13,5	0,0	0,0	14,8	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
H17	23,8	-	23,4	23,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,9	0,0	12,5	0,0	0,0	13,4	0,0	32,1	+	+	+	+	+	PA
H19	24,8	-	24,9	24,5	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,8	0,0	13,2	0,0	0,0	13,3	0,0	31,9	+	+	+	+	+	PA
H23	23,9	-	23,2	23,1	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,7	0,0	13,5	0,0	0,0	14,8	0,0	32,5	+	+	+	+	+	PA

Laboratory I
 Aerobic mesophilic flora: 3,3.10⁸ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136																						Alternative Method - GeneDisc®	Agreement			
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation															Indol	Confirmation result	Final Result
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® Plate TOP7																	
										O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR on colonies					
I1	-	-	/	/	-	-	-																-	-	-	NA	
I3	35,8	-	34,0	33,4	+	-	-																	-	-	-	NA
I5	-	-	/	/	-	-	-																	-	-	-	NA
I12	-	-	/	/	-	+/-	+/-	CT	5	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,4	0,0	0,0	20,8	0,0	32,4	+	+	+	-	-	NA
I15	-	-	/	/	-	+	+/-	CT	5	0,0	0,0	0,0	0,0	13,8	0,0	12,5	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-		+	-	-	NA
								PCA	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	15,0	0,0	0,0	14,6	0,0	31,8	+	+	+	-	-	NA
I18	-	-	/	/	-	+/-	+/-	PCA	1	0,0	0,0	0,0	0,0	19,3	0,0	19,4	0,0	0,0	19,7	0,0	31,6	+	+	+	-	-	NA
I21	-	-	/	/	-	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,4	0,0	0,0	15,2	0,0	32,6	+	+	+	-	-	NA
I24	39,1	-	36,2	35,5	+	+/-	+/-	PCA	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	15,5	0,0	0,0	16,6	0,0	31,2	+	+	+	+	-	ND
I4	30,6	-	29,9	28,5	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I7	24,5	-	23,9	24,0	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I10	-	-	/	/	-	+	+	PCA	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,3	0,0	16,9	0,0	0,0	17,5	0,0	32,0	+	+	+	-	-	NA
I11	23,0	-	22,8	22,7	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I14	26,2	-	25,7	25,4	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I16	-	-	/	/	-	-	-	CT	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,8	-	+	-	-	+	PD
I20	22,6	-	22,5	22,4	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I22	-	-	/	/	-	+	+	PCA	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,9	0,0	0,0	15,0	0,0	32,6	+	+	+	-	+	PD
I2	21,9	-	21,8	21,7	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I6	22,2	-	21,6	21,9	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I8	20,2	-	20,2	20,1	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I9	21,6	-	20,7	21,4	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I13	22,0	-	22,1	21,4	+	+	+															Nd	+	+	+	-	ND
I17	19,2	-	19,7	19,1	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I19	20,1	-	19,6	20,1	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA
I23	20,4	-	20,3	20,1	+	+	+															Nd	+	+	+	+	PA

Nd = Not tested

Laboratory **J (ADRIA)**
 Aerobic mesophilic flora: 9,2.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136*																							Alternative Method - GeneDisc®	Agreement		
	PCR Result					Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Indol			Confirmation result	Final Result
	GeneDisc® Plate TOP7		GeneDisc® Plate TOP7											PCR on colonies													
	Stx1	Stx 2	eae	O26	Final result	CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157		O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC					
J1	-	-	-	/	-	-	-																-	-	-	NA	
J3	-	-	-	/	-	-	-																	-	-	-	NA
J5	-	-	-	/	-	-	-																	-	-	-	NA
J12	-	-	-	/	-	-	-																	-	-	-	NA
J15	-	-	-	/	-	-	-																	-	-	-	NA
J18	-	-	-	/	-	-	-																	-	-	-	NA
J21	-	-	-	/	-	-	-																	-	-	-	NA
J24	-	-	44,6	/	-	-	-																	-	-	-	NA
J4	27,8	-	27,3	27,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,3	0,0	0,0	14,6	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
J7	25,8	-	25,7	25,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,6	0,0	13,2	0,0	0,0	13,6	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
J10	28,7	-	28,4	28,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,7	0,0	0,0	15,8	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
J11	23,0	-	22,5	22,8	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,1	0,0	14,5	0,0	0,0	15,9	0,0	32,6	+	+	+	+	-	ND
J14	26,0	-	25,9	25,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,3	0,0	0,0	15,1	0,0	32,1	+	+	+	+	+	PA
J16	27,7	-	27,7	27,6	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,1	0,0	0,0	15,7	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
J20	29,0	-	28,5	28,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	13,3	0,0	0,0	14,9	0,0	33,2	+	+	+	+	+	PA
J22	33,0	-	32,5	32,7	+	+	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,5	0,0	0,0	16,0	0,0	31,4	+	+	+	+	-	ND
J2	20,6	-	20,4	20,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,5	0,0	0,0	14,9	0,0	33,0	+	+	+	+	+	PA
J6	23,1	-	23,3	23,4	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,1	0,0	0,0	15,5	0,0	32,7	+	+	+	+	+	PA
J8	22,0	-	21,9	22,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	16,6	0,0	32,6	+	+	+	+	+	PA
J9	21,2	-	21,1	21,3	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	13,5	0,0	0,0	14,2	0,0	31,6	+	+	+	+	+	PA
J13	24,7	-	24,8	25,1	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,4	0,0	0,0	16,1	0,0	31,7	+	+	+	+	+	PA
J17	23,6	-	23,7	23,9	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	14,9	0,0	0,0	15,4	0,0	31,8	+	+	+	+	+	PA
J19	25,5	-	25,2	25,2	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,3	0,0	0,0	17,2	0,0	32,7	+	+	+	+	+	PA
J23	22,6	-	23,2	23,7	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	13,3	0,0	0,0	14,3	0,0	32,3	+	+	+	+	+	PA

7.3 - ALTERNATIVE METHOD RESULTS - Enrichment

Laboratory **A1**
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁴ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
A1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,4	-	-	-	NA	
A3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA	
A5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	NA	
A12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	-	-	-	NA	
A15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA	
A18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	37,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	-	-	-	NA	
A21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA	
A24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,4	-	-	-	NA	
A4	+	0,0	0,0	0,0	0,0	29,3	0,0	28,9	0,0	0,0	28,8	0,0	31,7	+	+	+	PA	
A7	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,9	0,0	0,0	22,8	0,0	31,0	+	+	+	PD	
A10	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	21,9	0,0	0,0	21,8	0,0	32,7	+	+	+	PA	
A11	-	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	22,5	0,0	0,0	22,2	0,0	32,2	+	+	+	PD	
A14	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	-	-	-	NA	
A16	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,8	0,0	23,7	0,0	0,0	23,4	0,0	31,8	+	+	+	PD	
A20	-	0,0	0,0	0,0	0,0	22,6	0,0	22,7	0,0	0,0	22,2	0,0	31,5	+	+	+	PD	
A22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	21,7	0,0	0,0	21,2	0,0	31,3	+	+	+	PA	
A2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	21,1	0,0	0,0	20,7	0,0	32,3	+	+	+	PA	
A6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,3	0,0	19,9	0,0	0,0	18,8	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,3	0,0	0,0	20,0	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,2	0,0	0,0	20,0	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	20,9	0,0	0,0	20,8	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,4	0,0	0,0	20,5	0,0	31,8	+	+	+	PA	
A19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,9	0,0	0,0	20,8	0,0	32,2	+	+	+	PA	
A23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	21,0	0,0	0,0	20,7	0,0	32,1	+	+	+	PA	

Laboratory **A2**
 Aerobic mesophilic flora: $1,1 \cdot 10^4$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result													Confirmation result	Final result		
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
A27	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA
A30	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	-	-	-	NA
A32	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,4	-	-	-	NA
A34	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA
A37	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA
A41	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	-	-	-	NA
A43	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	NA
A47	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,3	-	-	-	NA
A26	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,4	0,0	25,8	0,0	0,0	27,0	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PA
A29	+	0,0	0,0	0,0	0,0	28,9	0,0	28,0	0,0	0,0	29,5	0,0	0,0	30,6	+	+	+	PA
A31	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	-	-	NA
A33	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,1	0,0	30,1	0,0	0,0	30,1	0,0	0,0	32,1	+	+	+	PD
A35	-	0,0	0,0	0,0	0,0	22,8	0,0	22,8	0,0	0,0	22,5	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PD
A40	-	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	20,7	0,0	0,0	21,7	0,0	0,0	31,3	+	+	+	PD
A44	+	0,0	0,0	0,0	0,0	29,3	0,0	28,3	0,0	0,0	28,6	0,0	0,0	33,1	+	+	+	PA
A45	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,9	0,0	21,8	0,0	0,0	21,5	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PA
A25	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,2	0,0	19,8	0,0	0,0	20,7	0,0	0,0	31,0	+	+	+	PA
A28	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	19,8	0,0	0,0	21,0	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PA
A36	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,6	0,0	20,1	0,0	0,0	19,7	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PA
A38	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,3	0,0	19,9	0,0	0,0	20,9	0,0	0,0	30,7	+	+	+	PA
A39	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	20,0	0,0	0,0	21,0	0,0	0,0	30,9	+	+	+	PA
A42	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,9	0,0	18,9	0,0	0,0	19,3	0,0	0,0	30,7	+	+	+	PA
A46	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,9	0,0	19,4	0,0	0,0	19,9	0,0	0,0	31,8	+	+	+	PA
A48	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,9	0,0	19,5	0,0	0,0	18,9	0,0	0,0	32,2	+	+	+	PA

Laboratory **B1**
 Aerobic mesophilic flora: $2,5 \cdot 10^4$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
B1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B4	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B7	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B10	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,8	0,0	0,0	22,6	0,0	31,3	+	+	+	+	PD
B11	+	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	0,0	32,2	0,0	0,0	33,1	0,0	31,9	+	+	+	+	PA
B14	-	0,0	0,0	0,0	0,0	25,0	0,0	24,6	0,0	0,0	25,4	0,0	31,8	+	+	+	+	PD
B16	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	23,0	0,0	0,0	22,8	0,0	31,5	+	+	+	+	PD
B20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,9	0,0	0,0	22,7	0,0	31,6	+	+	+	+	PA
B22	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,3	0,0	24,0	0,0	0,0	23,9	0,0	31,6	+	+	+	+	PD
B2	-	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	22,2	0,0	0,0	21,8	0,0	31,3	+	+	+	+	PD
B6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	21,9	0,0	0,0	20,6	0,0	32,1	+	+	+	+	PA
B8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,9	0,0	20,7	0,0	0,0	20,5	0,0	31,0	+	+	+	+	PA
B9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,3	0,0	20,0	0,0	0,0	19,8	0,0	31,1	+	+	+	+	PA
B13	-	0,0	0,0	0,0	0,0	21,3	0,0	22,4	0,0	0,0	21,6	0,0	32,1	+	+	+	+	PD
B17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	21,8	0,0	0,0	21,1	0,0	31,5	+	+	+	+	PA
B19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	0,0	21,9	0,0	0,0	22,2	0,0	32,7	+	+	+	+	PA
B23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	21,0	0,0	0,0	20,8	0,0	31,8	+	+	+	+	PA

Laboratory **B2**
Aerobic mesophilic flora: $2,3 \cdot 10^4$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
B27	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B30	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0*	0,0	34,0	0,0	0,0	36,8	0,0	31,4	-	-	-	NA	
B32	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B34	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B37	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B41	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B43	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B47	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B26	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,7	0,0	24,5	0,0	0,0	23,6	0,0	31,1	+	+	+	PD	
B29	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,8	0,0	24,6	0,0	0,0	24,2	0,0	31,4	+	+	+	PD	
B31	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B33	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,9	0,0	24,8	0,0	0,0	23,9	0,0	31,6	+	+	+	PD	
B35	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,5	0,0	23,8	0,0	0,0	23,6	0,0	31,7	+	+	+	PD	
B40	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,3	0,0	24,9	0,0	0,0	24,6	0,0	32,1	+	+	+	PA	
B44	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,7	0,0	22,9	0,0	0,0	22,8	0,0	30,9	+	+	+	PA	
B45	-	0,0	0,0	0,0	0,0	22,0	0,0	22,6	0,0	0,0	21,6	37,9	31,6	+	+	+	PD	
B25	+	0,0	0,0	40,6	0,0	20,3	0,0	19,9	0,0	0,0	19,8	0,0	32,0	+	+	+	PA	
B28	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	21,9	0,0	0,0	21,6	0,0	31,4	+	+	+	PA	
B36	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,6	0,0	20,0	0,0	0,0	19,0	0,0	31,4	+	+	+	PA	
B38	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,9	0,0	0,0	20,7	0,0	31,8	+	+	+	PA	
B39	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,9	0,0	20,8	0,0	0,0	20,1	0,0	31,7	+	+	+	PA	
B42	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	20,8	0,0	0,0	14,1	0,0	32,0	+	+	+	PA	
B46	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	20,8	0,0	0,0	20,5	0,0	31,0	+	+	+	PA	
B48	+	21,7	0,0	0,0	32,5	20,9	0,0	20,7	0,0	0,0	19,8	0,0	29,3	+	+	+	PA	

Laboratory **B3**
 Aerobic mesophilic flora: 2,6.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result													Confirmation result	Final result		
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
B49	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B53	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B55	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B58	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B60	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B66	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B68	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B71	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B50	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B51	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	23,9	0,0	0,0	23,2	0,0	31,8	+	+	+	+	PD
B54	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	24,3	0,0	0,0	23,2	0,0	31,8	+	+	+	+	PD
B59	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,4	0,0	29,8	0,0	0,0	30,5	0,0	31,3	+	+	+	+	PD
B63	-	0,0	0,0	31,7	0,0	24,8	0,0	24,9	0,0	0,0	21,8	0,0	31,7	+	+	+	+	PD
B64	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	-	NA
B69	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,1	0,0	24,0	0,0	0,0	23,6	0,0	31,8	+	+	+	+	PD
B72	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	23,2	0,0	0,0	22,6	0,0	31,7	+	+	+	+	PA
B52	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	0,0	21,8	0,0	0,0	21,5	0,0	31,6	+	+	+	+	PA
B56	-	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	21,6	0,0	0,0	20,8	0,0	31,5	+	+	+	+	PD
B57	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	21,6	0,0	0,0	20,7	0,0	31,6	+	+	+	+	PA
B61	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,6	0,0	21,9	0,0	0,0	21,5	0,0	31,8	+	+	+	+	PA
B62	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	21,9	0,0	0,0	22,5	0,0	31,7	+	+	+	+	PA
B65	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	21,5	0,0	0,0	21,0	0,0	30,8	+	+	+	+	PA
B67	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,8	0,0	0,0	22,5	0,0	32,4	+	+	+	+	PA
B70	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	21,7	0,0	0,0	20,9	0,0	30,9	+	+	+	+	PA

Laboratory **C**
 Aerobic mesophilic flora: 1,6.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result													Confirmation result	Final result		
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
C1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	NA
C3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,4	-	-	-	NA
C5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA
C12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	36,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA
C15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	-	-	-	NA
C18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	NA
C21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,7	-	-	-	NA
C24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	NA
C4	+	0,0	0,0	37,9	0,0	36,5	0,0	36,1	0,0	0,0	36,6	0,0	32,1	+	+	+	PA	
C7	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,1	0,0	26,5	0,0	0,0	26,5	0,0		+	+	+	PA	
C10	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,3	0,0	25,9	0,0	0,0	25,8	0,0	31,8	+	+	+	PA	
C11	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,0	0,0	26,7	0,0	0,0	26,1	0,0	32,0	+	+	+	PA	
C14	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,4	0,0	26,6	0,0	0,0	26,8	0,0	32,3	+	+	+	PA	
C16	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	0,0	30,9	0,0	0,0	30,5	0,0	32,0	+	+	+	PD	
C20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,9	0,0	27,6	0,0	0,0	27,1	0,0	32,0	+	+	+	PA	
C22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	ND	
C2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,7	0,0	23,3	0,0	0,0	22,9	0,0	32,2	+	+	+	PA	
C6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,9	0,0	24,2	0,0	0,0	23,3	0,0	31,6	+	+	+	PA	
C8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,9	0,0	24,2	0,0	0,0	24,3	0,0	31,8	+	+	+	PA	
C9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,3	0,0	0,0	22,5	0,0	31,7	+	+	+	PA	
C13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,0	0,0	25,3	0,0	0,0	24,9	0,0	31,5	+	+	+	PA	
C17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	0,0	23,5	0,0	0,0	23,3	0,0	31,6	+	+	+	PA	
C19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,1	0,0	23,7	0,0	0,0	23,6	0,0	32,0	+	+	+	PA	
C23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,9	0,0	0,0	23,6	0,0	31,5	+	+	+	PA	

Laboratory **D**
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result													Confirmation result	Final result		
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
D1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
D3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	NA
D5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA
D12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
D15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA
D18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA
D21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	27,3	0,0	0,0	0,0	25,6	33,6	-	-	-	NA	
D24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA	
D4	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	19,9	0,0	0,0	20,3	0,0	31,7	+	+	+	PA	
D7	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,3	0,0	19,0	0,0	0,0	20,0	0,0	32,7	+	+	+	PA	
D10	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,5	0,0	18,2	0,0	0,0	19,0	0,0	31,9	+	+	+	PA	
D11	-	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	19,8	0,0	0,0	20,5	0,0	32,5	+	+	+	PD	
D14	-	0,0	0,0	0,0	0,0	18,7	0,0	18,8	0,0	0,0	19,8	0,0	32,2	+	+	+	PD	
D16	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA	
D20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,3	0,0	20,2	0,0	0,0	21,7	0,0	31,6	+	+	+	PA	
D22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	ND	
D2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,8	0,0	18,4	0,0	0,0	19,0	0,0	31,6	+	+	+	PA	
D6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	0,0	17,6	0,0	0,0	18,8	0,0	31,8	+	+	+	PA	
D8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,3	0,0	18,0	0,0	0,0	18,8	0,0	32,3	+	+	+	PA	
D9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,8	0,0	18,4	0,0	0,0	19,3	0,0	31,4	+	+	+	PA	
D13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,2	0,0	18,9	0,0	0,0	19,5	0,0	33,4	+	+	+	PA	
D17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,7	0,0	18,9	0,0	0,0	19,9	0,0	32,0	+	+	+	PA	
D19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,7	0,0	18,7	0,0	0,0	19,3	0,0	32,5	+	+	+	PA	
D23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,5	0,0	19,8	0,0	0,0	20,3	0,0	32,9	+	+	+	PA	

Laboratory **E1**
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result													Confirmation result	Final result		
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
E1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	NA
E3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA
E5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	-	-	-	NA
E12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,6	-	-	-	NA
E15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA
E18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,9	-	-	-	NA
E21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	NA
E24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA
E4	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,3	0,0	24,5	0,0	0,0	24,0	0,0	0,0	31,3	+	+	+	PA
E7	-	0,0	0,0	0,0	0,0	26,8	0,0	26,5	0,0	0,0	26,8	0,0	0,0	32,0	+	+	+	PD
E10	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	23,0	0,0	0,0	23,1	0,0	0,0	32,5	+	+	+	PA
E11	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,2	0,0	23,1	0,0	0,0	23,3	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PD
E14	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,4	0,0	23,9	0,0	0,0	23,2	0,0	0,0	32,2	+	+	+	PA
E16	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,9	0,0	0,0	23,0	0,0	0,0	31,9	+	+	+	PD
E20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,6	0,0	24,3	0,0	0,0	23,8	0,0	0,0	32,1	+	+	+	PA
E22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,4	0,0	27,6	0,0	0,0	26,9	0,0	0,0	32,4	+	+	+	PA
E2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	0,0	21,8	0,0	0,0	21,7	0,0	0,0	32,0	+	+	+	PA
E6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	21,6	0,0	0,0	20,6	0,0	0,0	30,7	+	+	+	PA
E8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,6	0,0	0,0	22,5	0,0	0,0	31,5	+	+	+	PA
E9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	23,6	0,0	0,0	22,3	0,0	0,0	33,6	+	+	+	PA
E13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	21,8	0,0	0,0	21,3	0,0	0,0	32,6	+	+	+	PA
E17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	21,1	0,0	0,0	20,6	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PA
E19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	21,8	0,0	0,0	21,9	0,0	0,0	32,0	+	+	+	PA
E23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,3	0,0	21,5	0,0	0,0	21,2	0,0	0,0	32,0	+	+	+	PA

Laboratory **E2**
Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result													Confirmation result	Final result		
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
E27	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,5	-	+	-	NA
E30	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	+	-	NA
E32	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
E34	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	-	-	-	NA
E37	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	+	-	NA
E41	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA
E43	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA
E47	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	+	-	NA
E26	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,7	0,0	0,0	22,9	0,0	0,0	31,3	+	+	+	PA
E29	-	0,0	0,0	0,0	0,0	21,9	0,0	21,7	0,0	0,0	21,5	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PD
E31	-	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	22,0	0,0	0,0	21,9	0,0	0,0	31,8	+	+	+	PD
E33	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,9	0,0	24,4	0,0	0,0	24,0	0,0	0,0	33,4	+	-	-	NA
E35	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,2	0,0	25,0	0,0	0,0	25,1	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PA
E40	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	23,0	0,0	0,0	23,5	0,0	0,0	31,9	+	-	-	ND
E44	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,4	0,0	23,6	0,0	0,0	22,7	0,0	0,0	32,2	+	-	-	NA
E45	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,9	0,0	0,0	22,6	0,0	0,0	32,5	+	-	-	NA
E25	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	20,0	0,0	0,0	20,0	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PA
E28	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,0	0,0	19,8	0,0	0,0	19,7	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PA
E36	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,6	0,0	0,0	20,0	0,0	0,0	30,9	+	+	+	PA
E38	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,6	0,0	0,0	22,7	0,0	0,0	31,4	+	+	+	PA
E39	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	20,8	0,0	0,0	20,7	0,0	0,0	31,9	+	+	+	PA
E42	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	20,6	0,0	0,0	19,8	0,0	0,0	31,7	+	-	-	ND
E46	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	21,3	0,0	0,0	21,6	0,0	0,0	32,0	+	-	-	ND
E48	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,9	0,0	19,1	0,0	0,0	18,6	0,0	0,0	32,6	+	-	-	ND

Laboratory **F**
Aerobic mesophilic flora: $1,4 \cdot 10^5$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
F1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,4	-	-	-	NA	
F3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA	
F5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
F12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	25,9	0,0	25,7	0,0	0,0	24,6	0,0	31,1	+	-	-	PPNA	
F15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
F18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA	
F21	-	22,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	NA	
F24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA	
F4	-	0,0	0,0	0,0	0,0	27,6	0,0	27,0	0,0	0,0	26,8	0,0	31,7	+	+	+	PD	
F7	+	0,0	0,0	33,3	32,6	24,8	0,0	24,0	0,0	31,7	23,8	0,0	32,3	+	+	+	PA	
F10	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,9	0,0	0,0	22,3	0,0	30,5	+	+	+	PD	
F11	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,2	0,0	24,8	0,0	0,0	24,5	0,0	31,0	+	+	+	PA	
F14	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	36,7	22,7	0,0	0,0	22,1	0,0	31,9	+	+	+	PA	
F16	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,2	0,0	22,8	0,0	0,0	22,2	0,0	31,8	+	+	+	PA	
F20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	0,0	23,8	0,0	0,0	23,3	0,0	32,2	+	+	+	PA	
F22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,9	0,0	23,6	0,0	0,0	23,1	0,0	32,0	+	+	+	PA	
F2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,9	0,0	24,8	0,0	0,0	24,0	0,0	31,8	+	+	+	PA	
F6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	22,8	0,0	0,0	21,4	0,0	31,5	+	+	+	PA	
F8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,4	0,0	22,6	0,0	0,0	21,6	0,0	31,7	+	+	+	PA	
F9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,0	0,0	21,8	0,0	0,0	21,5	0,0	31,8	+	+	+	PA	
F13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	20,9	0,0	0,0	20,8	0,0	33,1	+	+	+	PA	
F17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,8	0,0	0,0	20,3	0,0	31,8	+	+	+	PA	
F19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	21,8	0,0	0,0	21,7	0,0	31,5	+	+	+	PA	
F23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,8	0,0	21,1	0,0	0,0	20,9	0,0	31,6	+	+	+	PA	

Laboratory **G1**
 Aerobic mesophilic flora: $2,7 \cdot 10^3$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result													PCR final result				
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC						
G1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	29,7	0,0	29,1	0,0	0,0	29,2	0,0	31,7	+	-	-	NA		
G3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	29,1	0,0	30,1	0,0	0,0	29,6	0,0	32,0	+	+	+	PD		
G5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	0,0	30,5	0,0	0,0	29,8	0,0	31,6	+	+	+	PD		
G12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,9	0,0	31,5	-	+	-	NA		
G15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,8	-	+	-	NA		
G18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	36,3	0,0	33,5	-	+	-	NA		
G21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	36,9	0,0	32,8	-	+	-	NA		
G24	+	20,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,4	0,0	0,0	0,0	29,0	33,6	O103	+	-	ND		
G4	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	21,4	0,0	0,0	20,7	0,0	31,6	+	+	+	PA		
G7	-	0,0	0,0	0,0	0,0	20,7	0,0	20,2	0,0	0,0	19,8	0,0	31,1	+	+	+	PD		
G10	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,3	0,0	0,0	20,1	0,0	31,8	+	+	+	PA		
G11	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	21,0	0,0	0,0	20,6	0,0	31,8	+	+	+	PA		
G14	+	18,9	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	20,7	36,3	0,0	20,2	0,0	31,7	+	+	+	PA		
G16	+	34,6	0,0	0,0	20,5	22,3	0,0	22,0	0,0	0,0	21,6	0,0	31,9	+	+	+	PA		
G20	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,6	0,0	30,0	0,0	0,0	29,2	38,2	32,9	+	+	+	PD		
G22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	20,9	0,0	0,0	20,2	0,0	32,6	+	+	+	PA		
G2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,3	0,0	19,0	0,0	0,0	19,1	0,0	32,5	+	+	+	PA		
G6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,5	0,0	19,0	0,0	0,0	18,2	0,0	32,4	+	+	+	PA		
G8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,7	0,0	19,4	0,0	0,0	19,6	0,0	32,0	+	+	+	PA		
G9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,7	0,0	19,4	0,0	0,0	19,6	0,0	32,0	+	+	+	PA		
G13	+	0,0	21,2	20,6	24,0	19,8	16,2	18,6	21,8	19,8	18,8	20,9	20,3	+	+	+	PA		
G17	+	0,0	0,0	29,1	0,0	20,7	0,0	19,2	0,0	0,0	19,6	0,0	32,3	+	+	+	PA		
G19	+	30,0	0,0	0,0	0,0	19,8	0,0	19,4	0,0	0,0	19,2	0,0	33,5	+	+	+	PA		
G23	+	25,7	0,0	17,1	0,0	20,3	0,0	19,6	0,0	0,0	19,1	0,0	32,8	+	+	+	PA		

Laboratory **G2**
 Aerobic mesophilic flora: $1,8 \cdot 10^3$ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
G27	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	+	-	NA	
G30	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	+	-	NA	
G32	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	+	-	NA	
G34	-	0,0	0,0	0,0	0,0	36,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	+	-	NA	
G37	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,2	0,0	24,0	0,0	0,0	23,6	0,0	31,7	+	-	-	NA	
G41	-	0,0	0,0	17,5	0,0	0,0	0,0	30,9	0,0	0,0	30,8	0,0	32,0	-	+	-	NA	
G43	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	+	-	NA	
G47	-	22,5	0,0	29,4	33,0	0,0	0,0	29,0	37,5	0,0	0,0	28,0	31,6	-	+	-	NA	
G26	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,6	0,0	22,2	0,0	0,0	21,7	0,0	32,0	+	+	+	PA	
G29	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,7	0,0	23,2	0,0	0,0	22,7	0,0	32,4	+	+	+	PA	
G31	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,9	0,0	0,0	22,6	0,0	32,7	+	+	+	PA	
G33	-	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	21,1	0,0	0,0	20,5	0,0	32,1	+	+	+	PD	
G35	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	23,3	0,0	0,0	22,6	0,0	32,6	+	+	+	PA	
G40	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,0	0,0	35,7	0,0	0,0	34,1	0,0	31,7	+	+	+	PD	
G44	+	25,4	0,0	31,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,7	0,0	32,3	-	+	-	ND	
G45	-	30,9	0,0	31,1	39,5	21,2	0,0	20,5	0,0	0,0	19,8	0,0	31,7	+	+	+	PD	
G25	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,6	0,0	19,8	0,0	0,0	19,5	0,0	32,2	+	+	+	PA	
G28	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,9	0,0	20,4	0,0	0,0	19,9	0,0	31,6	+	+	+	PA	
G36	+	0,0	0,0	30,4	0,0	18,5	0,0	19,1	0,0	0,0	18,0	0,0	31,7	+	+	+	PA	
G38	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,1	0,0	18,5	0,0	0,0	18,6	0,0	32,1	+	+	+	PA	
G39	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,2	0,0	19,1	0,0	0,0	18,9	0,0	31,7	+	+	+	PA	
G42	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,5	0,0	18,4	0,0	0,0	17,8	0,0	31,9	+	+	+	PA	
G46	+	0,0	0,0	21,4	34,1	19,5	0,0	18,8	31,4	0,0	18,1	0,0	32,8	+	+	+	PA	
G48	+	0,0	0,0	29,7	0,0	18,9	0,0	19,3	33,1	0,0	18,3	0,0	32,0	+	+	+	PA	

Laboratory **H**
 Aerobic mesophilic flora: 1,9.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
H1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
H3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA	
H5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA	
H12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA	
H15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	NA	
H18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	NA	
H21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA	
H24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA	
H4	+	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	ND	
H7	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,2	0,0	0,0	22,2	0,0	32,2	+	+	+	PA	
H10	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	21,2	0,0	0,0	21,3	0,0	32,3	+	+	+	PA	
H11	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	23,3	0,0	0,0	23,4	0,0	32,0	+	+	+	PA	
H14	-	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	23,6	0,0	0,0	23,5	0,0	32,5	+	+	+	PD	
H16	-	0,0	0,0	0,0	0,0	28,4	0,0	27,8	0,0	0,0	28,1	0,0	32,1	+	+	+	PD	
H20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	21,3	0,0	0,0	21,3	0,0	32,3	+	+	+	PA	
H22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,1	0,0	0,0	20,2	0,0	31,6	+	+	+	PA	
H2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	19,9	0,0	0,0	20,4	0,0	31,2	+	+	+	PA	
H6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,6	0,0	18,6	0,0	0,0	19,4	0,0	31,9	+	+	+	PA	
H8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,4	0,0	0,0	20,2	0,0	32,1	+	+	+	PA	
H9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,4	0,0	19,2	0,0	0,0	19,2	0,0	33,0	+	+	+	PA	
H13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,6	0,0	19,4	0,0	0,0	19,6	0,0	32,4	+	+	+	PA	
H17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	19,9	0,0	0,0	20,0	0,0	32,7	+	+	+	PA	
H19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,7	0,0	19,2	0,0	0,0	19,6	0,0	31,9	+	+	+	PA	
H23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,6	0,0	19,2	0,0	0,0	19,4	0,0	31,7	+	+	+	PA	

Laboratory I
Aerobic mesophilic flora: 3,3.10⁸ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
I1	-	0,0	0,0	27,6	0,0	0,0	0,0	0,0	35,9	0,0	19,9	0,0	30,9	-	-	-	NA	
I3	-	0,0	32,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	29,6	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA	
I5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	-	-	NA	
I12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	+	-	NA	
I15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	NA	
I18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	+	-	NA	
I21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
I24	+	0,0	0,0	26,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	ND	
I4	+	36,4	0,0	31,3	0,0	23,3	0,0	23,0	0,0	0,0	22,6	0,0	31,5	+	+	+	PA	
I7	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	0,0	22,7	32,9	0,0	21,9	31,7	31,3	+	+	+	PA	
I10	-	0,0	0,0	0,0	26,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
I11	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	21,9	0,0	0,0	22,7	0,0	31,2	+	+	+	PA	
I14	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,1	0,0	23,8	0,0	0,0	24,0	0,0	32,7	+	+	+	PA	
I16	-	0,0	0,0	0,0	0,0	24,4	0,0	23,8	0,0	0,0	23,8	0,0	32,0	+	+	+	PD	
I20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	23,2	0,0	0,0	22,8	0,0	31,6	+	+	+	PA	
I22	-	0,0	0,0	0,0	0,0	28,0	0,0	27,8	0,0	0,0	29,5	0,0	31,9	+	+	+	PD	
I2	+	0,0	0,0	29,6	0,0	20,5	0,0	20,7	0,0	0,0	20,3	0,0	31,7	+	+	+	PA	
I6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,9	0,0	21,7	0,0	0,0	20,6	0,0	30,9	+	+	+	PA	
I8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	16,2	20,3	0,0	30,8	19,6	15,4	32,1	+	+	+	PA	
I9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	20,2	0,0	0,0	19,8	0,0	31,3	+	+	+	PA	
I13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	0,0	22,4	0,0	32,6	-	+	-	ND	
I17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,2	0,0	20,4	0,0	0,0	20,0	0,0	31,9	+	+	+	PA	
I19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	21,0	0,0	0,0	21,3	0,0	31,8	+	+	+	PA	
I23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	22,1	0,0	0,0	21,8	0,0	31,8	+	+	+	PA	

Laboratory **J (ADRIA)**
 Aerobic mesophilic flora: 9,2.10⁴ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136*	Alternative Method - GeneDisc® Plate														Confirmation result	Final result	Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result																
		O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR final result				
J1	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	NA	
J3	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	NA	
J5	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,8	-	-	-	NA	
J12	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
J15	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,5	-	-	-	NA	
J18	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,6	-	-	-	NA	
J21	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,5	-	-	-	NA	
J24	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	NA	
J4	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	22,9	0,0	0,0	24,2	0,0	31,6	+	+	+	PA	
J7	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	21,1	0,0	0,0	21,7	0,0	32,9	+	+	+	PA	
J10	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,0	0,0	23,8	0,0	0,0	23,9	0,0	31,0	+	+	+	PA	
J11	+	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	ND	
J14	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,0	0,0	22,2	0,0	0,0	22,3	0,0	32,5	+	+	+	PA	
J16	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,8	0,0	22,4	0,0	0,0	23,0	0,0	32,0	+	+	+	PA	
J20	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,5	0,0	23,7	0,0	0,0	24,2	0,0	32,5	+	+	+	PA	
J22	+	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	ND	
J2	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	21,3	0,0	0,0	21,9	0,0	31,7	+	+	+	PA	
J6	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,7	0,0	20,1	0,0	0,0	19,7	0,0	31,6	+	+	+	PA	
J8	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,4	0,0	0,0	20,8	0,0	31,6	+	+	+	PA	
J9	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,7	0,0	20,2	0,0	0,0	20,1	0,0	32,4	+	+	+	PA	
J13	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,3	0,0	0,0	20,7	0,0	32,0	+	+	+	PA	
J17	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,5	0,0	19,2	0,0	0,0	19,8	0,0	31,1	+	+	+	PA	
J19	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,8	0,0	0,0	20,7	0,0	31,7	+	+	+	PA	
J23	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	20,1	0,0	0,0	20,6	0,0	32,2	+	+	+	PA	

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation

7. 4 - ALTERNATIVE METHOD RESULTS - IMS

Laboratory A1

Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁴ CFU/g

N° Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Confirmation result		Final result
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result				
A1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	NA
A3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,7	-	-	-	NA
A5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	NA
A12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	NA
A15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA
A18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	-	-	-	NA
A21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA
A24	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA
A4	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,1	0,0	24,6	0,0	0,0	24,9	0,0	32,2	+	+	+	PA	
A7	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,6	0,0	0,0	21,6	0,0	31,9	+	+	+	PD	
A10	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	20,8	0,0	0,0	22,2	0,0	30,8	+	+	+	PA	
A11	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,0	0,0	21,7	0,0	0,0	23,4	0,0	32,0	+	+	+	PD	
A14	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA	
A16	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	20,9	0,0	0,0	22,8	0,0	30,7	+	+	+	PD	
A20	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	20,8	0,0	0,0	21,1	0,0	31,7	+	+	+	PD	
A22	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	20,7	0,0	0,0	21,0	0,0	31,8	+	+	+	PA	
A2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	19,9	0,0	0,0	20,9	0,0	32,7	+	+	+	PA	
A6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,9	0,0	0,0	21,2	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,3	0,0	19,8	0,0	0,0	21,6	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,7	0,0	0,0	21,7	0,0	32,0	+	+	+	PA	
A13	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,2	0,0	19,7	0,0	0,0	21,8	0,0	31,3	+	+	+	PA	
A17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,9	0,0	20,7	0,0	0,0	22,4	0,0	31,4	+	+	+	PA	
A19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	20,9	0,0	0,0	22,0	0,0	32,6	+	+	+	PA	
A23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,0	0,0	19,8	0,0	0,0	20,4	0,0	31,6	+	+	+	PA	

Laboratory A2

Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	GeneDisc® TOP7 PCR result	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Confirmation result	Final result	Agreement
			Confirmation																	
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																	
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result					
A27	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA	
A30	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,4	-	-	-	NA	
A32	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
A34	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA	
A37	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	NA	
A41	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA	
A43	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA	
A47	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,9	-	-	-	NA	
A26	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	21,5	0,0	0,0	22,8	0,0	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A29	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	0,0	23,8	0,0	0,0	25,1	0,0	0,0	31,5	+	+	+	PA	
A31	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA	
A33	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,6	0,0	25,1	0,0	0,0	25,6	0,0	0,0	32,0	+	+	+	PD	
A35	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,6	0,0	22,6	0,0	0,0	22,8	0,0	0,0	31,9	+	+	+	PD	
A40	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,4	0,0	21,7	0,0	0,0	22,1	0,0	0,0	31,8	+	+	+	PD	
A44	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,6	0,0	23,8	0,0	0,0	25,8	0,0	0,0	31,8	+	+	+	PA	
A45	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	23,6	0,0	0,0	24,4	0,0	0,0	31,5	+	+	+	PA	
A25	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,2	0,0	19,7	0,0	0,0	21,8	0,0	0,0	32,7	+	+	+	PA	
A28	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,5	0,0	19,0	0,0	0,0	20,7	0,0	0,0	31,1	+	+	+	PA	
A36	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,2	0,0	19,2	0,0	0,0	19,5	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PA	
A38	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	21,8	0,0	0,0	22,7	0,0	0,0	32,4	+	+	+	PA	
A39	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,6	0,0	20,9	0,0	0,0	21,7	0,0	0,0	32,6	+	+	+	PA	
A42	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,0	0,0	0,0	20,6	0,0	0,0	31,7	+	+	+	PA	
A46	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,7	0,0	20,6	0,0	0,0	21,7	0,0	0,0	31,5	+	+	+	PA	
A48	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	20,6	0,0	0,0	21,6	0,0	0,0	31,1	+	+	+	PA	

Laboratory B1

Aerobic mesophilic flora: $2,5 \cdot 10^4$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Confirmation result		Final result
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result				
B1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B24	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B4	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B7	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B10	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	21,9	0,0	0,0	22,3	0,0	31,6	+	+	+	+	PD
B11	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	0,0	31,7	0,0	0,0	31,8	0,0	31,5	+	+	+	+	PA
B14	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,9	0,0	23,6	0,0	0,0	23,4	0,0	31,0	+	+	+	+	PD
B16	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	21,7	0,0	0,0	21,8	0,0	31,5	+	+	+	+	PD
B20	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,4	0,0	21,9	0,0	0,0	21,8	0,0	32,9	+	+	+	+	PA
B22	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	23,0	0,0	0,0	22,9	0,0	33,1	+	+	+	+	PD
B2	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,8	0,0	21,6	0,0	0,0	21,9	0,0	31,7	+	+	+	+	PD
B6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,8	0,0	21,0	0,0	0,0	20,4	0,0	31,6	+	+	+	+	PA
B8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,9	0,0	20,8	0,0	0,0	20,6	0,0	31,5	+	+	+	+	PA
B9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,8	0,0	0,0	21,7	0,0	31,4	+	+	+	+	PA
B13	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	20,9	0,0	0,0	20,8	0,0	31,7	+	+	+	+	PD
B17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,9	0,0	21,6	0,0	0,0	21,5	0,0	31,1	+	+	+	+	PA
B19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,8	0,0	21,2	0,0	0,0	22,2	0,0	31,7	+	+	+	+	PA
B23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	21,3	0,0	0,0	22,9	0,0	32,5	+	+	+	+	PA

Laboratory B2

Aerobic mesophilic flora: $2,3 \cdot 10^4$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result		
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result			
B27	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B30	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B32	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B34	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B37	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B41	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B43	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B47	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B26	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,8	0,0	0,0	22,8	0,0	32,4	+	+	+	+	PD
B29	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,9	0,0	24,5	0,0	0,0	24,0	0,0	30,7	+	+	+	+	PD
B31	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	-	NA
B33	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,8	0,0	24,7	0,0	0,0	23,9	0,0	31,0	+	+	+	+	PD
B35	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,0	0,0	23,6	0,0	0,0	23,8	0,0	31,1	+	+	+	+	PD
B40	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,1	0,0	23,7	0,0	0,0	23,6	0,0	31,5	+	+	+	+	PA
B44	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	22,7	0,0	0,0	21,9	0,0	31,8	+	+	+	+	PA
B45	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	22,0	0,0	0,0	21,3	0,0	31,4	+	+	+	+	PD
B25	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	21,9	0,0	0,0	21,9	0,0	31,5	+	+	+	+	PA
B28	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,4	0,0	22,8	0,0	0,0	22,6	0,0	31,7	+	+	+	+	PA
B36	+	+	0,0	0,0	27,1	0,0	21,1	0,0	21,7	0,0	0,0	21,0	0,0	31,0	+	+	+	+	PA
B38	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	20,8	0,0	0,0	21,0	0,0	31,1	+	+	+	+	PA
B39	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	21,5	0,0	0,0	22,2	0,0	31,3	+	+	+	+	PA
B42	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	21,9	0,0	0,0	20,7	0,0	31,2	+	+	+	+	PA
B46	+	+	0,0	0,0	28,2	0,0	22,1	0,0	21,1	0,0	0,0	21,1	0,0	31,2	+	+	+	+	PA
B48	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,8	0,0	21,3	0,0	0,0	20,2	0,0	32,0	+	+	+	+	PA

Laboratory B3

Aerobic mesophilic flora: 2,6.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result		
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result			
B49	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B53	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B55	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B58	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B60	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B66	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B68	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B71	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B50	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B51	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,3	0,0	23,9	0,0	0,0	23,9	0,0	31,8	+	+	+	+	PD
B54	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,7	0,0	0,0	21,8	0,0	31,2	+	+	+	+	PD
B59	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	0,0	29,9	0,0	0,0	30,5	0,0	32,0	+	+	+	+	PD
B63	-	+	21,4	0,0	0,0	0,0	24,6	0,0	23,9	0,0	0,0	24,0	0,0	32,0	+	+	+	+	PD
B64	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	-	NA
B69	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,8	0,0	23,2	0,0	0,0	23,1	0,0	31,4	+	+	+	+	PD
B72	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	23,6	0,0	0,0	22,8	0,0	31,6	+	+	+	+	PA
B52	+	+	0,0	0,0	38,1	0,0	22,0	0,0	21,8	0,0	0,0	22,0	0,0	31,9	+	+	+	+	PA
B56	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	22,1	0,0	0,0	22,5	0,0	31,6	+	+	+	+	PD
B57	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,9	0,0	21,7	0,0	0,0	21,5	0,0	31,8	+	+	+	+	PA
B61	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	22,9	0,0	0,0	22,5	0,0	32,6	+	+	+	+	PA
B62	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,9	0,0	22,7	0,0	0,0	22,2	0,0	32,6	+	+	+	+	PA
B65	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,4	0,0	22,3	0,0	0,0	21,8	0,0	31,4	+	+	+	+	PA
B67	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	22,1	0,0	0,0	22,3	0,0	31,8	+	+	+	+	PA
B70	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,9	0,0	22,2	0,0	0,0	22,5	0,0	32,0	+	+	+	+	PA

Laboratory **C**Aerobic mesophilic flora: $1,6 \cdot 10^5$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result		
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result			
C1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	NA
C3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,5	-	-	-	NA
C5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,7	-	-	-	NA
C12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	41,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	NA
C15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	NA
C18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,6	-	-	-	NA
C21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
C24	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,6	-	-	-	NA
C4	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	33,9	0,0	33,1	0,0	0,0	32,7	0,0	32,2	+	+	+	PA	
C7	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,4	0,0	27,5	0,0	0,0	26,7	0,0	31,9	+	+	+	PA	
C10	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,1	0,0	25,8	0,0	0,0	25,5	0,0	31,3	+	+	+	PA	
C11	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	30,1	0,0	29,6	0,0	0,0	29,6	0,0	31,7	+	+	+	PA	
C14	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,3	0,0	26,8	0,0	0,0	26,7	0,0	32,6	+	+	+	PA	
C16	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	28,0	0,0	27,1	0,0	0,0	27,2	0,0	31,8	+	+	+	PD	
C20	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,5	0,0	24,9	0,0	0,0	24,8	0,0	32,8	+	+	+	PA	
C22	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	ND	
C2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,7	0,0	23,8	0,0	0,0	23,6	0,0	32,8	+	+	+	PA	
C6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,6	0,0	25,6	0,0	0,0	23,8	0,0	32,2	+	+	+	PA	
C8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,9	0,0	22,1	0,0	0,0	22,1	0,0	31,9	+	+	+	PA	
C9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,2	0,0	23,0	0,0	0,0	22,6	0,0	32,3	+	+	+	PA	
C13	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,5	0,0	25,6	0,0	0,0	25,1	0,0	32,6	+	+	+	PA	
C17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,7	0,0	0,0	22,8	0,0	31,6	+	+	+	PA	
C19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,9	0,0	0,0	22,8	0,0	31,4	+	+	+	PA	
C23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	22,9	0,0	0,0	22,9	0,0	31,7	+	+	+	PA	

Laboratory D

Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result		
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result			
D1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,5	-	-	-	NA
D3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,0	-	-	-	NA
D5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	NA
D12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	-	-	-	NA
D15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,8	-	-	-	NA
D18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
D21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,5	-	-	-	NA
D24	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,7	-	-	-	NA
D4	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,2	0,0	26,8	0,0	0,0	27,3	0,0	32,3	+	+	+	PA	
D7	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,1	0,0	25,7	0,0	0,0	26,6	0,0	32,7	+	+	+	PA	
D10	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,1	0,0	25,9	0,0	0,0	26,7	0,0	31,6	+	+	+	PA	
D11	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,9	0,0	26,7	0,0	0,0	27,5	0,0	32,7	+	+	+	PD	
D14	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,9	0,0	26,6	0,0	0,0	26,9	0,0	31,9	+	+	+	PD	
D16	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA	
D20	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,6	0,0	26,1	0,0	0,0	27,1	0,0	32,1	+	+	+	PA	
D22	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	ND	
D2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,9	0,0	27,7	0,0	0,0	29,6	0,0	33,0	+	+	+	PA	
D6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,6	0,0	25,8	0,0	0,0	26,7	0,0	31,5	+	+	+	PA	
D8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,8	0,0	26,0	0,0	0,0	26,9	0,0	31,4	+	+	+	PA	
D9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	28,5	0,0	28,6	0,0	0,0	29,2	0,0	31,9	+	+	+	PA	
D13	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	28,0	0,0	27,6	0,0	0,0	28,5	0,0	32,7	+	+	+	PA	
D17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	29,0	0,0	28,6	0,0	0,0	29,9	0,0	32,0	+	+	+	PA	
D19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,6	0,0	25,7	0,0	0,0	27,1	0,0	32,6	+	+	+	PA	
D23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,7	0,0	26,9	0,0	0,0	27,8	0,0	31,9	+	+	+	PA	

Laboratory E1

Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Confirmation result		Final result
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result				
E1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	36,7	0,0	34,1	0,0	0,0	37,0	0,0	32,5	+	-	-	NA	
E3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,6	0,0	34,6	0,0	0,0	34,9	0,0	32,3	+	-	-	NA	
E5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,9	0,0	34,2	0,0	0,0	34,7	0,0	32,1	+	-	-	NA	
E12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	32,5	0,0	32,5	0,0	0,0	33,0	0,0	31,5	+	-	-	NA	
E15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	0,0	33,2	0,0	0,0	33,3	0,0	32,8	+	-	-	NA	
E18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	0,0	30,7	0,0	0,0	31,5	0,0	31,9	+	-	-	NA	
E21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	33,6	0,0	34,0	0,0	0,0	34,0	0,0	32,9	+	-	-	NA	
E24	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	0,0	33,2	0,0	0,0	33,2	0,0	31,6	+	-	-	NA	
E4	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	23,2	0,0	0,0	23,2	0,0	32,9	+	+	+	PA	
E7	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,7	0,0	0,0	23,0	0,0	32,0	+	+	+	PD	
E10	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,2	0,0	19,0	0,0	0,0	19,8	0,0	31,9	+	+	+	PA	
E11	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,9	0,0	22,6	0,0	0,0	23,0	0,0	31,6	+	+	+	PD	
E14	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	22,0	0,0	0,0	22,7	0,0	32,0	+	+	+	PA	
E16	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	0,0	24,0	0,0	0,0	24,5	0,0	31,8	+	+	+	PD	
E20	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,8	0,0	0,0	23,3	0,0	31,8	+	+	+	PA	
E22	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,9	0,0	20,0	0,0	0,0	20,3	0,0	31,6	+	+	+	PA	
E2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,6	0,0	22,1	0,0	0,0	22,6	0,0	32,0	+	+	+	PA	
E6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,4	0,0	0,0	22,9	0,0	31,7	+	+	+	PA	
E8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,0	34,8	18,8	0,0	0,0	18,9	0,0	33,0	+	+	+	PA	
E9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	20,9	0,0	0,0	21,7	0,0	31,9	+	+	+	PA	
E13	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,7	0,0	24,9	0,0	0,0	26,5	0,0	32,6	+	+	+	PA	
E17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,6	0,0	24,0	0,0	0,0	24,9	0,0	33,3	+	+	+	PA	
E19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,2	0,0	22,8	0,0	0,0	23,7	0,0	32,0	+	+	+	PA	
E23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	20,8	0,0	0,0	21,5	0,0	31,6	+	+	+	PA	

Laboratory E2

Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result	
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads															
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result		
E27	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	32,6	0,0	32,0	0,0	0,0	31,8	0,0	32,3	+	+	-	NA
E30	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	0,0	31,0	0,0	0,0	30,5	0,0	32,1	+	+	-	NA
E32	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,9	0,0	0,0	35,5	0,0	31,8	-	-	-	NA
E34	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	33,8	0,0	33,2	0,0	0,0	33,6	0,0	33,4	+	-	-	NA
E37	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,6	0,0	30,0	0,0	0,0	30,6	0,0	31,7	+	+	-	NA
E41	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,4	0,0	32,3	0,0	0,0	33,6	0,0	32,1	+	-	-	NA
E43	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,6	0,0	33,5	0,0	0,0	34,3	0,0	32,0	+	-	-	NA
E47	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,0	0,0	30,6	0,0	0,0	30,6	0,0	33,6	+	+	-	NA
E26	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,0	0,0	24,6	0,0	0,0	24,7	0,0	32,2	+	+	+	PA
E29	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,0	0,0	24,6	0,0	0,0	24,5	0,0	31,9	+	+	+	PD
E31	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,2	0,0	26,7	0,0	0,0	25,8	0,0	31,2	+	+	+	PD
E33	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,5	0,0	25,0	0,0	0,0	24,9	0,0	32,4	+	-	-	NA
E35	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,8	0,0	23,8	0,0	0,0	24,1	0,0	31,9	+	+	+	PA
E40	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,8	0,0	27,1	0,0	0,0	27,4	0,0	31,7	+	-	-	ND
E44	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,1	0,0	24,8	0,0	0,0	24,8	0,0	32,6	+	-	-	NA
E45	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,1	0,0	25,1	0,0	0,0	24,9	0,0	32,6	+	-	-	NA
E25	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,0	0,0	23,7	0,0	0,0	23,4	0,0	32,3	+	+	+	PA
E28	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	21,9	0,0	0,0	21,9	0,0	31,6	+	+	+	PA
E36	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	0,0	22,8	0,0	0,0	22,1	0,0	31,1	+	+	+	PA
E38	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,3	0,0	24,8	0,0	0,0	24,8	0,0	31,5	+	+	+	PA
E39	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,0	0,0	24,7	0,0	0,0	24,6	0,0	32,4	+	+	+	PA
E42	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,1	0,0	24,6	0,0	0,0	24,1	0,0	31,0	+	-	-	ND
E46	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,4	0,0	25,3	0,0	0,0	25,7	0,0	33,6	+	-	-	ND
E48	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,0	0,0	24,0	0,0	0,0	23,9	0,0	31,9	+	-	-	ND

Laboratory F

Aerobic mesophilic flora: $1,4 \cdot 10^5$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result		
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result			
F1	-	-															-	-	NA
F3	-	-															-	-	NA
F5	-	-															-	-	NA
F12	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	27,0	0,0	27,8	0,0	0,0	27,5	41,0	31,8	+	-	-	PPNA	
F15	-	-															-	-	NA
F18	-	-															-	-	NA
F21	-	-															-	-	NA
F24	-	-															-	-	NA
F4	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	0,0	23,2	0,0	0,0	23,4	0,0	32,1	+	+	+	PD	
F7	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	0,0	21,2	0,0	0,0	21,2	0,0	32,3	+	+	+	PA	
F10	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,4	0,0	21,7	0,0	0,0	21,8	0,0	32,1	+	+	+	PD	
F11	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	21,9	0,0	0,0	21,9	0,0	32,3	+	+	+	PA	
F14	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,8	0,0	22,0	0,0	0,0	22,0	0,0	32,5	+	+	+	PA	
F16	+	+	28,8	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	21,9	0,0	0,0	21,1	0,0	31,3	+	+	+	PA	
F20	+	+	32,1	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	23,1	0,0	0,0	23,0	0,0	31,6	+	+	+	PA	
F22	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,3	0,0	22,7	0,0	0,0	22,3	0,0	33,0	+	+	+	PA	
F2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,4	0,0	21,9	0,0	0,0	21,6	0,0	33,3	+	+	+	PA	
F6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	21,7	0,0	0,0	21,1	0,0	32,8	+	+	+	PA	
F8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	21,0	0,0	0,0	20,6	0,0	32,5	+	+	+	PA	
F9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	21,7	0,0	0,0	20,7	0,0	32,8	+	+	+	PA	
F13	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,8	0,0	21,6	0,0	0,0	20,9	0,0	31,7	+	+	+	PA	
F17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	21,2	0,0	0,0	21,7	0,0	32,5	+	+	+	PA	
F19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,1	0,0	0,0	22,4	0,0	32,6	+	+	+	PA	
F23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,3	0,0	22,0	0,0	0,0	21,6	0,0	32,5	+	+	+	PA	

Laboratory G1

Aerobic mesophilic flora: 2,7.10³ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate															Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation															Final result
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads															
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result		
G1	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	30,7	0,0	30,2	0,0	0,0	30,2	0,0	31,6	+	-	-	NA
G3	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	30,5	0,0	29,9	0,0	0,0	30,0	0,0	31,6	+	+	+	PD
G5	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	29,7	0,0	29,3	0,0	0,0	29,6	0,0	32,1	+	+	+	PD
G12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,2	0,0	29,1	0,0	0,0	29,5	0,0	30,7	+	+	-	NA
G15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	0,0	31,2	0,0	0,0	31,1	0,0	32,0	+	+	-	NA
G18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,3	0,0	29,3	0,0	0,0	29,3	0,0	31,7	+	+	-	NA
G21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	26,2	0,0	26,1	0,0	0,0	26,4	0,0	31,9	+	+	-	NA
G24	+	O103	0,0	0,0	0,0	0,0	26,5	0,0	25,9	0,0	0,0	25,7	0,0	31,2	+	+	-	ND
G4	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	23,0	0,0	0,0	22,8	0,0	32,0	+	+	+	PA
G7	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	19,9	0,0	0,0	19,8	0,0	32,3	+	+	+	PD
G10	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,2	0,0	0,0	20,8	0,0	31,9	+	+	+	PA
G11	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	21,0	0,0	0,0	20,8	0,0	31,8	+	+	+	PA
G14	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,0	0,0	0,0	19,9	0,0	31,9	+	+	+	PA
G16	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	20,9	0,0	0,0	20,8	0,0	31,8	+	+	+	PA
G20	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,6	0,0	23,9	0,0	0,0	24,2	0,0	31,9	+	+	+	PD
G22	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,0	0,0	21,2	0,0	0,0	22,2	0,0	32,6	+	+	+	PA
G2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,2	0,0	0,0	20,7	0,0	31,7	+	+	+	PA
G6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,0	0,0	18,3	0,0	0,0	18,6	0,0	32,4	+	+	+	PA
G8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	19,4	0,0	0,0	19,6	0,0	31,8	+	+	+	PA
G9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	19,9	0,0	0,0	19,8	0,0	32,3	+	+	+	PA
G13	+	+	30,4	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,2	0,0	0,0	20,5	0,0	32,0	+	+	+	PA
G17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,1	0,0	20,3	0,0	0,0	20,6	0,0	31,9	+	+	+	PA
G19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,7	0,0	19,1	0,0	0,0	19,2	0,0	31,8	+	+	+	PA
G23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,9	0,0	21,0	0,0	0,0	21,3	0,0	32,6	+	+	+	PA

Laboratory G2

Aerobic mesophilic flora: $1,8.10^3$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation																Final result
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result			
G27	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,0	0,0	29,4	0,0	0,0	29,8	0,0	31,9	+	+	-	NA	
G30	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	29,7	0,0	29,0	0,0	0,0	29,4	0,0	32,2	+	+	-	NA	
G32	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	0,0	31,2	0,0	0,0	30,9	0,0	31,9	+	+	-	NA	
G34	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,3	0,0	30,4	0,0	0,0	31,1	0,0	32,2	+	+	-	NA	
G37	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	32,8	0,0	31,5	0,0	0,0	31,6	0,0	32,1	+	-	-	NA	
G41	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	29,8	0,0	29,1	0,0	0,0	29,5	0,0	31,9	+	+	-	NA	
G43	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	33,3	0,0	32,6	0,0	0,0	32,9	0,0	32,1	+	+	-	NA	
G47	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	31,4	0,0	30,8	0,0	0,0	30,7	0,0	31,7	+	+	-	NA	
G26	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	20,5	0,0	0,0	20,6	0,0	31,7	+	+	+	PA	
G29	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,7	0,0	21,1	0,0	0,0	20,9	0,0	32,2	+	+	+	PA	
G31	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,5	0,0	20,8	0,0	0,0	20,4	0,0	31,5	+	+	+	PA	
G33	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,8	0,0	19,3	0,0	0,0	19,2	0,0	32,0	+	+	+	PD	
G35	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	21,4	0,0	0,0	21,4	0,0	32,3	+	+	+	PA	
G40	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,7	0,0	26,1	0,0	0,0	25,8	0,0	31,8	+	+	+	PD	
G44	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	32,8	0,0	32,6	0,0	0,0	32,4	0,0	32,0	+	+	-	ND	
G45	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	22,0	0,0	0,0	21,7	0,0	31,6	+	+	+	PD	
G25	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,4	0,0	18,5	0,0	0,0	18,8	0,0	31,8	+	+	+	PA	
G28	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,4	0,0	18,9	0,0	0,0	18,7	0,0	31,8	+	+	+	PA	
G36	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	18,9	0,0	19,0	0,0	0,0	18,5	0,0	31,8	+	+	+	PA	
G38	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	19,9	0,0	0,0	19,9	0,0	32,4	+	+	+	PA	
G39	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,2	0,0	0,0	20,3	0,0	31,9	+	+	+	PA	
G42	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,7	0,0	19,9	0,0	0,0	19,4	0,0	32,2	+	+	+	PA	
G46	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	20,3	0,0	0,0	20,6	0,0	32,1	+	+	+	PA	
G48	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,9	0,0	0,0	19,8	0,0	32,1	+	+	+	PA	

Laboratory H

Aerobic mesophilic flora: $1,9 \cdot 10^5$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result		
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result			
H1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,7	-	-	-	NA
H3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,4	-	-	-	NA
H5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	NA
H12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,6	-	-	-	NA
H15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,6	-	-	-	NA
H18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	-	-	-	NA
H21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,7	-	-	-	NA
H24	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,0	-	-	-	NA
H4	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	ND
H7	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,8	0,0	22,2	0,0	0,0	22,8	0,0	33,6	+	+	+	+	PA
H10	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,0	0,0	23,0	0,0	0,0	24,0	39,9	33,6	+	+	+	+	PA
H11	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,0	0,0	23,8	0,0	0,0	23,7	0,0	32,5	+	+	+	+	PA
H14	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,6	0,0	23,1	0,0	0,0	23,3	0,0	32,9	+	+	+	+	PD
H16	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,6	0,0	23,9	0,0	0,0	24,2	0,0	32,6	+	+	+	+	PD
H20	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	21,7	0,0	0,0	21,8	0,0	32,4	+	+	+	+	PA
H22	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	23,0	0,0	0,0	23,6	0,0	31,9	+	+	+	+	PA
H2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	26,2	0,0	25,7	0,0	0,0	26,4	0,0	32,0	+	+	+	+	PA
H6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,4	0,0	24,7	0,0	0,0	24,6	0,0	32,1	+	+	+	+	PA
H8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	21,9	0,0	0,0	22,6	0,0	32,1	+	+	+	+	PA
H9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	0,0	21,9	0,0	0,0	22,3	0,0	32,7	+	+	+	+	PA
H13	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,5	0,0	21,9	0,0	0,0	22,7	0,0	33,4	+	+	+	+	PA
H17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	0,0	23,8	0,0	0,0	24,0	0,0	32,7	+	+	+	+	PA
H19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	0,0	21,4	0,0	0,0	22,1	0,0	32,3	+	+	+	+	PA
H23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,5	0,0	22,9	0,0	0,0	23,6	0,0	32,6	+	+	+	+	PA

Laboratory I

Aerobic mesophilic flora: 3,3.10⁸ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Final result	
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads															
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result	Confirmation result		
I1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	36,6	0,0	32,2	-	-	-	NA
I3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	35,4	0,0	35,5	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
I5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,4	0,0	0,0	35,1	0,0	32,8	-	-	-	NA
I12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	30,3	0,0	30,0	0,0	0,0	30,3	0,0	31,6	+	+	-	NA
I15	-	-	0,0	0,0	0,0	30,8	31,7	0,0	31,3	0,0	0,0	31,8	0,0	31,7	+	-	-	NA
I18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	33,8	0,0	32,1	0,0	0,0	33,8	0,0	31,7	+	+	-	NA
I21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,2	0,0	34,3	0,0	0,0	34,0	0,0	31,7	+	-	-	NA
I24	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,6	0,0	33,0	0,0	0,0	35,2	0,0	31,6	+	-	-	ND
I4	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,8	0,0	0,0	20,8	0,0	32,5	+	+	+	PA
I7	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,0	0,0	21,0	0,0	0,0	22,3	0,0	31,6	+	+	+	PA
I10	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	34,1	0,0	35,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,2	-	-	-	NA
I11	+	+	0,0	0,0	32,6	0,0	22,9	0,0	21,8	0,0	0,0	22,6	0,0	32,3	+	+	+	PA
I14	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	19,9	0,0	0,0	20,1	0,0	31,6	+	+	+	PA
I16	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	20,6	0,0	0,0	20,7	0,0	31,7	+	+	+	PD
I20	+	+	0,0	0,0	29,6	0,0	20,2	0,0	20,6	0,0	0,0	20,3	0,0	30,9	+	+	+	PA
I22	-	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,1	0,0	21,8	0,0	0,0	21,7	0,0	32,4	+	+	+	PD
I2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	25,0	0,0	24,7	0,0	0,0	24,4	0,0	32,5	+	+	+	PA
I6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	23,0	0,0	22,8	0,0	0,0	22,6	0,0	32,3	+	+	+	PA
I8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,4	0,0	22,5	0,0	0,0	22,3	0,0	32,1	+	+	+	PA
I9	+	+	0,0	0,0	37,3	38,0	22,4	0,0	21,6	0,0	0,0	22,5	0,0	31,9	+	+	+	PA
I13	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	21,3	0,0	20,5	0,0	0,0	21,2	23,6	31,3	+	+	-	ND
I17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	22,6	0,0	21,7	0,0	0,0	22,5	0,0	31,5	+	+	+	PA
I19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,3	0,0	19,8	0,0	0,0	19,9	0,0	31,1	+	+	+	PA
I23	+	+	35,2	0,0	0,0	0,0	21,2	0,0	20,8	0,0	0,0	21,2	0,0	32,3	+	+	+	PA

Laboratory J (ADRIA)

Aerobic mesophilic flora: $9,2 \cdot 10^4$ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136*	Alternative Method - GeneDisc® Plate																Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	Confirmation														Confirmation result		Final result
			GeneDisc® TOP7 on IMS beads																
			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR IMS Final result				
J1	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,5	-	-	-	NA
J3	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
J5	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA
J12	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
J15	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA
J18	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	NA
J21	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	NA
J24	-	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	NA
J4	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,0	0,0	20,8	0,0	0,0	20,9	0,0	0,0	31,9	+	+	+	PA
J7	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,2	0,0	19,9	0,0	0,0	20,5	0,0	0,0	31,5	+	+	+	PA
J10	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,3	0,0	21,1	0,0	0,0	21,3	0,0	0,0	31,5	+	+	+	PA
J11	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	ND
J14	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,6	0,0	20,3	0,0	0,0	20,7	0,0	0,0	32,2	+	+	+	PA
J16	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,3	0,0	21,0	0,0	0,0	21,0	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PA
J20	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	0,0	21,0	0,0	0,0	21,1	0,0	0,0	32,5	+	+	+	PA
J22	+	-	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,6	-	-	-	ND
J2	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,3	0,0	20,0	0,0	0,0	20,5	0,0	0,0	31,8	+	+	+	PA
J6	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,4	0,0	20,0	0,0	0,0	20,1	0,0	0,0	31,5	+	+	+	PA
J8	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,1	0,0	19,9	36,9	0,0	20,6	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PA
J9	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	19,5	0,0	19,8	0,0	0,0	19,9	0,0	0,0	32,3	+	+	+	PA
J13	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,1	0,0	0,0	20,4	0,0	0,0	32,7	+	+	+	PA
J17	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,5	0,0	20,1	0,0	0,0	20,3	0,0	0,0	31,6	+	+	+	PA
J19	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,4	0,0	20,2	0,0	0,0	20,9	0,0	0,0	32,0	+	+	+	PA
J23	+	+	0,0	0,0	0,0	0,0	20,2	0,0	19,9	0,0	0,0	20,2	0,0	0,0	31,8	+	+	+	PA

* Analyses performed according to the COFRAC accreditation

ADRIA Développement

Summary report (Version 0)

GeneDisc STEC

7. 5 - ALTERNATIVE METHOD RESULTS - Confirmation

Laboratory A1
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	GeneDisc® TOP7 on colonies													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
A1	-	-	-	-	-																-	-	NA	
A3	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A5	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A12	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A15	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A18	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A21	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A24	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A4	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	15,0	0,0	0,0	15,8	0,0	31,0	+	+	+	PA	
A7	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,3	0,0	0,0	15,8	0,0	31,9	+	+	+	PD	
A10	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,5	0,0	13,1	0,0	0,0	14,4	0,0	32,8	+	+	+	PA	
A11	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,3	0,0	14,1	0,0	0,0	16,2	0,0	31,9	+	+	+	PD	
A14	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A16	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,8	0,0	0,0	16,6	0,0	31,0	+	+	+	PD	
A20	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	15,0	0,0	0,0	15,6	0,0	31,6	+	+	+	PD	
A22	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,3	0,0	0,0	16,4	0,0	32,2	+	+	+	PA	
A2	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,4	0,0	13,6	0,0	0,0	14,4	0,0	31,3	+	+	+	PA	
A6	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,4	0,0	13,1	0,0	0,0	15,0	0,0	31,2	+	+	+	PA	
A8	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,0	0,0	0,0	15,9	0,0	31,6	+	+	+	PA	
A9	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,4	0,0	13,0	0,0	0,0	14,7	0,0	31,4	+	+	+	PA	
A13	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	15,1	0,0	0,0	16,5	0,0	31,5	+	+	+	PA	
A17	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,0	0,0	0,0	15,9	0,0	32,0	+	+	+	PA	
A19	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,3	0,0	0,0	16,7	0,0	31,7	+	+	+	PA	
A23	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,1	0,0	0,0	15,9	0,0	32,1	+	+	+	PA	

Laboratory A2
 Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
A27	-	-	-	-	-																-	-	NA	
A30	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A32	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A34	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A37	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A41	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A43	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A47	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A26	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,2	0,0	0,0	16,2	0,0	31,3	+	+	+	PA	
A29	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	15,2	0,0	0,0	16,2	0,0	32,1	+	+	+	PA	
A31	-	-	-	-	-																	-	-	NA
A33	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,0	0,0	0,0	16,6	0,0	32,4	+	+	+	PD	
A35	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,3	0,0	12,8	0,0	0,0	14,6	0,0	32,4	+	+	+	PD	
A40	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,3	0,0	14,4	0,0	0,0	15,2	0,0	32,2	+	+	+	PD	
A44	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,7	0,0	14,1	0,0	0,0	14,2	0,0	32,8	+	+	+	PA	
A45	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	16,1	0,0	0,0	16,4	0,0	32,0	+	+	+	PA	
A25	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	16,1	0,0	0,0	16,5	0,0	31,9	+	+	+	PA	
A28	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,3	0,0	0,0	16,0	0,0	31,3	+	+	+	PA	
A36	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,3	0,0	0,0	15,8	0,0	31,7	+	+	+	PA	
A38	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,1	0,0	0,0	15,8	0,0	31,6	+	+	+	PA	
A39	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,0	0,0	0,0	14,8	0,0	31,3	+	+	+	PA	
A42	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,5	0,0	0,0	15,7	0,0	32,6	+	+	+	PA	
A46	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,5	0,0	17,1	0,0	0,0	17,7	0,0	32,2	+	+	+	PA	
A48	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,4	0,0	0,0	16,1	0,0	31,4	+	+	+	PA	

Laboratory B1
 Aerobic mesophilic flora: 2,5.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® TOP7 on colonies																
								O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
B1	-	-	-	-	-	CS															-	-	NA	
B3	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B5	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B12	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B15	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B18	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B21	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B24	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B4	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B7	-	-	-	-	-	CS																-	-	NA
B10	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,7	0,0	16,3	0,0	0,0	16,8	0,0	0,0	+	+	+	PD	
B11	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	16,4	0,0	0,0	16,0	0,0	0,0	+	+	+	PA	
B14	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	0,0	17,0	0,0	0,0	17,8	0,0	0,0	+	+	+	PD	
B16	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	0,0	17,0	0,0	0,0	17,6	0,0	0,0	+	+	+	PD	
B20	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,1	0,0	16,1	0,0	0,0	15,8	0,0	0,0	+	+	+	PA	
B22	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	15,5	0,0	0,0	15,9	0,0	0,0	+	+	+	PD	
B2	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,7	0,0	18,1	0,0	0,0	18,7	0,0	0,0	+	+	+	PD	
B6	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,4	0,0	16,9	0,0	0,0	17,4	0,0	0,0	+	+	+	PA	
B8	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,5	0,0	0,0	15,8	0,0	0,0	+	+	+	PA	
B9	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	16,0	0,0	0,0	16,1	0,0	0,0	+	+	+	PA	
B13	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,2	0,0	18,9	0,0	0,0	18,2	0,0	0,0	+	+	+	PD	
B17	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,1	0,0	16,2	0,0	0,0	16,9	0,0	0,0	+	+	+	PA	
B19	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,3	0,0	16,9	0,0	0,0	17,5	0,0	0,0	+	+	+	PA	
B23	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	16,0	0,0	0,0	16,2	0,0	0,0	+	+	+	PA	

Laboratory B2
 Aerobic mesophilic flora: 2,3.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation												Confirmation result	Final result		
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC				PCR colony final result
B27	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B30	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B32	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B34	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B37	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B41	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B43	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B47	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B26	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	39,5	16,7	0,0	16,2	0,0	0,0	16,6	0,0	0,0	+	+	+	PD
B29	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	16,1	0,0	0,0	15,6	0,0	0,0	+	+	+	PD
B31	-	-	-	-	-	CS		0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA	
B33	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,4	0,0	17,0	0,0	0,0	17,7	0,0	0,0	+	+	+	PD
B35	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	40,1	16,6	0,0	16,2	0,0	0,0	16,7	0,0	0,0	+	+	+	PD
B40	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	16,2	0,0	0,0	15,7	0,0	0,0	+	+	+	PA
B44	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,1	0,0	16,3	0,0	0,0	16,7	0,0	0,0	+	+	+	PA
B45	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,9	0,0	0,0	16,0	0,0	0,0	+	+	+	PD
B25	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	18,6	0,0	18,0	0,0	0,0	18,1	0,0	0,0	+	+	+	PA
B28	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,7	0,0	17,1	0,0	0,0	17,6	0,0	0,0	+	+	+	PA
B36	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	16,1	0,0	0,0	16,6	0,0	0,0	+	+	+	PA
B38	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,2	0,0	16,3	0,0	0,0	16,8	0,0	0,0	+	+	+	PA
B39	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,1	0,0	16,3	0,0	0,0	16,9	0,0	0,0	+	+	+	PA
B42	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	40,6	16,0	0,0	15,7	0,0	0,0	15,7	0,0	0,0	+	+	+	PA
B46	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	40,1	16,6	0,0	16,1	0,0	0,0	16,6	0,0	0,0	+	+	+	PA
B48	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,9	0,0	0,0	15,8	0,0	0,0	+	+	+	PA

Laboratory B3
 Aerobic mesophilic flora: 2,6.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
B49	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B53	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B55	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B58	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B60	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B66	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B68	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B71	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B50	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B51	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,5	0,0	0,0	15,4	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PD
B54	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,3	0,0	15,5	0,0	0,0	16,0	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PD
B59	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,5	0,0	0,0	14,2	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PD
B63	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,2	0,0	0,0	14,3	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PD
B64	-	-	-	-	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	-	-	-	NA
B69	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,4	0,0	14,4	0,0	0,0	14,0	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PD
B72	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,0	0,0	15,6	0,0	0,0	15,5	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA
B52	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,1	0,0	0,0	15,5	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA
B56	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,6	0,0	0,0	15,6	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PD
B57	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,7	0,0	0,0	15,3	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA
B61	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	14,5	0,0	0,0	15,1	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA
B62	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,9	0,0	0,0	14,9	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA
B65	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,2	0,0	0,0	14,5	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA
B67	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	14,9	0,0	0,0	15,1	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA
B70	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,1	0,0	0,0	15,7	0,0	0,0	0,0	+	+	+	PA

Laboratory **C**
 Aerobic mesophilic flora: 1,6.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
C1	-	-	-	-	-																-	-	NA	
C3	-	-	-	-	-	Both	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	NA	
C5	-	-	-	-	-																	-	-	NA
C12	-	-	-	-	-																	-	-	NA
C15	-	-	-	-	-																	-	-	NA
C18	-	-	-	-	-	Both	2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	NA	
C21	-	-	-	-	-	Both	2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	NA	
C24	-	-	-	-	-	Both	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	NA	
C4	+	+	+	-	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,3	0,0	0,0	14,6	0,0	32,6	+	+	+	PA	
C7	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,1	0,0	0,0	14,2	0,0	32,0	+	+	+	PA	
C10	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	14,2	0,0	0,0	14,3	0,0	31,8	+	+	+	PA	
C11	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,6	0,0	0,0	14,6	0,0	32,3	+	+	+	PA	
C14	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	13,5	0,0	0,0	14,1	0,0	32,1	+	+	+	PA	
C16	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	14,7	0,0	0,0	15,0	0,0	31,7	+	+	+	PD	
C20	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,3	0,0	0,0	15,2	0,0	32,7	+	+	+	PA	
C22	+	-	-	-	-	Both	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	-	-	-	ND	
C2	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	15,1	0,0	0,0	14,7	0,0	32,6	+	+	+	PA	
C6	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,1	0,0	0,0	15,5	0,0	31,6	+	+	+	PA	
C8	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,4	0,0	0,0	13,9	0,0	31,5	+	+	+	PA	
C9	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,4	0,0	0,0	14,5	0,0	32,1	+	+	+	PA	
C13	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,4	0,0	0,0	15,3	0,0	32,4	+	+	+	PA	
C17	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	15,6	0,0	0,0	15,7	0,0	32,2	+	+	+	PA	
C19	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,2	0,0	0,0	15,6	0,0	32,0	+	+	+	PA	
C23	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	16,1	0,0	0,0	15,9	0,0	31,9	+	+	+	PA	

Laboratory D
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
D1	-	-	-	-	-																-	-	NA	
D3	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D5	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D12	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D15	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D18	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D21	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D24	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D4	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,6	0,0	0,0	16,2	0,0	38,9	+	+	+	PA	
D7	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,5	0,0	0,0	14,9	0,0	32,8	+	+	+	PA	
D10	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	16,3	0,0	32,9	+	+	+	PA	
D11	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,6	0,0	0,0	17,2	0,0	32,3	+	+	+	PD	
D14	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	15,2	0,0	0,0	16,2	0,0	32,6	+	+	+	PD	
D16	-	-	-	-	-																	-	-	NA
D20	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	15,6	0,0	0,0	16,8	0,0	32,5	+	+	+	PA	
D22	+	-	-	-	-																	-	-	ND
D2	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	14,8	0,0	0,0	16,5	0,0	32,3	+	+	+	PA	
D6	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	0,0	17,0	0,0	0,0	18,1	0,0	33,0	+	+	+	PA	
D8	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,0	0,0	15,2	0,0	0,0	16,2	0,0	36,2	+	+	+	PA	
D9	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	15,1	0,0	0,0	15,8	0,0	32,5	+	+	+	PA	
D13	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,7	0,0	0,0	17,0	0,0	35,0	+	+	+	PA	
D17	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,3	0,0	0,0	15,1	0,0	32,4	+	+	+	PA	
D19	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,8	0,0	0,0	15,9	0,0	33,5	+	+	+	PA	
D23	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,6	0,0	0,0	15,4	0,0	32,8	+	+	+	PA	

Laboratory E1
 Aerobic mesophilic flora: 1,2.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result			
E1	-	-	+	-	-																-	-	NA
E3	-	-	+	-	-																-	-	NA
E5	-	-	+	-	-																-	-	NA
E12	-	-	+	-	-																-	-	NA
E15	-	-	+	-	-																-	-	NA
E18	-	-	+	-	-																-	-	NA
E21	-	-	+	-	-																-	-	NA
E24	-	-	+	-	-																-	-	NA
E4	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,3	0,0	14,1	0,0	0,0	14,3	0,0	0,0	+	+	+	PA
E7	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,0	0,0	12,5	0,0	0,0	14,0	0,0	31,6	+	+	+	PD
E10	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,1	0,0	14,7	0,0	0,0	14,9	0,0	32,1	+	+	+	PA
E11	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,2	0,0	0,0	15,3	0,0	32,5	+	+	+	PD
E14	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,3	0,0	17,1	0,0	0,0	17,7	0,0	32,1	+	+	+	PA
E16	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	11,9	0,0	12,4	0,0	0,0	12,7	0,0	30,6	+	+	+	PD
E20	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,6	0,0	0,0	15,6	0,0	31,7	+	+	+	PA
E22	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,7	0,0	15,5	0,0	0,0	16,8	0,0	33,5	+	+	+	PA
E2	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,1	0,0	9,0	0,0	0,0	14,5	0,0	33,2	+	+	+	PA
E6	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,4	0,0	12,2	0,0	0,0	14,3	0,0	31,9	+	+	+	PA
E8	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,1	0,0	0,0	15,8	0,0	32,7	+	+	+	PA
E9	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,9	0,0	15,2	0,0	0,0	16,8	0,0	32,2	+	+	+	PA
E13	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,5	0,0	13,1	0,0	0,0	15,1	0,0	31,7	+	+	+	PA
E17	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,4	0,0	0,0	17,6	0,0	32,0	+	+	+	PA
E19	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,4	0,0	0,0	15,6	0,0	32,2	+	+	+	PA
E23	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	14,7	0,0	0,0	15,8	0,0	34,0	+	+	+	PA

Laboratory E2
 Aerobic mesophilic flora: 1,1.10⁶ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result			
E27	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,5	0,0	13,2	0,0	0,0	13,9	0,0	33,1	+	+	-	NA
E30	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	12,5	0,0	0,0	14,7	0,0	34,3	+	+	-	NA
E32	-	-	-	-	-																-	-	NA
E34	-	-	+	-	-																-	-	NA
E37	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,9	0,0	32,8	+	+	-	NA
E41	-	-	+	-	-																-	-	NA
E43	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,1	-	-	-	NA
E47	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,3	0,0	15,6	0,0	0,0	16,7	0,0	32,2	+	+	-	NA
E26	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,3	0,0	0,0	14,7	0,0	32,1	+	+	+	PA
E29	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,5	0,0	16,3	0,0	0,0	16,6	0,0	32,8	+	+	+	PD
E31	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	13,7	0,0	0,0	14,9	0,0	33,1	+	+	+	PD
E33	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,1	0,0	13,1	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA
E35	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	16,0	0,0	0,0	15,8	0,0	33,3	+	+	+	PA
E40	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	10,6	0,0	11,1	0,0	0,0	0,0	0,0	32,5	-	-	-	ND
E44	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,7	0,0	12,3	0,0	0,0	0,0	0,0	32,3	-	-	-	NA
E45	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,9	0,0	11,7	0,0	0,0	0,0	0,0	32,7	-	-	-	NA
E25	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,6	0,0	12,5	0,0	0,0	13,9	0,0	31,4	+	+	+	PA
E28	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,0	0,0	14,5	0,0	0,0	14,3	0,0	32,1	+	+	+	PA
E36	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,6	0,0	0,0	16,0	0,0	33,0	+	+	+	PA
E38	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	16,2	0,0	0,0	16,7	0,0	32,5	+	+	+	PA
E39	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,2	0,0	15,4	0,0	0,0	16,1	0,0	32,0	+	+	+	PA
E42	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,6	0,0	12,9	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	-	-	ND
E46	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,6	0,0	12,3	0,0	0,0	0,0	0,0	33,4	-	-	-	ND
E48	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	12,7	0,0	13,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,9	-	-	-	ND

Laboratory F
 Aerobic mesophilic flora: 1,4.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
F1	-	-																			-	-	NA	
F3	-	-																				-	-	NA
F5	-	-																				-	-	NA
F12	-	+	+	- (1)	-																	-	-	PPNA
F15	-	-																				-	-	NA
F18	-	-																				-	-	NA
F21	-	-																				-	-	NA
F24	-	-																				-	-	NA
F4	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,0	0,0	0,0	16,4	0,0	32,5	+	+	+	PD	
F7	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	16,1	0,0	0,0	16,5	0,0	32,4	+	+	+	PA	
F10	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	15,1	0,0	0,0	14,4	0,0	31,6	+	+	+	PD	
F11	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	15,5	0,0	0,0	15,9	0,0	32,5	+	+	+	PA	
F14	+	+	+	+	+	Both	2	0,0	0,0	0,0	0,0	14,4	0,0	14,0	0,0	0,0	14,0	0,0	31,9	+	+	+	PA	
F16	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	15,5	0,0	0,0	15,8	0,0	31,9	+	+	+	PA	
F20	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,4	0,0	0,0	14,5	0,0	31,8	+	+	+	PA	
F22	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,3	0,0	0,0	15,8	0,0	31,4	+	+	+	PA	
F2	+	+	+	+	+	Both	2	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,4	0,0	0,0	14,7	0,0	32,3	+	+	+	PA	
F6	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,2	0,0	0,0	15,4	0,0	32,1	+	+	+	PA	
F8	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,3	0,0	16,0	0,0	0,0	16,2	0,0	31,3	+	+	+	PA	
F9	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,4	0,0	0,0	15,7	0,0	32,0	+	+	+	PA	
F13	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,9	0,0	0,0	16,0	0,0	32,9	+	+	+	PA	
F17	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,4	0,0	0,0	15,8	0,0	32,2	+	+	+	PA	
F19	+	+	+	+	+	CS	2	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,2	0,0	0,0	15,4	0,0	31,6	+	+	+	PA	
F23	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,1	0,0	0,0	15,2	0,0	32,2	+	+	+	PA	

(1) F12=Negative PCR on regrowth in mTSB

Laboratory **G1**
 Aerobic mesophilic flora: 2,7.10³ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement				
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result			
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® TOP7 on colonies																		
								O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result						
G1	-	+	+	-	-	-	-															-	-	-	NA	
G3	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,6	0,0	0,0	14,8	0,0	32,0	+	+	+	+	+	+	PD
G5	-	+	+	+	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,5	0,0	0,0	14,8	0,0	31,9	+	+	+	+	+	+	PD
G12	-	-	+	+	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	13,5	0,0	0,0	13,6	0,0	31,8	+	+	-	-	-	NA	
G15	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,4	0,0	0,0	14,5	0,0	31,9	+	+	-	-	-	NA	
G18	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,2	0,0	0,0	15,2	0,0	33,8	+	+	-	-	-	NA	
G21	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	13,5	0,0	0,0	13,9	0,0	31,9	+	+	-	-	-	NA	
G24	+	O103	+	+	-	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,4	0,0	0,0	14,5	0,0	31,7	+	+	-	-	-	ND	
G4	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,0	0,0	14,6	0,0	0,0	14,8	0,0	31,8	+	+	+	+	+	+	PA
G7	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,5	0,0	32,0	+	+	+	+	+	+	PD
G10	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,9	0,0	15,2	0,0	0,0	15,0	0,0	31,6	+	+	+	+	+	+	PA
G11	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,1	0,0	0,0	15,0	0,0	31,9	+	+	+	+	+	+	PA
G14	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,6	0,0	0,0	15,2	0,0	31,7	+	+	+	+	+	+	PA
G16	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,3	0,0	0,0	15,6	0,0	31,5	+	+	+	+	+	+	PA
G20	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	13,4	0,0	0,0	14,0	0,0	31,9	+	+	+	+	+	+	PD
G22	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,7	0,0	0,0	15,0	0,0	31,8	+	+	+	+	+	+	PA
G2	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,4	0,0	31,9	+	+	+	+	+	+	PA
G6	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,6	0,0	16,1	0,0	0,0	16,3	0,0	32,1	+	+	+	+	+	+	PA
G8	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,1	0,0	0,0	15,5	0,0	31,7	+	+	+	+	+	+	PA
G9	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	15,3	0,0	0,0	15,5	0,0	31,8	+	+	+	+	+	+	PA
G13	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,5	0,0	0,0	13,9	0,0	31,6	+	+	+	+	+	+	PA
G17	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,8	0,0	32,1	+	+	+	+	+	+	PA
G19	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,2	0,0	0,0	16,3	0,0	31,1	+	+	+	+	+	+	PA
G23	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,5	0,0	0,0	14,8	0,0	31,6	+	+	+	+	+	+	PA

Laboratory **G2**
 Aerobic mesophilic flora: 1,8.10³ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® TOP7 on colonies															
								O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result			
G27	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,7	0,0	0,0	15,1	0,0	31,6	+	+	-	NA
G30	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,4	0,0	0,0	13,6	0,0	31,2	+	+	-	NA
G32	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,5	0,0	0,0	14,7	0,0	32,1	+	+	-	NA
G34	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,5	0,0	0,0	15,3	0,0	31,7	+	+	-	NA
G37	-	+	+	-	-															-	-	-	NA
G41	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	14,9	0,0	0,0	15,3	0,0	32,0	+	+	-	NA
G43	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,4	0,0	13,9	0,0	0,0	12,4	0,0	32,8	+	+	-	NA
G47	-	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,5	0,0	0,0	14,5	0,0	31,1	+	+	-	NA
G26	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,8	0,0	15,7	0,0	0,0	16,4	0,0	31,7	+	+	+	PA
G29	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,7	0,0	0,0	15,7	0,0	32,0	+	+	+	PA
G31	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,9	0,0	16,1	0,0	0,0	15,5	0,0	32,8	+	+	+	PA
G33	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,6	0,0	32,3	+	+	+	PD
G35	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,2	0,0	14,6	0,0	0,0	15,0	0,0	32,0	+	+	+	PA
G40	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,3	0,0	0,0	14,1	0,0	31,9	+	+	+	PD
G44	+	-	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	13,4	0,0	0,0	13,7	0,0	32,0	+	+	-	ND
G45	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,6	0,0	31,6	+	+	+	PD
G25	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,4	0,0	0,0	16,6	0,0	32,3	+	+	+	PA
G28	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,6	0,0	0,0	15,2	0,0	31,9	+	+	+	PA
G36	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,5	0,0	0,0	13,4	0,0	31,9	+	+	+	PA
G38	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,5	0,0	0,0	14,8	0,0	31,5	+	+	+	PA
G39	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	14,5	0,0	0,0	14,7	0,0	31,7	+	+	+	PA
G42	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,3	0,0	0,0	14,4	0,0	31,6	+	+	+	PA
G46	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,6	0,0	0,0	14,8	0,0	31,8	+	+	+	PA
G48	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	14,6	0,0	0,0	14,8	0,0	32,4	+	+	+	PA

Laboratory H
 Aerobic mesophilic flora: 1,9.10⁵ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
H1	-	-	-	-	-																-	-	NA	
H3	-	-	-	-	-																	-	-	NA
H5	-	-	-	-	-																	-	-	NA
H12	-	-	-	-	-																	-	-	NA
H15	-	-	-	-	-																	-	-	NA
H18	-	-	-	-	-																	-	-	NA
H21	-	-	-	-	-																	-	-	NA
H24	-	-	-	-	-																	-	-	NA
H4	+	-	-	-	-																	-	-	ND
H7	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,3	0,0	0,0	14,7	0,0	32,8	+	+	+	PA	
H10	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	15,0	0,0	0,0	14,6	0,0	31,7	+	+	+	PA	
H11	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,2	0,0	0,0	14,6	0,0	32,7	+	+	+	PA	
H14	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,1	0,0	0,0	14,4	0,0	32,4	+	+	+	PD	
H16	-	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	14,7	0,0	0,0	15,7	0,0	33,7	+	+	+	PD	
H20	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,4	0,0	0,0	14,7	0,0	33,0	+	+	+	PA	
H22	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,3	0,0	14,6	0,0	0,0	15,5	0,0	33,3	+	+	+	PA	
H2	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,4	0,0	0,0	16,4	0,0	32,6	+	+	+	PA	
H6	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,3	0,0	0,0	16,0	0,0	31,8	+	+	+	PA	
H8	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	15,6	0,0	0,0	16,3	0,0	32,3	+	+	+	PA	
H9	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,5	0,0	0,0	14,9	0,0	32,7	+	+	+	PA	
H13	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,4	0,0	0,0	15,1	0,0	32,5	+	+	+	PA	
H17	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,5	0,0	0,0	14,7	0,0	32,7	+	+	+	PA	
H19	+	+	+	+	+	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,1	0,0	0,0	13,6	0,0	32,8	+	+	+	PA	
H23	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,4	0,0	0,0	15,0	0,0	32,3	+	+	+	PA	

Laboratory I
 Aerobic mesophilic flora: 3,3.10⁸ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement		
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result	
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			GeneDisc® TOP7 on colonies																
								O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result				
I1	-	-	-	-	-	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,2	-	-	-	NA
I3	-	-	-	-	-	CS	2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,1	-	-	-	NA
I5	-	-	-	-	-	CT	7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,5	-	-	-	NA
I12	-	-	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	16,1	0,0	0,0	16,2	0,0	0,0	32,8	+	+	-	NA
I15	-	-	+	-	-	CT	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,7	-	-	-	NA	
I18	-	-	+	+	-	CT	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	-	+	-	NA
						CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	17,7	0,0	16,6	0,0	0,0	18,4	0,0	32,9	+				
I21	-	-	+	-	-	CT	3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	39,7	0,0	31,4	-	-	-	NA	
I24	+	-	+	-	-	CT	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	ND	
I4	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	15,4	0,0	0,0	16,5	0,0	33,6	+	+	+	PA	
I7	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,7	0,0	15,9	0,0	0,0	16,3	0,0	32,2	+	+	+	PA	
I10	-	-	-	-	-	CT	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	-	-	-	NA	
I11	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	14,7	0,0	0,0	16,6	0,0	32,5	+	+	+	PA	
I14	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	0,0	15,4	0,0	0,0	15,4	0,0	32,8	+	+	+	PA	
I16	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	0,0	15,2	0,0	0,0	16,0	0,0	32,2	+	+	+	PD	
I20	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,4	0,0	0,0	15,0	0,0	31,6	+	+	+	PA	
I22	-	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,3	0,0	15,6	0,0	0,0	15,9	0,0	31,7	+	+	+	PD	
I2	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	26,6	0,0	15,8	0,0	16,3	0,0	0,0	16,5	0,0	32,4	+	+	+	PA	
I6	+	+	+	+	+	CT	1	27,3	0,0	0,0	0,0	16,5	0,0	15,3	0,0	0,0	16,7	0,0	32,8	+	+	+	PA	
I8	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,2	0,0	15,9	0,0	0,0	15,9	0,0	31,9	+	+	+	PA	
I9	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	16,4	0,0	16,1	0,0	0,0	16,6	0,0	31,8	+	+	+	PA	
I13	+	-	+	+	+	CT	1	37,5	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,9	0,0	0,0	15,0	0,0	31,5	+	+	-	ND	
I17	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,2	0,0	14,8	0,0	0,0	15,5	0,0	32,0	+	+	+	PA	
I19	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,8	0,0	31,6	+	+	+	PA	
I23	+	+	+	+	+	CT	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,2	0,0	0,0	15,6	0,0	31,8	+	+	+	PA	

Laboratory J (ADRIA)

Aerobic mesophilic flora: 9,2.10⁴ CFU/g

N°Sample	Reference Method ISO/TS 13136*	Alternative Method - GeneDisc® Plate																				Agreement	
		GeneDisc® TOP7 PCR result	GeneDisc® TOP7 on IMS beads result	Characteristic colonies (+/-)		Media tested	Number of tested colonies	Confirmation													Confirmation result		Final result
				CHROMagar STEC	CT-RMAC			O103	O111	O145	O157	O26	O45-O121	stx1 / stx2	Vir. O111	Vir. O145-O157	Vir. O26	Vir. O45-O103-O121	IC	PCR colony final result			
J1	-	-	-	-	-																-	-	NA
J3	-	-	-	st	-																-	-	NA
J5	-	-	-	-	-																-	-	NA
J12	-	-	-	st	-																-	-	NA
J15	-	-	-	-	-																-	-	NA
J18	-	-	-	st	-																-	-	NA
J21	-	-	-	-	-																-	-	NA
J24	-	-	-	-	-																-	-	NA
J4	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,3	0,0	0,0	16,2	0,0	31,7	+	+	+	PA
J7	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,5	0,0	0,0	15,3	0,0	31,5	+	+	+	PA
J10	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,6	0,0	14,6	0,0	0,0	15,3	0,0	32,6	+	+	+	PA
J11	+	-	-	-	-																-	-	ND
J14	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,4	0,0	0,0	14,4	0,0	31,8	+	+	+	PA
J16	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,1	0,0	14,5	0,0	0,0	15,1	0,0	32,6	+	+	+	PA
J20	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,7	0,0	14,4	0,0	0,0	15,0	0,0	32,3	+	+	+	PA
J22	+	-	-	st	-																-	-	ND
J2	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,7	0,0	15,2	0,0	0,0	15,8	0,0	32,1	+	+	+	PA
J6	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	15,6	0,0	15,2	0,0	0,0	16,1	0,0	32,3	+	+	+	PA
J8	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,8	0,0	14,8	0,0	0,0	15,2	0,0	31,8	+	+	+	PA
J9	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,5	0,0	14,6	0,0	0,0	14,9	0,0	31,5	+	+	+	PA
J13	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,3	0,0	13,9	0,0	0,0	14,5	0,0	32,9	+	+	+	PA
J17	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	14,9	0,0	14,7	0,0	0,0	15,4	0,0	31,9	+	+	+	PA
J19	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,5	0,0	0,0	13,5	0,0	32,2	+	+	+	PA
J23	+	+	+	+p	+p	CS	1	0,0	0,0	0,0	0,0	13,6	0,0	13,2	0,0	0,0	13,9	0,0	32,1	+	+	+	PA